科学研究費助成事業 研究成果報告書



平成 28 年 6 月 16 日現在

機関番号: 12102

研究種目: 基盤研究(C)(一般)

研究期間: 2013~2015

課題番号: 25462422

研究課題名(和文)麻薬受容体の遺伝子多型とシグナル伝達系に関する革新的臨床および基礎研究

研究課題名(英文) Innovative clinical and basic research for opioid receptor polymorphism and signal

transduction

研究代表者

猪股 伸一(Inomata, Shinichi)

筑波大学・医学医療系・准教授

研究者番号:10282352

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,800,000円

研究成果の概要(和文):麻薬性鎮痛薬は周術期に重要な役割を担っているが、必要量と副作用発現量に大きな個人差がある。µ受容体遺伝多型などがその一因とされるが、海外では変異型が少なく正確な検討がなされていない。また各大陸人種別の遺伝多型頻度の差異に関する報告もない。そこで、安全性向上を目的に、変異型の多い本邦でこれらを研究し、適切な麻薬性鎮痛薬投与量を検討、またµ受容体からのシグナル伝達系などについても調べた。アフリカや欧米諸国と比較して多型頻度の逆転現象を発見、人種差が大きいことを見いだした。また麻薬性鎮痛薬の必要量は、多型タイプに依存し、遺伝子変異が無い場合には、半量以下に減量する必要がある。

研究成果の概要(英文): The opioids are very useful drug for the purpose of perioperative analgesia, but there are highly individual differences in their effects. One of the reasons why such individual differences appears is the polymorphism of μ -opioid receptor. Prior findings concerning the effects of genetic polymorphism on μ -opioid receptor agonist requirements have not been in accord. In our study, the frequencies of the polymorphism vary considerably by race; the frequencies were higher among Asian populations compared to Caucasians. There was a significant difference in the amount of opioid needed for post-operative analgesia in based on the type of gene mutation. Additionally, we investigated polymorphism and signal transduction.

研究分野: 麻酔科学

キーワード: 麻薬性鎮痛薬 個人差 麻薬受容体 μ受容体 シグナル伝達 遺伝多型

1.研究開始当初の背景

麻薬性鎮痛薬は周術期に重要な役割を担っ ているが、必要量と副作用発現量に大きな個 人差があり、呼吸抑制などは生命に直結する ため重要な問題と考える。 µ 受容体遺伝多型 がその一因と推測されるが、海外で行われた 麻薬性鎮痛薬に関する研究結果は、homo 変異 型を独立群とした3群による研究は皆無に 等しく、正確な結果が得られていない。海外 で変異型が少ないことが原因であると考え た。麻薬性鎮痛薬の効果とµ受容体の変異頻 度に関し、また各大陸人種別の遺伝多型頻度 の差異に関する報告はない。また、人種差が 存在するなら、海外の至適量や副作用に関す るデータは、日本人に当てはまらない危険性 が危惧されるため、これらは重要な研究課題 と考えられる。本研究の成果は、革新的な麻 酔管理法の開発と人類遺伝学的な麻薬受容 体の遺伝多型変遷およびシグナル伝達系の 解明につながる可能性がある。

2. 研究の目的

本研究では、これらの解明と臨床における必要量などを詳細に比較検討することにより以下を解明する。

- (1)麻酔中の投与薬および術後鎮痛投与薬について総合的に検討し、µ受容体の遺伝多型に基づいた「テーラーメイド医療」実現のため、麻薬性鎮痛薬の適切な投与方法を提案、安全性向上を目的とする。
- (2)麻薬性鎮痛薬の効果とµ受容体の変異 頻度に関し、各大陸人種別の遺伝多型頻度の 差異を解明する。
- (3) µ 受容体からのシグナル伝達系について、臨床・基礎両面から発展的研究を展開する。

3.研究の方法

麻薬受容体周辺遺伝子の調査研究は、ゲノム 倫理委員会および附属病院の医の倫理委員 会でも承認された。遺伝子研究従事者にも登 録した。

(1)麻酔中の投与薬および術後鎮痛薬についての検討。

日本人(永年茨城県在住)63人を対象に末梢静脈血または唾液を試料として、代表的なµ受容体の遺伝多型の一つ 6q24-q25,A118G 変異や IVS2+G691V, IVS2+G31A など多方面から調査する。DNA sequencerで SSCP法(Single Strand Conformational Polymorphism)を用いて sequence。Acrylamide(99.9%)と N, N'-methylene-bis-acrylamide、触媒加硫酸アンモニウムを加え TBE(tris, baric acid, EDTE 2Na)でメスアップしフィルターにかけガス抜き。Bind Silan、10%酢酸でガラスを処理。Repel Silanで石英を処理。

Blue dextrane と formamide (DNA の一本鎖への解離を維持)、 1 $\mu \ell O$ PCR 産物を加え、denature 97 5分。レーザー値 > 600、400 V、50 mA、180 分で detect。DNA sequencer

は現有設備を使用する。 A118G 変異の場合、Primer 設定は OPRM1-F1, 22 mer, 67.4 ; OPRM1-R1, 20 mer, 71.8 など適宜変更加える。PCR は Taq $0.1\,\mu$ L, DNA $2.0\,m$ L などを加え、97 $10\,m$ in, (97 $30\,sec$, 58 $30\,sec$, 72 $30\,sec$) × 35 サイクル、72 $10\,m$ in。その外の変異型解析も変更を加えた同様の手法を応用する。サーマルサイクラーは現有設備を使用する。

1麻酔中の投与薬について

μ受容体作動薬レミフェンタニルを用い、適 切な鎮痛が得られる必要量とμ受容体の遺 伝多型の関連について、乳がん手術患者で検 討する。

2 術後の鎮痛薬について

μ受容体作動薬フェンタニルの必要量とμ 受容体の遺伝多型の関連について、婦人科の 開腹手術で検討する。コンピューター制御ポ ンプ(現有:CADD-Legacy PCA, model 6300 Deltec, Smiths 社)を使用。一定濃度に希釈 した麻薬性鎮痛薬(フェンタニル)300mLを 患者が自分で疼痛に応じてボタンを押して 注入(投与量に上限設定、投与間隔と投与量 も設定) 術後鎮痛に必要としたフェンタニ ルの必要量との関連性を検討する。

いずれも homo 変異型を独立群とし、検討を加える。

(2)各大陸人種別の遺伝多型頻度の差異に ついての検討。

日本人 (n=63)

中国人;上海(n=67)

ミャンマー (n=60)

米国白人 (n=60)

フランス (n=48)

南米: コロンビア (n=61)

コートジボアール; アイポリーコースト (n=57)

上記の人種を対象に、遺伝多型頻度について 比較・検討する。

(3) µ 受容体からのシグナル伝達系についての検討。

KCNJ6 などシグナル伝達系の遺伝多型の影響について検討する。

4. 研究成果

唾液という患者に侵襲の無いサンプルで、かつ少量で遺伝子を解析する方法を確立した。 この方法は、応用範囲が広く、今後の遺伝子 解析に大きく貢献できると考えられる。

(1)日本人において homo 変異型を独立群とした正確な比較が可能となった。Power analysis にて十分なことを確認した。

1麻酔中の投与薬について

6q24-q25,A118G変異に関する63人の内訳は、AA=19, AG=36, GG=8 であった。AA 群は、GG

群と比較して半量以下の投与量で適正な鎮痛が得られた。A118G 変異が必要量には大きく影響し、IVS2+G691V, IVS2+G31A などは影響しなかった。

2 術後の鎮痛薬について

上記の結果を踏まえて、A118G 変異などとの 関連について解析した。解析の内訳は、AA 群 =13, AG 群=19, GG 群=13 であった。術後 2~ 3 日目において AA 群と GG 群間に術後鎮痛に 必要なフェンタニルの量に有意差を認め、GG 群で 2 倍の高用量を必要とした(p < 0.05)。 患者が自分自身で疼痛に応じてボタンを押 し、投与量に上限を設定、投与間隔と投与量 も設定した。有害事象に差を認めず、これは、 副作用があれば注入ボタンを押さなかった ためと考えられた。

以上より、µ受容体作動薬の麻薬性鎮痛薬を患者に投与する場合には、AA 群では効果が得られやすいため、半量に減量することに対しためられる。麻薬性鎮痛薬を使用する際には、唾液を用いた簡便な検査で感受性を推測できるため、臨床に応用可能で、患者の安全性を考慮し、患者が自分はであると考えられた。今回はで変えたがタンを押し、副作用があれば注入ボタンを押さなくなる自己注入システムを採用したが、時間あたり一定量の注入立る持続注入ポンプを使用する場合には、この結果は当てはまらず、呼吸抑制などの副作用の発現に注意が必要であろう。

(2)各大陸人種別の遺伝多型頻度の差異に ついて

同様の解析手法を用いて、研究対象を幅広い 人種に広げた。

その結果、コートジボアール:アイポリー コーストと南米; コロンビアで、 µ 受容体の 遺伝多型 A118G 変異の頻度は最少となった。 次にフランスと米国白人のコーカソイド人 種で変異頻度が低く、例を挙げると米国白人 における µ 受容体の遺伝多型 A118G 変異の頻 度が50人中14名(28%)であったのに対し、 日本人においては50名中39名(78%)に変 異が観察され、米国白人と日本人ではµ受容 体遺伝多型頻度の逆転(二乗検定,P< 0.001) が確認できた。中国人;上海(n=67) とミャンマーでは、これらの人種よりも変異 頻度は高かった。以上より、変異頻度は、古 い人種のアフリカや中央アメリカで最も低 く、ヨーロッパからアジアに、東に移動する と新しい人種の日本人で最も多くなり、日本 人の特異性をはじめて見いだすことができ た。この受容体に変異が多いということは、 内因性の麻薬様物質オピオイドペプタイド の効果が小さいことが推測される。薬剤によ る痛みの治療方法が確立していない太古の 時代に、日本人は痛みを軽減する体内のシス テムの効果が小さいが為に、結果として我慢 強い民族になったと推察される。人類学的に も貴重な結果が得られた。

μ受容体の A118G 変異頻度に関し、homo 変

異型を独立群とした国内外からの詳細な報告は極めて少なく、正確な研究結果は得ら出たいない。海外の研究結果は、日本人に出まらないことが強く予想され、とても懸えれる。また、国内からの報告も散見を出るが、その大半は、顔面領域、つまり脳の研究であり、不可には、女性の悪性腫瘍で最多を占める体性神経領域の研究で最多を出る。我々の研究は、女性の悪性腫瘍で最多手術とした。これは、麻薬性鎮痛で、対象とした。これは、麻薬性鎮痛で、対象とした。これは、麻薬性鎮痛で、対象とした。これは、麻薬性鎮痛で、対象とした。これは、麻薬性鎮痛であり、女性の疾患として、最も代意義のあることと考えている。

(3) µ 受容体からのシグナル伝達系について

KCNJ6 の遺伝多型の影響も観察できた。その外の多型の影響については、現在も解析中である。

結語:

本研究の成果は、革新的な麻酔管理法の開発と人類遺伝学的な麻薬受容体の遺伝多型変遷を明らかにした。また、影響するシグナル伝達系の解明につながる可能性も示唆された。

5. 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

[雑誌論文](計 0件)

[学会発表](計 2件)

Inomata S, Tanaka M. Comparison of allele frequencies in opioid receptor gene OPRM1 (6q24-25, A118G) among different racial population groups, and the effects of the genetic polymorphism on μ -opioid receptor agonist requirements.

Annual meeting, European Society of Anaesthesiology; June 03, 2014 (Stockholm: Sweeden).

猪股伸一: 唾液を用いた遺伝子変異解析法の確立と日本人 1,300人を対象としたオピオイド受容体変異率の都道府県比較. 日本麻酔科学会第61回学術集会:5月17日,2014(パシフィコ横浜:横浜市).

[図書](計 0件)

〔産業財産権〕 出願状況(計 0件) 名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号: 出願年月日: 国内外の別: 取得状況(計 0件) 名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号: 取得年月日: 国内外の別: 〔その他〕 ホームページ等 6.研究組織 (1)研究代表者 猪股 伸一(Shinichi INOMATA) 筑波大学 医学医療系 准教授 研究者番号: 10282352 (2)研究分担者 () 研究者番号: (3)連携研究者 () 研究者番号: