# 科学研究費助成事業 研究成果報告書

平成 29 年 6 月 21 日現在

機関番号: 1 2 1 0 2 研究種目: 若手研究(B) 研究期間: 2015~2016

課題番号: 15K20501

研究課題名(和文) microRNAを切り口とした口腔癌発癌メカニズムの解明

研究課題名(英文)Elucidation of oral cancer carcinogenesis mechanism from a microRNA perspective

### 研究代表者

内田 文彦(UCHIDA, Fumihiko)

筑波大学・附属病院・医員

研究者番号:70736008

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,000,000円

研究成果の概要(和文): 口腔白板症の摘出標本(ホルマリン固定パラフィン包埋組織(FFPE))より microRNAを抽出し、網羅的発現解析(マイクロアレイ)を行った。そして、正常口腔粘膜上皮と口腔癌における microRNAの網羅的発現解析結果と比較し、白板症病変におけるmicroRNAの発現パターンを明らかにした。 すなわち、発癌に必要となる(高発現する、もしくは発現抑制される)スイッチ役のmiRNA候補を同定することができた。

研究成果の概要(英文): In this study, I investigated whether leukoplakia can be distinguished by miRNA expression levels. microRNA microarray profiling was used to compare microRNA expression in 5 formalin-fixed, paraffin-embedded (FFPE) leukoplakia resected specimen. Some microRNAs exhibited statistically significant differences in expression between the leukoplakia, normal oral mucosal epithelium and oral cancer samples. microRNA expression profiles in leukoplakia may potentially be used to identify oral cancer carcinogenesis mechanism, and microRNAs that are up-regulated in leukoplakia may be targets for therapeutic intervention.

研究分野: 外科系歯科学

キーワード: microRNA 口腔がん 発癌

### 1.研究開始当初の背景

近年、全く新しいカテゴリの RNA が発見さ れた。それが microRNA( miRNA )である。miRNA もゲノムから転写されるが、mRNA のようにタ ンパク質に翻訳されることはなく、15~25 ヌ クレオチドの小さな RNA 配列である mi RNA は、 主に翻訳阻害と mRNA の切断(分解)という ふたつのプロセスで標的となる複数の遺伝 子を制御していることが明らかとなってい る。そして、miRNA にはさらに重要な特徴が ある。第一は、非常に小さな RNA 分子のため RNase に耐性がありホルマリン固定やパラフ ィン処理された組織中でも保存性が高いと いうことである。この固有の安定性から、過 去に遡って病理組織診断に用いられた検体 をサンプルとして用いることができ、より多 くのサンプルでの解析が可能となる。第二に、 miRNA 調節遺伝子発現は細胞系に保存されて おり、一般に発癌により制限が解除される。 従って、組織内・体液中の mi RNA の反応促進 や抑制を特定することで、診断に利用するこ とが可能となる。

口腔前癌病変である白板症においての miRNA の発現動態よびその意義については未 だ不明な点が多い。白板症病変における miRNA 発現パターンを明らかにし、口腔癌病 変との比較を行えば、発癌に必要となるスイ ッチ役の miRNA が同定できる可能性がある。 miRNA はもともと生体内において複数の遺 伝子を標的にその発現レベルのファインチ ューナー的役割を担っている。疾患は複数の 遺伝子・タンパク質の発現制御ネットワーク の破綻であるから、一つの遺伝子やタンパク 質を治療標的にするより、疾患特異的な miRNA を標的にすることで、関連するネット ワーク上の複数の遺伝子発現調節を同時に 改善する効果が期待できる。さらには、miRNA 創薬は、抗体医薬と異なり合成可能であるた め、前癌病変関連 miRNA について明らかにす ることは非常に有用であると考える。また、 白板症の外科治療後の再発や発癌の原因に ついては、 び漫性白板症などで肉眼的に境 界が不明瞭で取り残しをしたため、 白板症 の周囲粘膜が白板症の発症の素地を有して いる、すなわち、多中心性に発症したため、

白板症の病的因子が必ずしも除去されていないため、などが挙げられるが、上記原因の中で、解決できないものは多中心性再発・発癌である。すなわち、発癌分子機構を明らかにするには、前癌病変もしくは癌病変の周囲組織に注目する必要があると考えられる。しかし、非癌部上皮組織のmiRNA 発現パターンの解析を行い、白板症の再発・発癌との関連を解析した報告はほとんどない。

### 2. 研究の目的

miRNA を切り口とした発癌のメカニズムを解明することであり、本研究を遂行することで口腔癌の癌化のメカニズム解明の新たな知見が得られ、さらにmiRNA を核酸治療薬として臨床応用へと展開するための基礎的な

## 研究基盤を確立させることを目的とした。 3.研究の方法

白板症の臨床標本(切除検体のホルマリン固定・パラフィン包埋(FFPE)組織)を用いて、miRNA の網羅的発現解析をし、既存の口腔癌組織での発現動態と比較する。例えば、白板症組織で発現が亢進しており、口腔癌組織でさらに高発現するmiRNA は口腔癌の発癌に必要となるスイッチ役の候補 miRNA (oncomiR)として同定できると考えた。

### 4. 研究成果

研究実施計画の初年度においては、白板症の摘出検体からの抽出 RNA の純度が悪く発現解析が遂行できなかったため、「口腔がん切除断端組織で p62 の発現が高いと予後が不良になる」という先行研究を参考に、白板である」という先行研究を参考に、向62 の発現が陽性であると悪性化くな悪性とのよることがわかった。このことから、自板である上皮異型が有意に自板である上皮異型がありた。このことからにおける p62 の無限人が高に関与する可能性が考えられ、p62 の発現を制している mi RNA の発現動態に着目するこれでの目的達成につながると考えられた。

次年度は、予定通り、白板症摘出標本のFFPEより純度の高いmiRNAを抽出できたため網羅的発現解析を行った。そして、正常口腔粘膜上皮と口腔癌におけるmiRNAの網羅的発現解析結果と比較した。正常口腔粘膜上皮と白板症で比較すると、白板症において発現が8倍以上のmiRNAが3種類、4倍以上のmiRNAが3種類、2倍以上のmiRNAが3種類、2倍以上のmiRNAが3種類、2倍以上のmiRNAが3種類、10種類検出できた(図1)

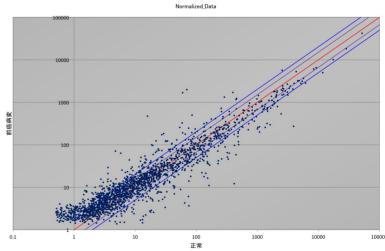


図1:白板症と正常口腔粘膜上皮での発現比較解析

さらに白板症と口腔癌で比較すると、白板症において発現が4倍以上の miRNA が5種類、2倍以上のmiRNA が66種類検出できた(図2)。

また、正常口腔粘膜上皮と白板症で比較し、 白板症において発現が1/8倍以下に低下し

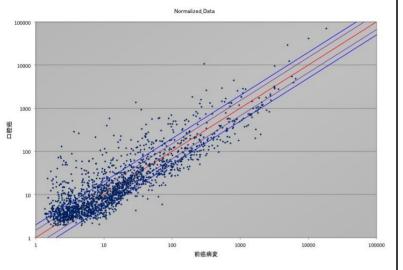


図2:白板症と口腔癌での発現比較解析

ていた miRNA が 7 個、 1/4 倍以下に低下していた miRNA が 150 個、 1/2 倍以下に低下していた miRNA が 593 個検出された(図 1 》 さらに、白板症と口腔癌とで比較すると、白板症で発現が 1/8 以下に低下していた miRNA が 92 個、 1/4 以下に低下していた miRNA が 152 個、 1/2 以下に低下していた miRNA が 152 個、 1/2 以下に低下していた miRNA が 152 個、 1/2 以下に低下していた miRNA が 152 個人 1/2 以下に低下していた miRNA が 152 の発現を制御している miRNA の同定を Target Scan-VERT にて行ったところ、hsa-miR-7-5p であった。この miR-7-5 は、白板症と口腔癌での発現比較をした場合、口腔癌では 1/2 倍以上の発現を示した。

今後は今回抽出した miRNA をターゲットとし、また miR-7-5p に着目して発癌に関わるメカニズムの解析を進めていく予定である。

## 5 . 主な発表論文等 (研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

# [雑誌論文](計2件)

- Ito S, Kimura S, Warabi E, Kawachi Y, Yamatoji M, <u>Uchida F</u>, Ishibashi-Kanno N, Yamagata K, Hasegawa S, Shoda J, Tabuchi K, Sakai S, Bukawa H, Sekido M, Yanagawa T.: p62 modulates the intrinsic signaling of UVB-induced apoptosis. *J Dermatol Sci*, 83, 226-33, doi:10.1016/j.jdermsci.2016.05.005, 2016
- Baba O, Hasegawa S, Nagai H, <u>Uchida F</u>, Yamatoji M, Kanno NI, Yamagata K, Sakai S, Yanagawa T, Bukawa H.: MicroRNA-155-5p is associated with oral squamous cell carcinoma metastasis and poor prognosis. *J Oral Pathol Med*, 45, 248-55, doi: 10.1111/jop.12351, 2016

## 〔学会発表〕(計2件)

- 1. 長井宏樹、<u>内田文彦</u>、長谷川正午、斉藤輝海、長尾 徹、小牧 完、馬場 脩、山縣憲司、柳川 徹、武川寛樹口腔白板症における p62 の発現に関する病理組織学的・臨床的検討第60回 公益社団法人日本口腔外科学会総会・学術大会(2015年10月16日 愛知県名古屋市 名古屋国際会議場)
- 2. 寺邉健人、<u>内田文彦</u>、柳川 徹、長井宏樹、大森翔英、菅野直美、長谷川正午、山縣憲司、武川寛樹 口腔がん切除断端における酸化ストレス関連タンパク p62/SQSTM1、LC3-A、LC3-B の発現と腫瘍再発および予後の関連性の検討 第70回 NPO 法人日本口腔科学会学術集会(2016年4月17日 福岡県福岡市 福岡国際会議場)

### [図書](計0件)

#### 〔産業財産権〕

出願状況(計0件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号: 出内外の別:

取得状況(計0件)

発明者: 権利者: 種類: 番号: 取得年月日: 国内外の別:

名称:

〔その他〕 ホームページ等

# 6.研究組織

(1)研究代表者

内田 文彦 (Uchida, Fumihiko) 筑波大学・附属病院・医員 研究者番号: 70736008

(2)研究分担者 なし

- (3)連携研究者 なし
- (4)研究協力者 なし