#### 科学研究費助成專業 研究成果報告書



平成 28 年 5 月 3 1 日現在

機関番号: 12601

研究種目: 基盤研究(C)(一般)

研究期間: 2013~2015

課題番号: 25440126

研究課題名(和文)CDPKを利用した植物Ca2+情報伝達網の追跡及びキナーゼ基質特異性変更への挑戦

研究課題名(英文) Analysis of calcium signaling network in plants and alteration of the substrate specificity of protein kinase using plant CDPK

#### 研究代表者

石田 さらみ(Ishida, Sarahmi)

東京大学・理学(系)研究科(研究院)・助教

研究者番号:20282725

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 4,000,000円

研究成果の概要(和文):我々は、カルシウム情報伝達の中核として機能する植物特有のカルシウム依存性タンパク質キナーゼ(CDPK)では、基質認識能と触媒活性が分離可能であることを解明した。この結果から、CDPKは、キナーゼ基質特異性変更研究のモデルに適していると評価している。この成果を足掛かりとしてキナーゼ基質特異性変更の実験系を確立すれば、構物さ程機学分野と連携して理論的に計画された情報伝達経路をもつ多細胞生物の創出に挑戦するため の有効な実験的基盤を提供できる。 本研究では、植物CDPKを利用したキナーゼ基質特異性変更のための実験系の確立を最終目的に、まず、植物CDPKの基質

認識機構の詳細について解明を進めた。

研究成果の概要(英文):We have demonstrated that Calcium-dependent protein kinases (CDPK) in plants could be divided to two domains, that is, substrate recognition domain and catalytic domain and estimated CDPKs were suitable as the model system in analysis for altering the substrate specificity of protein kinases. The success in altering substrate specificity of protein kinases is expected to promote a novel signal transduction pathway constructed theoretically.

In this research, the mechanism for specific substrate recognition process in plant CDPK was analysed in

detail aiming establishment of an examination system for altering the substrate specificity of protein kinases in signal transduction in cells.

研究分野: 分子生物学

キーワード: 情報伝達系 カルシウム タンパク質キナーゼ 基質特異性 CDPK

#### 1.研究開始当初の背景

#### 学術的背景

細胞内情報伝達において、可逆的修飾であるタ ンパクの質リン酸化は迅速な情報の伝達や方 向制御を可能とし、この過程を触媒するタンパ ク質キナーゼは中心的役割を果たしている。 多くの生物種は、進化の過程において遺伝情 報を重複させる事により多様性を獲得してきた。 タンパク質キナーゼも多様化により巨大な遺伝 子ファミリーを形成している。 この様なキナー ゼの分化は、一から新奇の情報伝達系を創出 する事なく、様々な環境刺激への応答を可能に したと考えられる。 しかしながら、このキナーゼ ファミリーの複雑化は、相同性の高い構造を持 つキナーゼ群が如何にして特異的基質を認識 し、情報の特異性を確保しているのかという情 報伝達の根幹となる問題を我々に提起している。 タンパク質キナーゼの基質特異性の操作は、改 変された新たな情報伝達経路の構築という分子 生物学の大きな目標を実現する。 ところが、基 質特異性を担うアミノ酸残基の同定は意外な程 に困難である。 キナーゼ特異性決定要因の第 一はキナーゼの触媒領域と基質間の分子識別 であり、基質のリン酸化部位コンセンサス配列 やその近傍に存在するキナーゼとのドッキング サイト配列が同定されているが、それらは単純 かつ曖昧であり、in vivo におけるキナーゼの 特異性を十分には説明出来ない。 さらに共通 のリン酸化コンセンサス配列を持つ同一ファミリ ーキナーゼ群が、如何にして特異的基質を認識 仕分けているのかは殆ど明かにされていない。 変異導入によるアミノ酸置換は有効な手段の-つであるが、基質のリン酸化に重要なアミノ酸を 探索しても、そのアミノ酸が基質認識に重要な のか、それともリン酸化触媒反応に重要なのか を判別する事は難しい。 キナーゼ特異性変更 の研究を推進するためには基質認識と触媒反 応を分離できる実験系の確立が必須となる。 カルシウム情報伝達は、真核生物に普遍的な 細胞内情報伝達系の一つであり、幅広い細胞 応答を発動する。動物と異なり、植物は C-キナ ーゼを持たない。さらに、カルシウム貯蔵庫や チャンネル等、多くの点で動物と異なる特有の 機構を進化させてきた。 そのため、植物のカル シウム情報伝達網を包括的に理解するために は、植物独自の研究展開が必要となる。 第一 に標的とすべきは、鍵となる因子の機能解明で ある。 植物において C-キナーゼの代わりを果 たしているのは、植物界特有のカルシウム依存 性タンパク質キナーゼ (Calcium-Dependent Protein Kinase; CDPK)である。 様々な植物 細胞応答で中核的役割を果たす事が知られて いるが、その生理的基質については不明な点 が多い。 植物細胞の カルシウム情報伝達を 追跡するためには、CDPK 群の生理的基質を 同定していかねばならない。

