科学研究費助成事業 研究成果報告書



平成 30 年 6 月 13 日現在

機関番号: 34315

研究種目: 基盤研究(C)(一般)

研究期間: 2015~2017

課題番号: 15K06926

研究課題名(和文)宿主自然免疫ゲノム情報の発現制御に基づく革新的インフルエンザ予防・治療薬の開発

研究課題名(英文) Development of next-generation nucleic acid medicines based on the anti-influenza viral regulatory antisense RNA

研究代表者

木村 富紀 (Kimura, Tomonori)

立命館大学・薬学部・教授

研究者番号:40186325

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,800,000円

研究成果の概要(和文):タンパク質非コード性RNAが示す遺伝子発現制御機能を利用して次世代核酸医薬を開発する目的で、その制御ドメイン塩基配列からなるオリゴ核酸を作製し、生体における遺伝子発現制御効果を検証した。

叫した。 現体的には、抗ウイルス性自然免疫エフェクター分子をコードするインターフェロン (IFN)- 1遺伝子mRNAの発現を転写後性に制御するIFN- 1 アンチセンスRNA (AS)に着目し、その制御ドメイン塩基配列から設計した antisense oligoribonuclotideが、新たに作製したインフルエンザウイルス感染モデル動物体内で示す自然免疫 制御反応とその結果示されたウイルス力価の減衰を検証した。

研究成果の概要(英文): We reported a natural antisense (AS) RNA as an important modulator of IFN-1 mRNA levels. We showed that IFN- 1 AS promotes IFN- 1 mRNA stability by transient duplex formation and inhibition of miR-1270-induced mRNA decay. Here, we performed a proof-of-concept experiment to verify the AS-mRNA regulatory axis exerts in vivo control over the expression of innate immunity by the proposed actions of IFN- 1 AS. We established a guinea pig model system for influenza virus infection, which encodes a functional MX1 gene, an important antiviral effector in the type I IFN pathway. This system allowed us to investigate the effects of antisense oligoribonucleotides (asORNs) representing functional domains of guinea pig IFN- 1 AS on gpIFN- 1 mRNA levels and, consequently, on viral proliferation in the respiratory tract of influenza virus A-infected animals. The results indicate that, in light of the proposed actions, the asORNs may modulate the level of IFN- 1 mRNA expression in vivo.

研究分野: RNA生物学、分子生物学、ウイルス学

キーワード: 制御性RNA タンパク質非コード性RNA アンチセンスRNA 遺伝子発現制御 Proof-of-Concept実験

1.研究開始当初の背景

2012 年 9 月 に、ENCODE (the Encyclopedia of DNA Elements)プロジェクトの完了報告がなされた。この中で、タンパク質をコードする遺伝子がわずか 3%足らずしか占めないヒトゲノムから、その 80%余りに由来する転写産物が読み出される理由は、これら遺伝子の発現制御に関わるタンパク質非コード性 (nc)RNA に起因する事が指摘された。この結果、これら制御性の ncRNA をコードする DNA 領域を RNA 遺伝子と捉える、新たな遺伝子の概念が提唱された (The ENCODE Project Consortium, Nature, 2012)。

われわれは、ENCODE による発表がなさ れる以前から、この ncRNA のうち長鎖 (200 塩基長以上)の ncRNA (IncRNA)に分類される 内因性のアンチセンス RNA (AS)に着目し、そ の転写後性の遺伝子発現制御について研究を 進めて来た (Matsui et al., Hepatology, 2008)。 さらには、Frontiers in Bioscience (Landmark edition; IF 4.249 (2013)] O Managing Editor \succeq して、Special issue: Regulatory long non-coding RNA を企画・立案、編集し、ENCODE の完 了に先立つ 2012 年 1 月に IncRNA の遺伝子発 現制御機能に関するフォーラムを立ち上げた (下図)。この Special issue は、今年度に改訂 を計画しており、既に研究業績の1にあげた 総説 (Nishizawa et al., FBS Landmark edition, 2015)を追加している。

