科学研究費助成事業

研究成果報告書



平成 26年 6月 21 日現在

機関番号: 13101
研究種目:基盤研究(C)
研究期間: 2011 ~ 2013
課題番号: 23570072
研究課題名(和文)ヌタウナギの生殖内分泌機構の解明
研究課題名(英文)Elucidation of reproductive endocrine system in hagfish
研究代表者
野崎 眞澄(Nozaki, Masumi)
新潟大学・自然科学系・教授
研究者番号:70136232
交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 4,100,000 円、(間接経費) 1,230,000 円

研究成果の概要(和文):クロヌタウナギの視床下部-下垂体-生殖腺軸について調べた。その結果、生殖腺の発達に 相関して、下垂体のGTH量と性ステロイド合成の律速酵素であるCYP11AmRNA量がともに増加すること、性ステロイドホ ルモン投与によりGTH分泌が抑制されること、視床下部因子であるPQRFアミドペプチド投与によりGTHのRNA量が増加す ることなどから、ヌタウナギ段階で視床下部-下垂体-生殖腺軸が確立していることが明らかとなった。

研究成果の概要(英文): Since hagfishes are considered the most primitive vertebrate known, living or extinct, studies on their reproduction are important for understanding the evolutionary aspects of the vertebrate reproductive endocrine system. Recently, single functional GTH was identified in the hagfish pituitary gland. In the present study, cytochrome P450 side-chain cleavage enzyme (CYP11A) was cloned from the hagf ish testis. A clear positive correlation was noted between CYP11A mRNA levels and gonadal development in b oth sexes. Moreover, hagfish GTH stimulated CYP11A mRNA levels in the cultured testis. A PQRFamide peptide identified from the hagfish hypothalamus was shown to stimulate GTH mRNA levels in the hagfish pituitary. The present study further showed the presence of a steroid (estradiol) feedback system at the hypothalami c-pituitary levels. It is suggested that vertebrates, during their early evolution, have established the hypothalamic-pituitary-gonadal axis.

研究分野: 生物学

科研費の分科・細目:基礎生物学・形態・構造

キーワード: ヌタウナギ 無顎類 下垂体 生殖腺刺激ホルモン 性ステロイドホルモン コレステロール側鎖切断 酵素 ステロイド産生細胞

1.研究開始当初の背景

脊椎動物は、今からおよそ5億年前に顎 のない原始的な魚類(無顎類)として地球上 に出現して以来、様々な環境に適応して生 息域を広げ、進化を遂げてきた。脊椎動物 の適応と放散が成功した要因は、情報伝達 系としての神経系と内分泌系、そして両者 をつなぐ神経内分泌系の発達によるところ が大きい。下垂体は内分泌系の中心器官で あり、脳からの指令を腺下垂体ホルモンに 変換して体組織に伝達する重要な器官であ る。それゆえ、脊椎動物の適応と放散は下 垂体の進化と密接な関係にあるといえる。 下垂体から分泌される生殖腺刺激ホルモン (GTH)は、生殖腺の発達や配偶子の形成・ 成熟に関わるホルモンであり、有顎脊椎動 物(顎口類)の生殖現象において中心的役割 を担っている。しかし、脊椎動物の進化の 最初期に出現した無顎類のヌタウナギにお いては、下垂体の構造もきわめて原始的で、 前葉と中葉の区分すらない。また、これま で腺下垂体ホルモンの存在も疑問視されて きたため、ホルモンの単離や機能解析はま ったくなされておらず、この動物の生殖現 象と内分泌系による制御機構に関する知見 はきわめて乏しい。

報告者は、長年にわたって無顎類の腺下 垂体ホルモンに関する研究を進めてきた。 その結果、ヌタウナギの下垂体は、従来考 えられてきた以上に機能的であることが分 かってきた。すなわち、8年ほど前に、新 潟県産のクロヌタウナギ(Paramyxine atami) の下垂体の免疫組織切片を観察していて、 腺下垂体が著しく発達していること、しか も、発達した腺下垂体の過半数の細胞が脊 椎動物各種のゴナドトロピン(GTH)抗体に対 して強い陽性反応を示すことに気がついた。 この発見を手掛かりとして、クロヌタウナ ギの下垂体から cDNA ライブラリーを構築し、 世界ではじめて GTH の 鎖と 鎖をコード する遺伝子の単離に成功した。そして、GTH

鎖と 鎖の抗体を作成し、下垂体内の局 在性を明らかにするとともに、GTH遺伝子の 発現量やタンパク量が生殖腺の機能状態と よく一致していること、さらに約2000 尾の クロヌタウナギの下垂体から GTH を化学的 に単離し、精巣培養系に投与することによ リ、精巣から性ステロイドホルモンの放出 を証明した。これらの一連の研究により、 ヌタウナギが機能的な GTH を持つこと、そ して、ヌタウナギでは、糖タンパク質ホル モンとして1種類のGTHしか存在せず、ヌタ ウナギのGTHがLH、 FSH、TSHの分化以前の 状態であることを明らかにした。今後、視 床下部ー下垂体ー生殖腺軸に着目して、ヌ タウナギの生殖内分泌機構を明らかにする ことにより、脊椎動物の生殖内分泌機構の 起源と進化を総括的に理解することが可能 となることが強く期待されている。

2.研究の目的

本研究では、ヌタウナギの視床下部ー下垂 体ー生殖腺軸に関連した以下の研究を行う。 1) ヌタウナギの生殖腺がいかなる性ホルモ ンを生産しているかを明らかにするため、 性ステロイドの合成酵素群の遺伝子をクロ ーニングし、性ステロイド合成経路の全貌 を明らかにする。ついて、2)主要性ステロ イドホルモンについて、生殖腺の機能状態 と血中ホルモン動態の相関関係を調べる。 さらに、3)下垂体の視床下部支配の観点か ら、GnRH をはじめとする視床下部ペプチド について生化学的分析法や MALDI-TOF MS 分 析法により単離を行い、可能性のあるペプ チドについては、in vitro の下垂体培養系 において GTH 遺伝子の発現量に及ぼす効果 を調べる。また、4)性ホルモンのフィード バック機構を知るため、エストロジェンと テストステロンをヌタウナギに投与して、 下垂体における GTH 遺伝子の発現量に及ぼ す効果を解析する。これらの一連の研究に より、脊椎動物の生殖内分泌機構の起源と 進化を総括的に理解することを目的とし た。

3.研究の方法

<u>1)生殖腺の発達段階と血中ステロイドホル</u> モン動態の関係

前年度までの研究で、時間分解蛍光 免疫測定法 (TR-FIA) によるクロヌタウナ ギの血中性ステロイドホルモンの測定法を 確立し、in vitro の精巣培養系において、 天然型 GTH の投与により培養液中にエス トラジオール17 とテストステロンが用 量反応的に放出されることを報告した。そ こで、幼弱個体から生殖腺の発達した個体 までの各種段階のクロヌタウナギを用いて、 生殖腺の機能状態と血中ステロイドホルモ ン動態の相関関係を調べる。注目する性ス テロイドホルモンは、TR-FIAによる測定 系の確立しているエストラジール17 、 テストステロン、プロジェステロン、11-ケトテストステロンなどである。

2) ヌタウナギにおける性ステロイドホルモン合成経路の解明

前年度までの研究で、クロヌタウナギの 精巣から cDNA ライブラリーを構築し、網羅 的大規模シーケンス(EST)を行い、約 1300 ク ローンの解析を終えている。さらに約 5000 クローンまで解析検体数を増やして、ヌタ ウナギにおける性ステロイド合成遺伝子群 の単離をめざす。次に、単離した遺伝子群 に対し、Real-time PCR 法を取り入れ、成長 段階や生殖腺の発達段階の違いによる遺伝 子発現量の変動を測定し、ヌタウナギにお ける性ステロイド合成経路の全貌を明らか にする。報告者らが所属する研究部所には シーケンス機器が完備されていないため、 大規模シーケンスについては、北海道シス テムサイエンス(株)に委託する予定であ る。