#### 申請時までの研究成果

我々は植物ホルモン・ジベレリン内生量調節を 司りフィードバック制御に働く転写活性化因子、 RSG の機能解析を進めてきた(PLANT CELL 2000, 2001, 2004)。 その過程で RSG をリン 酸化し、RSG とその負の制御因子・14-3-3 タ ンパク質との結合を促進して RSG の機能を抑 制するキナーゼの同定に成功した(PLANT CELL 2008)。RSG キナーゼは、CDPK の一 つ、NtCDPK1 であった。 他のキナーゼ同様 に CDPK も大きな遺伝子ファミリーを形成し、 シロイヌナズナでは 34、イネでは 29 の遺伝子 群が報告されている。 CDPK 群 は N 末可変 領域・キナーゼ領域・自己阻害領域・カルモジュ リン様領域の 4 部位から構成されており、各ア イソタイプ特有であるN 末可変領域を除けばア ミノ酸配列の保存性は非常に高い。 その構造 から、動物のカルモジュリンキナーゼ(CaMK)と カルモジュリンが融合して進化したと考えられて いる。 我々は、NtCDPK1 が特異的基質であ る RSG を認識する分子機構について詳細な 解析を進め、その結果、N 末端可変領域が基 質・RSG の認識に必須である事、さらに、 NtCDPK1 の N 末端可変領域は単独で、in vivo において別のアイソタイプの CDPK に RSG キナーゼとしての特性を付与出来る事を 証明した(PLANT CELL 2010)。

#### 特色・独創的な点、予想される結果と意義

我々は NtCDPK1 の N 末可変領域が基質で ある RSG の認識に必須である事を解明した。 N 末可変領域内の一アミノ酸置換により NtCDPK1 は触媒活性を保持したまま、RSG キナーゼの機能を喪失する。 さらに、別のアイ ソタイプの CDPK(CPK9)の N 末可変領域を CDPK1 のそれと置換したキメラは RSG キナ ーゼとして植物細胞内で機能する。 この成果 は、今まで機能が不明であった CDPK の N 末 可変領域が基質認識を司る事を解明しただけ でなく、CDPK では基質認識と触媒反応が独 立した領域に担われている事を示した。 即ち、 CDPK はこれまで求められてきたキナーゼの基 質特異性変更研究のモデル系としての優れた 特質を備えていると評価できると考えられた。 リン酸化されるタンパク質に対して、そのタンパ ク質の結合モチーフを CDPK の N 末に付加す る事により、特異的キナーゼの創出が可能とな る。 さらにキナーゼに比べ特異性の低いタンパ ク質フォスファターゼに応用すれば、制御可能 な基質特異的フォスファターゼの開発も視野に 入り、新しい情報伝達系の再構成の自由度は 大幅に増すと期待された。 これまで、キナーゼ の基質特異性の変更に成功した例は未だ少な い。 改変スキャフォールドを用いて酵母に新奇 MAP キナーゼカスケードを再構築した報告と、 大腸菌の二成分制御系のセンサーキナーゼを 改変して対応するレスポンスレギュレーターを 作製した研究が挙げられるが、共に単細胞生物 での成果であった。 我々は N 末可変領域の操 作により、植物に特徴的な CDPK の基質特異 性変更が可能である事を示した。 本計画の実 施により、理論的に計画された人工的情報伝達 経路をもつ多細胞生物の創出という分子生物 学の究極の目標に向けて有効な実験的基盤を 提供出来る。 さらに、応用的に有用な組み換え 生物の開発にも重要な支援となると考える。 植物のカルシウム情報伝達において CDPK 群 はその中核として機能するが、生理的基質が明 確でないため、情報伝達網の解明に進展が見 られなかった。 本研究により、N 末可変領域を 用いた基質探索の有効性が明らかになれば、 CDPK が仲介する植物カルシウム情報伝達系 の包括的な解析への道が拓かれると期待され た

#### 2.研究の目的

#### 植物細胞内カルシウム情報網の網羅的解 析を行う

植物カルシウム情報伝達の鍵であるキナーゼ、CDPK の基質認識領域を用いて、基質が不明である CDPK 群の基質を網羅的に探索する。CDPK を起点に情報の流れを追跡し、これを突破口に植物細胞内カルシウム情報伝達網の包括的解明に繋げる。

#### 植物において人工的な細胞内情報伝達経 路創出のための実験系を確立する

基質認識と触媒反応を分離できる CDPK をモデルとしてキナーゼの基質特異性の変更を試み、タンパク質キナーゼの基質特異性の操作による新しい細胞内情報伝達系の創出に挑戦する。 植物ホルモン・ブラシノステロイドの情報伝達を、改変型 CDPK を介して植物ホルモン・ジベレリンで抑制する新たな経路の構成を試みる。

#### 3.研究の方法

#### 植物細胞内カルシウム情報網の網羅的解 析を行う

CDPK の基質認識領域である N 末可変領域を用いて、基質が不明である CDPK 群の標的タンパク質の網羅的探索を展開する。

下記の解析を実施する。

- (1) 酵母 Two-hybrid 法を用いた結合因子の探索及び同定
- (2) リコンビナントタンパク質と共精製される因子の質量分析による同定

### 植物において人工的な細胞内情報伝達経 路創出のための実験系を確立する

CDPK の N 末可変領域の改変によりタンパク 質キナーゼの基質特異性を変更できる事を応 用し、新奇の情報伝達経路の構築を目指す。 下記の解析を実施する。

- (1) 改変型 CDPK を介してブラシノステロイド情報伝達をジベレリンにより抑制する新たな系を構成する
- (2) 任意の S/T キナーゼの基質に CDPK1 結合配列を付加し、CDPK1 の特 異的基質への変換を試みる

#### 4. 研究成果

CDPK は C-キナーゼを持たない植物においてカルシウム情報伝達の中核として機能する植物特有カルシウム依存性タンパク質キナーゼ(CDPK)である。 我々は、CDPK では基質認識能と触媒活性が分離可能であることを解明し

た。この結果から、CDPK は、キナーゼ基質特 異性変更研究のモデルに適していると評価している。この成果を足掛かりとしてキナーゼ基質 特異性変更の実験系を確立すれば、構成的生 物学分野と連携して理論的に計画された情報 伝達経路をもつ多細胞生物の創出に挑戦する ための有効な実験的基盤を提供できる。又、 生物が進化の過程において獲得した多様性から特異性を創出した過程を追跡できると考える。 さらに、応用的に有用な組み換え生物の開発に も重要な支援となると期待できる。

本研究では、CDPK を用いたキナーゼ基質特異性変更のための実験系の確立を目指すには、まず、植物 CDPK の基質認識機構の詳細についてさらに理解を深める事が必要であると考え、植物細胞内での CDPK の基質認識特性について解析を進めた。

解析の結果、NtCDPK1 はシグナル特異性を堅持し反応効率を上昇させるためのスカッフォルド分子として機能するタンパク質キナーゼである事、14-3-3 と NtCDPK1 はこれまで解明されていなかった新規のメカニズムで相互作用する事を明らかにした。

- 1. NtCDPK1の自己リン酸化は14-3-3との結合に必要であるが、その維持には必須ではない。
- NtCDPK1 は 14-3-3 と基質 RSG と共にヘ テロ 3 量体を形成する。
- 3. NtCDPK1 は RSG をリン酸化した後に 14-3-3 に転移させ、RSG は 14-3-3 との複合体として NtCDPK から離脱する。

これらの結果は、高い評価を得られる科学雑誌に掲載された。

さらに、植物細胞内カルシウム情報伝達系の包括的理解にむけて、CDPK 群の特異的基質の探索及び同定に着手した。

- 1. 酵母 Two-hybrid 法のための Library 及び Plasmid 群を作成した。
- 2. 共精製に用いるリコンビナントタンパク質発現用 Plasmid 群を作成した。

#### 5 . 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

#### 〔雑誌論文〕(計2件)

## 1. Takeshi Ito, Masaru Nakata, Jutarou Fukazawa, <u>Sarahmi Ishida</u> and Yohsuke Takahashi

Scaffold Function of Ca<sup>2+</sup>-Dependent Protein Kinase: Tobacco Ca<sup>2+</sup>-DEPENDENT PROTEIN KINASE1 Transfers 14-3-3 to the Substrate REPRESSION OF SHOOT GROWTH after Phosphorylation.

Plant Physiology (2014) **165,** 1737-1750. 査読あり

http://www.plantphysiol.org/content/165/4/17 37.full?sid=f0ff25db-33ad-4be0-80c3-cf921f3 e4552

2. Takeshi Ito, Masaru Nakata, Jutarou

# Fukazawa, <u>Sarahmi Ishida</u> and Yohsuke Takahashi Phosphorylation-independent binding of 14-3-3 to NtCDPK1 by a new mode. Plant Signaling & Behavior ( 2014 ) 9, e977721-1 - e977721-3

DOI:10.4161/15592324.2014.977721

[学会発表](計1件)

査読あり

1. 大江翔太、伊藤岳、<u>石田さらみ</u>、高橋陽介 ジベレリン信号伝達に関与するタンパク質リン 酸化酵素 NtCDPK1 の 自己リン酸化による機 能制御の解析

日本植物生理学会、2013年3月21-23日富山大学五福キャンパス(富山県富山市)

[図書](計0件)

〔産業財産権〕 出願状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号: 出願年月日:

国内外の別:

取得状況(計0件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号:

取得年月日: 国内外の別:

〔その他〕 ホームページ等

- 6. 研究組織
- (1)研究代表

石田 さらみ(ISHIDA, Sarahmi) 東京大学·大学院理学系研究科·助教 研究者番号: 20282725

(2)研究分担者

( )

研究者番号:

(3)連携研究者

( )

研究者番号: