科学研究費助成事業 研究成果報告書



平成 27 年 6 月 23 日現在

機関番号: 1 2 6 0 2 研究種目: 挑戦的萌芽研究

研究期間: 2012~2014

課題番号: 24659669

研究課題名(和文)脊椎椎間板の形成・維持を担う分子メカニズムの解析

研究課題名(英文)Analysis of molecular mechanisms in disk formation and homeostasis

研究代表者

淺原 弘嗣 (Hiroshi, Asahara)

東京医科歯科大学・医歯(薬)学総合研究科・教授

研究者番号:70294460

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,000,000円

研究成果の概要(和文): 我々は、腱・靭帯に特異性の高い発現を示し、腱形成に必須の転写因子としてMkxを同定しているが、このMkxは椎間板線維輪においても発現し、Mkxノックアウトマウスでは、加齢と共に椎間板の変性が見られることを明らかにした。ヒト線維輪細胞を用いてMKXをノックダウンさせると、SCXやTNMDなどの靭帯関連遺伝子の発現が低下し、軟骨分化のマスター制御因子であるSOX9の発現が上昇した。さらにC3H10T1/2細胞においてMkxを過剰発現させた細胞では、腱・靭帯関連遺伝子の発現が増大し、軟骨分化、骨分化を抑制することを明らかにした。

研究成果の概要(英文): We have identified the transcription factor Mkx, that is expressed in tendon/ligament and plays a important role in tendon formation. The Mkx is also expressed in annulus fibrosus of intervertebral disc. The aged Mkx knockout mice showed degeneration of annulus fibrosus. Tendon markers, such as SCX and TNMD were reduced by MKX knockdown in human annulus fibroblasts whereas SOX9, a master chondrogenesis regulator, was upregulated. Moreover, overexpression of Mkx in C3H10T1/2 cells promoted the expressions of tendon markers, and chondrogenesis and osteogenesis were inhibited.

研究分野: システム発生・再生医学分野

キーワード: Mohawk 椎間板 腱 靭帯

1.研究開始当初の背景

腱・靭帯は、それぞれ筋肉と骨、骨と骨を結合する組織であり、力や運動を伝達しる状々の"動く"という重要な生理機能を担合に入る。腱や靭帯は、外傷や加齢にとなっている。腱や靭帯は、外傷が少ないをであり、ぞの治癒力は非常に弱く、再が望まれたのが、その治癒がは非常に弱いを展が望まれている。そのため治療法の開発に向けてもなる分子レベルでの研究が急務と生・分にもよる。しかしながら、腱・靭帯の発生・これに組織の変性メカニズムは、未だにほとんども明であり、臨床および基礎研究が最も遅れた組織の1つに挙げられている。

申請者らは、E9.5、10.5、11.5 のマウス胚 において、遺伝子発現(転写)のスイッチで ある約 1,500 個の転写因子・転写コファクタ ーの Whole-mount in situ hybridization (WISH) データベース"EMBRYS" (http://embrys.jp/) を 構築し、時空間特異的な発現制御により成り 立っている個体発生における、複雑な遺伝子 ネットワーク解明の足がかりとなるシステ ムを作り上げた (Yokoyama et.al. Dev Cell 2009)。このデータベースを基に、腱・靭帯に 特異的な遺伝子としてホメオボックス遺伝 子である Mohawk (Mkx)を同定し、この Mkx が腱の形成に重要な転写因子であることを ノックアウトマウスの解析により明らかに した (Ito et. al. Proc Natl Acad Sci USA 2010)。 さらに我々は Mkx ノックアウトマウスでは 野生型と比べて椎間板を構成する靭帯様組 織である線維輪の線維束が不明瞭になって いることを見出した (未発表データ)。またス クリプス研究所との共同研究により、ヒトの 加齢に伴う変性を来した前十字靭帯から採 取した細胞の Mkx の発現レベルが減少して いることがわかった (未発表データ)。以上の 結果から、Mkx が腱の形成のみならず靭帯の 変性を抑制する働きを持っている可能性が 示唆された。

2. 研究の目的

脊椎椎間板は、椎骨と結合し脊柱を構成する組織であり、加齢や力学的負荷による椎間板の変性・損傷は、椎間板へルニアなどを引き起こし、患者に激痛を与え、日常生活に多大な影響を及ぼす。椎間板の損傷・変性は影響を及ぼす。椎間板の損傷・変性は大な影響をが少ないことからその治癒力はは東流域が関発が望まれており、治療法の開発が望まれており、治療法の開発に向けての基盤となる分子メカニズムの開発に向けての基盤となる分子メカニズムの開発における遺伝子ネットワークでいるの発生における遺伝子ネットワークでいない。

本研究では、腱・靭帯特異的なホメオボックス遺伝子である Mkx の椎間板の変性における機能を明らかにするために、Mkx のノックアウトマウスを用いた解析、および細胞レ

ベルでの解析を行い、椎間板変性における分子メカニズムの解明、さらには臨床応用への 貢献を目指す。

3.研究の方法

(1) Mkx ノックアウトマウスの解析

各月齢の野生型およびMkx ノックアウトマウスの椎間板線維輪の組織学的な解析を行い、その変性度を調査した。

(2) ヒト線維輪細胞での MKX ノックダウンに よる効果

ヒト線維輪細胞に MKX に対する siRNA を Lipofectamine RNAiMAX (Invitrogen)により トランスフェクションし、それによる各遺伝子の発現変化をリアルタイム PCR により調査した。

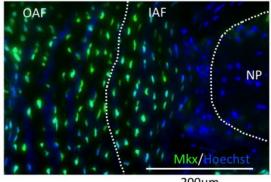
(3) C3H10T1/2 細胞への Mkx 過剰発現による in vitro および in vivo での効果の検討

C3H1OT1/2 細胞にレトロウィルスベクターを用いて、Venus および Venus-Mkx を導入し、その発現変化をリアルタイム PCR により調査した。また、軟骨分化および骨分化誘導を行い、Mkx 過剰発現による影響について調査した。さらに、その過剰発現細胞を用いて、C3Hマウスの椎間板線維輪への移植を行い、それによる椎間板線維輪の再生について検討を行った。

4.研究成果

(1) Mkx ノックアウトマウスの解析

まず、Mkx の椎間板における発現について調査した。E14.5、E18.5、P1、4週および10週齢のMkx-Venus ノックインマウスを用いて、その発現を、GFP 抗体を用いた免疫染色により調査した結果、線維輪の外輪側で強い Mkxの発現が確認された。Mkx の発現は、E14.5において既に観察された。また、スクリプス研究所との共同研究により、ヒト線維輪でのMKX の発現をリアルタイム PCR により調査した結果、マウスと同様に、外輪側で高い発現を示した(図1)。



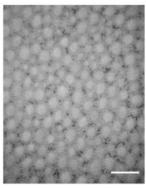
200µm

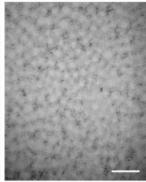
図1 10週齢のマウス椎間板におけるMkxの発現

OAF: outer annulus fibrosus IAF: inner annulus fibrosus NP: nucleus pulposus

次に、10週、12ヶ月および21ヶ月齢におけるMkx ノックアウトマウスの椎間板の表現型について調査した。10週齢においては、H&E染色およびサフラニン染色の組織像は、見かけ上大きな差は見られなかった。しかし、電子顕微鏡観察を行った結果、コラーゲン原線維の径が、野生型と比較して小さくなっていることがわかった(図2)、12ヶ月齢以降になると、椎間板の強い変性が観察され、21ヶ月齢においては、ノックアウトマウスにおいて骨棘の形成も確認された。

Mkx +/+





Mkx -/-

200nm

図2 10週齢のマウス椎間板線維輪の 電子顕微鏡像

10週齢の野生型およびMkx ノックアウトマウスの線維輪外側からプライマリー細胞を樹立・培養し、その線維輪細胞から RNA を抽出し、リアルタイム PCR を行った。その結果、Col1a1、Col1a2、Scx などの腱・靭帯マーカー遺伝子の発現が低下していることがわかった。

(2) ヒト線維輪細胞での MKX ノックダウンに よる効果

ヒト線維輪細胞を用いて MKX を siRNA によるノックダウンを行い、リアルタイム PCR による発現解析を行った。その結果、SCX および TNMD といった腱・靭帯関連マーカー遺伝子の発現が低下した。一方、SOX9 および ACANといった軟骨関連遺伝子の発現が上昇していることが分かった。

(3) C3H1OT1/2 細胞への Mkx 過剰発現による in vitro および in vivo での効果の検討

マウス間葉系幹細胞株の C3H10T1/2 細胞を用いて、Mkx 過剰発現による影響について調査した。レトロウィルスベクターを用いて Venus を N 末端に付加した Mkx (Venus-Mkx)を過剰発現させると、Venus のみを導入した場合と比較して、細胞形態がスピンドル状に

変化することがわかった。Venus-Mkx 細胞では、Col1a1、Col1a2、Scx などの腱・靭帯関連遺伝子の発現が亢進していることが分かり、Mkx 導入により、間葉系幹細胞が腱・靭帯様の細胞に変化していることが明らかになった。また、Venus-Mkx 細胞では、TGF-βシグナル系の Smad2/3 および Tgfbr の発現が亢進し、BMP シグナル系の Smad1/8 および Bmpr の発現が低下することがわかった。さらに、Venus および Venus-Mkx 細胞を用いて、骨分化、軟骨分化誘導を行ったところ、Venus-Mkx 細胞では、骨・軟骨への分化が抑制されることが明らかになった。

TGF-βは、腱の初期発生や腱前駆細胞の維持に重要であるのに対し、BMP は骨・軟骨分化に重要であることが明らかになっているが、Mkx は BMP シグナルを抑え、TGF-βシグナルを活性化することで腱・靭帯細胞への分化方向づけ・維持を担っている可能性が示唆された。

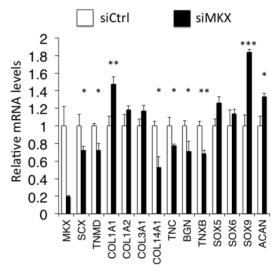


図3 ヒト線維輪細胞におけるMKXノックダウンによる各遺伝子発現の変動

次に、Venus および Venus-Mkx 細胞を混合したコラーゲンジェルを、C3H マウス線維輪に穴を空け、移植し、in vivo での Mkx 過剰発現細胞の機能について調査した。その結果、Venus-Mkx を導入した細胞を移植した場合、Venus 細胞と比較して形成されたコラーゲン繊維の原線維の径が大きくなっていることがわかった。

5 . 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

〔雑誌論文〕(計 4 件)

すべて査読有り

Onizuka N, Ito Y, Inagawa M,

Nakahara H, Takada S, Lotz M, Toyama Y, Asahara H. The Mohawk homeobox transcription factor differentiation regulates the of tendons and volar plates. J Orthop Sci. Jan;19(1):172-80. 2014 Takada S, Sato T, Ito Y, Yamashita S, Kato T. Kawasumi M. Kanai-Azuma M. Igarashi A, Kato T, Tamano M, Asahara H. Targeted gene deletion of miRNAs in mice by TALEN system. **PLoS One**. Oct 16;8(10):e76004. 2013 Shimizu H, Kubo A, Uchibe K, Hashimoto M, Yokoyama S, Takada S, Mitsuoka K, Asahara H. The AERO system: a 3D-like approach for recording gene expression patterns in the whole mouse embryo. **PLoS One**. Oct 16;8(10):e75754. 2013 Nakahara H, Hasegawa A, Otabe K, Ayabe F, Matsukawa T, Onizuka N, Ito Y, Ozaki T, Lotz MK, Asahara H. Transcription factor Mohawk and the pathogenesis of human anterior cruciate ligament degradation. **Arthritis Rheum**. Aug;65(8):2081-9. 2013

[学会発表](計 0 件)

[図書](計 0 件)

〔産業財産権〕

出願状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者:

種類: 番号:

出願年月日: 国内外の別:

取得状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者: 種類:

番号: 出願年月日: 取得年月日: 国内外の別:

〔その他〕 ホームページ等

6 . 研究組織 (1)研究代表者 淺原 弘嗣 (Hiroshi Asahara) 東京医科歯科大学・大学院医歯学総合研究 科・教授 研究者番号:70294460 (2)研究分担者 () 研究者番号:

(

)

研究者番号:

(3)連携研究者