図: FBS special issue on regulatory long non-coding RNA



- [Abstract] [Full text] [PDF] [Order reprint tf-4015] [DOI No:10.2741/4015] [PubMed No: 22201832]
- Diverse function of nuclear non-coding RNAs in eukaryotic gene expre Madoka Chines, Tokio Tani [Frontiers in Bicsclence, landmark, 17, 1402-1417, January 1,2012] [Abstract [Full txt] [PDF] [Croler reprint #3894] [DDI Not10 2741/3994] [PubMed Not 22201811]
- Regulation of inducible gene expression by natural antiserse transcripts
 Mikio Nishizzes, Tadayoshi Okumura, Yukinobu kiyay, Tomioni Kimura
 [Frontiers in Biscolence, landmark, 17, 938-956, January 1,2012]
 Abbetted [Full text] PCPII [Croler reprint #,3850]
 DCI N.D.1.274(1);955] [PubMed No: 22201782]
- Post-transcriptional inducible gene regulation by natural antisense R Misc Nishzuwa, Vulnobu Reya, Tadqosah (Kumura, Tominot Kimura Fronders in Biocistone, Landmark, 7, 1-1, January 1,2015)
 Jobassed (Full land (POF) Order reprint #2780)
 DOI No.102-741/2780)

このような研究背景のもと、われわれはこれまでに、IncRNAである内因性 AS の機能中心塩基配列からなるアンチセンスオリゴリボヌクレオチド (asORN)が、宿主抗ウイルス性自然免疫の主エフェクターをコードするヒトインターフェロン(IFN)-α 1 mRNA の発現を転写後性に増大する事を報告した。

2.研究の目的

これまでに、ヒト IFN-α I mRNA を転写後性に安定化し、その発現を増大する AS と、この安定化機能に関わる塩基配列を持つasORN は全長の AS と同程度に mRNA 発現を増加することを発見・報告した (Kimura et al., CMLS, 2013)。 さらには、この asORN による宿主自然免疫制御とウイルス力価の低下を生体レベルで証明する Proof of Concept (POC)実験に最近成功した。本計画では、この創薬シーズを基にする自然免疫制御性抗ウイルス薬

を開発する目的で、前臨床試験に含まれる各種試験の内、最適化した asORN を使用し、初代培養細胞を含むヒト培養細胞を用いて作用メカニズムを検討する薬効薬理試験を実施する。

3.研究の方法

- (1) Bioinformatics 解析と抗ウイルス生物活性測定によるモルモット IFN-α l 遺伝子の分子クローニング。
- (2) モルモット IFN-α1 mRNA 2 次構造から作成したセンスオリゴヌクレオチド (seODN)を用いたモルモット IFN-α1 AS 発現のノックダウン (KD)と本 AS の IFN-α1 mRNA 認識ドメインのマッピング。
- (3) (2)で決定したモルモット IFN-α 1 AS 上の mRNA 認識ドメイン配列からなる asORN によるモルモット IFN-α 1 mRNA 発現制御活性の検証。
- (4) Drug Delivery System (DDS)として採用 した生体分解性 PLGA ナノ粒子への asORN 封入条件の、モルモット胎児線 維芽細胞を用いた至適化。
- (5) asORN を封入した PLGA ナノ粒子吸入 投与に基づく、モルモット IFN-α l mRNA 発現増大とウイルス力価の減衰 を感染モルモット気道内で確認、評価。
- (6) (3)で決定したモルモット asORN の作 用メカニズムをバイオインフォマティ クスにより解析。
- (7) ヒト乳がんにおいて高発現し、その悪性 転化に関わることが知られる Erythropoietin-producing hepatocellular (EPH)A2 遺伝子アンチセンス RNA のノ ーザンブロッティング並びに 5'-RACE による同定。
- (8) 上記(2), (3)の方法を援用した EphA2 AS の同 mRNA 発現制御効果の検討。
- (9) 乳がん悪性転化の表現型である細胞増殖と遊走に及ぼす EphA2 AS の影響の検討: EphA2 AS KD 細胞を用いた増殖曲線の作製とスクラッチアッセイ。
- (10) RNAseq 法に基づく EphA2 AS KD 細胞トランスクリプトームの網羅的解析。
- (11) (10)の結果で得た、EphA2 AS/mRNA/タンパク質の下流に位置し、乳がん細胞の増殖と遊走に関わるシグナル経路エフェクター分子の EphA2 AS KD 細胞におけるレポーターアッセイ。

4. 研究成果

- (1) バイオインフォマティクスと抗ウイル ス活性に基づくモルモット IFN-α l 遺伝 子の分子クローニング。
- (2) モルモット IFN-α1 AS 発現の KD 結果 に基づく IFN-α1 mRNA 認識、発現制御 ドメインの決定。
- (3) (2)で決定した発現制御ドメイン配列に 基 づき 設 計 した asORN が 示 す

