科学研究費助成事業(基盤研究(S))研究進捗評価

課題番号	16H06306	研究期間	平成 2 8 (2016)年度 ~令和 2 (2020)年度
研究課題名	ヒトゲノム編集細胞を使った、化	研究代表者	武田 俊一
	学物質の薬理作用・有害性を解析	(所属・職)	(京都大学・大学院医学研究科・
	するシステムの構築	(平成 31 年 3 月現在)	教授)

【令和元(2019)年度 研究進捗評価結果】

評価		評価基準		
	A+	当初目標を超える研究の進展があり、期待以上の成果が見込まれる		
	A	当初目標に向けて順調に研究が進展しており、期待どおりの成果が見込まれる		
0	A-	当初目標に向けて概ね順調に研究が進展しており、一定の成果が見込まれるが、一部		
		に遅れ等が認められるため、今後努力が必要である		
	В	当初目標に対して研究が遅れており、今後一層の努力が必要である		
	C	当初目標より研究が遅れ、研究成果が見込まれないため、研究経費の減額又は研究の		
		中止が適当である		

(意見等)

本研究は、従来の変異原性検出試験をヒト TK6 由来のゲノム編集細胞を作成・利用することで、① 1 0 数倍の高感度で、②当該化学物質がどの種類の DNA 損傷を発生させるのかを判定可能なレベルにまで改善することを目的としている。

このうち①については、100種類以上の遺伝子欠損ヒト由来細胞株を樹立し、これらの変異株を活用することで高感度の検出可能性を示したが、②については発生した DNA の種類を決定できるにはいまだ至っていない。ただし、変異原性のメカニズム解析についていくつかの発見があったほか、新たにミトコンドリア DNA の新規修復経路の発見にもつながるなどの進展がみられた点は高く評価する。