<u>3) 視床下部ー下垂体ー生殖腺軸の解析その</u> <u>1: 視床下部ペプチドの検索</u>

下垂体からの GTH 分泌は、視床下部の GTH 放出ホルモン(GnRH)により調節され ている。顎口類では、さらにGnRHニューロ ンの機能を調節する視床下部ペプチドとし て、キスペプチンや GTH 抑制ホルモン (GnIH)などが知られている。ヌタウナギで も、視床下部に GnRH 免疫陽性ニューロンが 観察されることから、GnRH の存在が強く示 唆されているが、未だ単離に至っていない。 一方、報告者らはすでにクロヌタウナギの 視床下部から GnIH と相同な PQRF アミド ペプチドを単離しており、予備的な実験か ら in vitro での下垂体培養系に当該ペプチド を投与するとGTHmRNAの発現シグナルが有 意に増加することも確認している。このペ プチドについて GTH 分泌調節との関係を幼弱 個体や成熟個体などを用いてさらに詳しく 調べる。

<u>4) 視床下部ー下垂体ー生殖腺軸の解析その</u> 2: ステロイドによるフィードバック機構

顎口類の生殖内分泌系においては、生殖 腺からの性ステロイドホルモンのフィード バックにより下垂体のGTH (LHとFSH)の生 産と分泌が調節されている。ヌタウナギに も同様な制御機構が存在する可能性が高い。 そこで、エストラジオールとテストステロ ンをヌタウナギの腹腔内に投与し、下垂体 における GTH 遺伝子(鎖と 鎖の両方) の発現量に及ぼす効果を Real-time PCR 法に より明らかにする。また、ステロイド投与 後の下垂体 GTH 産生細胞の形態学的変化を、 免疫組織学的手法により組織学的に明らか にする。

4.研究成果

<u>1)血中性ステロイドホルモン動態と生殖腺</u>の発達段階の関係

エストラジオール 17 、テストステロン、 プロゲステロンの血中濃度が測定された。 メスでは血中エストラジオール量と生殖腺 の発達との間に正の相関がみられ、卵黄形 成の進んだ群で最も高い値を示した。血中 テストステロンとプロゲステロン量は卵黄 形成の未熟な成体群で最も高い値を示し、 プロゲステロン量については卵黄発達に伴 い減少した。このことから、エストラジオ ールがヌタウナギのメスにおいて生殖腺の 発達、特に卵黄形成に関連しており、テス トステロンやPは中間産物として存在する可 能性が考えられた。一方のオスでは、生殖 腺の発達と血中性ステロイドホルモン量の 間に有意な変動は得られなかった。

<u>2)生殖腺機能関連分子の遺伝子探索と</u> <u>CYP11Aの発現動態</u>

総数 5136 クローンのシーケンス解析を行 った結果、生殖腺機能に関係ある分子として 11 種が認められた。その中にステロイド合成 の律速酵素として知られるコレステロール 側鎖切酵素(CYP11A)が得られたことから、 CYP11A に着目し、研究を進めた。生殖腺に おける CYP11A の遺伝子発現を調べると、メ スでは卵黄形成、オスでは精子形成にともな う有意な発現量の上昇がみられたことから、 CYP11A が性ステロイドホルモン合成酵素と して働き、生殖腺の発達に関わっていること が示唆された。また、in situ hybridization によ り、クロヌタウナギ生殖腺における CYP11A 発現が、脊椎動物における性ステロイド産生 細胞として知られる精巣の間細胞(ライデッ ヒ細胞)と管状境界細胞、卵巣の莢膜細胞で 確認された。さらに、クロヌタウナギ GTH を与えて培養した精巣では、有意に CYP11A の遺伝子発現が上昇していたことから、GTH により発現が誘導されたと考えられた。なお、 雄での CYP11A の発現動態が血中エストラジ オール値やテストステロン値と相関が見ら れなかったことから、雄では主要アンドロジ ェンとして、未知の性ステロイドホルモンが 使用されている可能性が示された。

<u>3) 視床下部ー下垂体ー生殖腺軸の解析その</u> <u>1: 視床下部ペプチドの検索</u>

ヌタウナギでは、GnRH は単離されていない が、ヤツメウナギ GnRH-III 抗体などを用い た免疫染色で、GnRH-III 陽性ニューロンが検 出され、それらの終末が神経葉の背壁に集ま っているので、GnRH が存在することは間違い ない。クロヌタウナギの脳から単離した新規 の PQRF アミドペプチドを器官培養した下垂 体に投与すると GTH の 鎖の mRNA 量が用量 反応的に増加することを示し、GTH 合成が視 床下部支配を受けていることを示した。この PQRF アミドペプチドの神経終末の一部は、視 床下部内の血管壁に終わることから、視床下 部ホルモンは、血液に運ばれて腺下垂体に至 る可能性も指摘された。

<u>4) 視床下部一下垂体一生殖腺軸の解析その</u> 2: ステロイドによるフィードバック機構

幼弱クロヌタウナギにエストラジオール を4週間腹腔内投与した後、下垂体のGTHの タンパク量を免疫組織学的に調べたところ、 GTH 量は 鎖、 鎖とも顕著に増加した。一 方、エストラジオール投与後、1、2、4、14 日後に屠殺してGTHのmRNA 量を調べた結果、

鎖 鎖とも顕著な変化がみられなかった。 これらの結果は、エストラジオール投与によ り GTH の合成は抑制されなかったが、分泌が 抑制されたため、生産された GTH が下垂体内 に蓄積されたものと考えられた。この結果は、 エストロゲンが視床下部の GnRH ニューロン などを介して GTH の分泌を抑制的に調節して いることを示唆するものと考えられる。

以上の成果から、脊椎動物は進化の初期段 階で下垂体を獲得すると同時に、視床下部-下垂体-生殖腺軸を確立したことが強く示 唆された。

5.主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

〔雑誌論文〕(計6件)

1. <u>Nozaki, M.</u>:

Hypothalamic-pituitary-gonadal endocrine system in the hagfish. Front. Endocrinol. 4:200. 査読あり, doi:10.3389/fendo. 2013.00200.

- 2. Nishiyama, M., Chiba, H., Uchida, K., Shimotani, T., <u>Nozaki, M.</u>: Relationships between plasma concentrations of sex steroid hormones and gonadal development in the brown hagfish, *Paramyxine atami*. Zool. Sci. 30: 967-974 (2013). 査読あり, doi:10.2108/zsj.30.967
- 3. <u>Nozaki, M.</u>, Uchida, K., Honda, K., Shimotani, T., Nishiyama, M.: Effects of estradiol or testosterone treatment on expression of gonadotropin subunit mRNAs and proteins in the pituitary of juvenile brown hagfish, *Paramyxine atami*. Gen. Comp. Endocrinol. 189:111-118 (2013). 査読あり, doi:org/10.1016/j.gcen.2013.04.034
- 4. Uchida, K., Moriyama, S., Sower, S.A., <u>Nozaki, M.</u>: Glycoprotein hormone in the pituitary of hagfish and its evolutionary implications. Fish Physiol. Biochem. Feb. 39: 75-83

(2013). 査読あり,

doi:10.1007/s10695-012-9657-6

- 5. Osugi, T., Daukss, D., Gazda, K., Ubuka, T., Kosugi, T., <u>Nozaki, M.</u>, Sower, S.A., Tsutsui, K.: Evolutionary origin of the structure and function of gonadotropin-inhibitory hormone: insights from lampreys. Endocrinology, 153: 2362-2374 (2012). 査読あり, doi:10.1210/ en.2011-2046
- 6. Osugi, T., Uchida, K., <u>Nozaki, M.</u>, Tsutsui, K.: Characterization of novel RFamide peptides in the central nervous system of the hagfish: isolation, localization, and functional analysis. Endocrinology, 152: 4252-4264 (2011). 査読あり, doi:10.1210/ en.2011-1375

〔学会発表〕(計 12 件)

- <u>野崎眞澄</u>: ヌタウナギからみた下垂体の進化。小林英司先生記念シンポジウム「比較内分泌学の創成と発展」。第38回日本比較内分泌学会大会及びシンポジウム、
 2013 年 10 月 24-26 日、宮崎、査読なし.
- 西山真樹・内田勝久・森山俊介・千葉洋明・ 阿部希美・下谷豊和・野崎<u>員澄</u>: クロヌタ ウナギのおける生殖腺発達に応じた血中 性ステロイドホルモン動態と合成酵素の 探索。第38回日本比較内分泌学会大会及 びシンポジウム、2013年10月24-26日、 宮崎、査読なし、
- 3. <u>野崎眞澄</u>: ヌタウナギからみた腺下垂体ホ ルモンの進化。シンポジウム「下垂体の起 源と進化」。日本下垂体研究会 第28回学 術集会、2013 年8月7-9日、花巻、査読 なし.
- 西山真樹・阿部希美・内田勝久・下谷豊和・ 野崎眞澄。クロヌタウナギにおける生殖腺 発達に応じた血中性ステロイドホルモン 動態と合成酵素の探索。日本下垂体研究会 第28回学術集会、2013年8月7-9日、

花巻、査読なし.

- 5 <u>野崎眞澄</u>: ヌタウナギからみた視床下部一 下垂体-生殖腺軸の進化。セッション「境 界動物の内分泌現象」。東京大学大気海洋 研究所共同利用研究集会「海洋生物の様々 な適応戦略」、2013 年 6 月 21-22 日、柏、 査読なし.
- 6. <u>Nozaki, M.</u>: Hypothalamic-pituitarygonadal endocrine system in the hagfish. Deep Sequencing at CDB, Kobe, June 13-14, 2013. 査読なし.
- 7 <u>野崎眞澄</u>・本田香織・内田勝久・下谷豊和・ 西山真樹:クロヌタウナギ下垂体の GTHmRNA レベルならびにGTHタン パク質レベルに対するエストロジェン 投与の効果。日本下垂体研究会第27回 学術集会、2012年8月9-11日、花巻、 査読なし.
- 8. <u>Nozaki, M.</u>, Shimotani, T., Nishiyama, M., Uchida, K.: Evolutionary origin of a functional gonadotropin in the pituitary of the most primitive vertebrate, hagfish. The 7th Asia and Oceania Society for Comparative Endocrinology, Kuala Lumpur, Malaysia, March 3-7, 2012, 査読なし.
- 9. Nishiyama, M., Uchida, K., Moriyama, S., Chiba, H., Awata, S., <u>Nozaki, M.</u>: Study on sex steroid hormones in the hagfish - Their serum concentrations and sex steroid biosynthetic enzymes. The 7th Asia and Oceania Society for Comparative Endocrinology, Kuala Lumpur, Malaysia, March 3-7, 2012, 査読なし.
- 西山真樹・内田勝久・森山俊介・千葉洋 明・下谷豊和・安房田智司・<u>野崎眞澄</u>: ク ロヌタウナギにおける性ステロイド合 成酵素の探索。日本動物学会第 82 回大 会。2011 年 9 月 13-15 日、旭川, 査読な

し.

- 11. <u>野崎眞澄</u>:吉村賞受賞者講演「無顎類からみた下垂体の進化に関する研究」。日本下垂体研究会第26回学術集会、2011年8月25-27日、せとうち児島ホテル、岡山,査読なし.
- 12. <u>Nozaki, M.</u>: Evolutionary origin of a functional gonadotropin in the pituitary of the most primitive vertebrate, hagfish. 2nd JAMBIO Forum, Shimoda Marine Res. Center, Univ. of Tsukuba, January 21, 2011, 査読なし.

〔図書〕(計 0 件)

〔産業財産権〕 出願状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号: 出願年月日: 国内外の別:

取得状況(計0件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号: 取得年月日: 国内外の別:

〔その他〕 ホームページ等

6.研究組織
 (1)研究代表者
 野崎 眞澄 (NOZAKI MASUMI)
 新潟大学・自然科学系・教授
 研究者番号:70136232

(

(2)研究分担者

)

研究者番号:

(3)連携研究者

研究者番号:

(

)