- IFN-α1 mRNA 発現制御活性の確認。
- (4) ヒトインフルエンザウイルス A/PR/8/34 を感染させたモルモット気道局所に(3) の asORN を送達させるための DDS 系の 樹立: DDS として採用した生体分解性 PLGA ナノ粒子への asORN 封入条件の 至適化。
- (5) asORN を封入した PLGA ナノ粒子吸入 投与に基づく、モルモット IFN-α1 mRNA 発現増大とウイルス力価の減衰 を感染モルモット気道内で確認する Proof-of-concept 実験の実施、評価。
- (6) バイオインフォマティクス解析による asORN 作用メカニズムの検討。
- (7) (1)-(6)の研究成果を含む特願の公開 (特開 2016-130227)と論文作成(投稿中)本 asORNをシーズとする分子核酸 医薬は、宿主抗ウイルス性自然免疫の早期立ち上げを介して、季節性インフルエンザ流行シーズンにおける感染予防を可能にするだけでなく、ノイラミニダーゼ阻害薬が無効な変異ウイルスに対する治療効果が期待できる優位性を有すると期待される。
- (8) ノーザンブロッティング並びに 5'-RACEによる EphA2 AS の同定と塩基 配列の決定。
- (9) EphA2 AS KD と過剰発現並びに AS 変 異体を用いた EphA2 AS による同 mRNA 発現制御メカニズムの解析。
- (10) EphA2 AS KD 細胞のトランスクリプト ーム解析と KD に伴い有意に変動する 下流シグナル経路の特定。
- (11) 特定したシグナル経路に固有なエフェクター分子に対するレポーターを用い、 EphA2 AS による当該シグナル経路制御への機能的関与の検証。
- (12) 乳がん悪性転化に関わる表現形質発現 に対する EphA2 AS 関与の検証:乳がん 細胞の増殖と遊走に対する EphA2 AS KD 効果の解析。
- (13) (7) (12)の成果をまとめた論文を準備中。

5 . 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

[雑誌論文](計 3 件)

- 1. Noriyuki Yoshida and Tominori Kimura. Pathogen-associated regulatory non-coding RNAs and oncogenesis. Frontiers in Bioscience (LandMark edition), 22: 1599-1621, 2017 (査読有り). DOI: 10. 2741/4560
- 2. <u>Mikio Nishizawa</u> and <u>Tominori Kimura</u>. RNA networks that regulate mRNA expression and their potential as drug targets. RNA & DISEASE, 3: e864, 2016 (査 読有り). DOI: 10.14800/rd.864

3. Tominori Kimura, Shiwen Jiang, Noriyuki Yoshida, Ryou Sakamoto and Mikio Nishizawa. Interferon-alpha competing endogenous RNA network antagonizes microRNA-1270. Cellular and Molecular Life Sciences, 72 (14): 2749-2761, 2015 (査読有り). DOI: 10.1007/s00018-015-1875-5

[学会発表](計 13件)

- 吉田 徳之、 <u>蒋 時文</u>、 坂本 凌、 尾川原 彩、 近藤 芽衣、 道渕 真史、 <u>木村富紀</u>: 内在性インターフェロン-alpha1 アンチセンス RNA はネットワークを形成し、miR-1270 に拮抗するアクセシビリティの高い ceRNA として機能する. Consortium of Biological Sciences 2017, 2017.
- 2. 坂本 凌、<u>吉田 徳之</u>、<u>木村 富紀</u>: ヒト 乳がん細胞増殖に関わる *EphA2* 遺伝子 発現に対する Active Hexose Correlated Compound の効果検討. Consortium of Biological Sciences 2017、2017.
- 3. Ryou Sakamoto, <u>Noriyuki Yoshida</u>, <u>Tominori Kimura</u>: Effects of AHCC on *EphA2* gene expression for human mammary tumor cell transformation. International Congress on Nutrition and Integrative Medicine 2017, 2017.
- 4. 坂本 凌、<u>大高 時文</u>、吉田 徳之、<u>木村 富</u> <u>紀</u>: ヒト乳がん細胞増殖と *EphA2* 遺伝 子発現に及ぼす Active Hexose Correlated Compound の効果. 第39回日本分子生物 学会年会、2016.
- 5. Tokifumi Odaka, Ryou Sakamoto, Noriyuki Yoshida, Tominori Kimura: Effect of AHCC on metastatic mammary carcinoma-derived MDA-MB-231 cell proliferation, and *EphA2* gene expression that affects the tumor cell growth. International Congress on Nutrition and Integrative Medicine 2016, 2016.
- 6. <u>木村 富紀</u>、塚田 雄亮、<u>大高 時文</u>、辻 元 広行: 非コード性 RNA に由来する 核酸医薬シーズと生分解性 DDS の一体 開発による新規抗インフルエンザ薬の 創出. 日本核酸医薬学会第1回年会、 2015.
- 7. <u>吉田 徳之、西澤 幹雄</u>、杉江 知治、奥村 忠芳、<u>木村 富紀</u>: 乳癌培養細胞並びに組織で同定した EphA2 アンチセンスRNA 機能解析の試み. 第 38 回日本分子生物学会年会/第 88 回日本生化学会大会 合同大会, 2015.
- 8. Ryou Sakamoto, Noriyuki Yoshida, Shiwen Jiang, Tominori Kimura: Effects of AHCC on regulatory roles of natural antisense RNA for human breast cancer genome expression. International Congress on Nutrition and Integrative Medicine 2015, 2015.

- 坂本 凌、<u>蒋 時文</u>、<u>吉田 徳之</u>、<u>木村富</u> <u>紀</u>: インターフェロン-α1アンチセンス RNA はネットワークを形成し、 microRNA-1270 に拮抗する competing endogenous RNA として機能する. 第 17 回日本 RNA 学会年会、2015.
- 10. <u>吉田 徳之</u>、西澤 幹雄、杉江 知治 , 奥村 忠芳 , <u>木村 富紀</u> : 乳癌培養細胞並び に組織で同定した EphA2 アンチセンス RNA の解析. 第 17 回日本 RNA 学会年 会、2015.
- 11. 坂本 凌、<u>蒋 時文</u>、<u>吉田 徳之</u>、<u>木村富</u> <u>紀</u>: インターフェロン-α1アンチセンス RNA はネットワークを形成し microRNA-1270 に拮抗する. 第 56 回日 本組織細胞科学会・学術集会、2015.

[図書](計 3 件)

- 1. 細川 眞澄男、<u>木村 富紀、西澤 幹雄</u>他(40 名)統合医療機能性食品国際学会、「AHCC 臨床ガイドブック」、2017, 1-246. ISBN: 978-4-89801-585-8.
- Masuo Hosokawa, <u>Tominori Kimura</u>, <u>Mikio Nishizawa</u> etc (38 authors), International Congress on Nutrition and Integrative Medicine, "Clinician's guide to AHCC", 2016, 1-300. ISBN: 978-4-9909264-0-3.
- 3. 池田 玲子、木村 富紀他 (27名)、東京化学同人、「スタンダード薬学シリーズ II 4 日本薬学会編 生物系薬学 III. 生体防御と微生物」、2016, 1-342. ISBN: 978-4-8079-1710-5.

〔産業財産権〕

出願状況(計 1 件)

名称:呼吸器ウイルス感染症の予防・治療剤 発明者:<u>木村富紀</u>、辻本 広行、塚田 雄亮 権利者:学校法人 立命館、ホソカワミクロン

株式会社 種類:特許権

番号:特開2016-130227

出願年月日:2016年7月21日

国内外の別: 国内

取得状況(計 1 件)

名称:インターフェロン-α モジュレーター 発明者:木村富紀、西澤幹雄、蔣時文、

西川正雄 西川正雄

権利者:学校法人立命館、学校法人関西医科 大学、株式会社アミノアップ化学

種類:特許権

番号:特許 5794532 号

取得年月日: 2015年 08月 21日

国内外の別: 国内

6. 研究組織

(1)研究代表者

木村 富紀 (KIMURA, Tominori)、立命館 大学・薬学部・教授、研究者番号: 40186325.

(2)研究分担者

西澤 幹雄 (NISHIZAWA, Mikio)、立命館 大学・生命科学部・教授、研究者番号: 40192687.

稲葉 宗夫 (INABA, Muneo)、関西医科大 学・医学部・非常勤講師、研究者番号: 70115947.

(3)連携研究者

吉田 徳之 (YOSHIDA, Noriyuki), 立命館 大学・薬学部・助教、研究者番号: 10363996.

蒋 時文 (JIANG, Shiwen) 大高 時文 (ODAKA, Tokifumi;日本帰化名)、関西医科大学・医学部・助教、研究者番号: 10548746.

(4)研究協力者

坂本 凌 (SAKAMOTO Ryou)