# 科学研究費助成事業

\_ . . \_

研究成果報告書

科研費

平成 28年 8月31日現在

機関番号: 12605 研究種目: 挑戦的萌芽研究 研究期間: 2014~2015 課題番号: 26630421 研究課題名(和文)細胞内での異常な核酸分子挙動の解析

研究課題名(英文) Analysis of dynamics of nucleic acid in cytosol

研究代表者

中村 史(Nakamura, Chikashi)

東京農工大学・工学(系)研究科(研究院)・客員教授

研究者番号:40357661

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,000,000円

研究成果の概要(和文):本研究では、モレキュラービーコン(MB)を用いて、細胞内を模した分子クラウディング環 境でMBに対する核酸のハイブリダイゼーション速度(結合速度定数)を評価した。またMBを修飾したナノニードルを用 いることによって、細胞内で直接mRNAの結合速度定数を評価することを試みた。20wt%PEGにより分子クラウンディング 環境を模した緩衝液中で結合速度定数は大きく、またDNAと比較してs-oligoの結合速度定数が大きいことが明らかとな った。細胞内での試験結果は、前述のいずれの結合速度定数を上回るものであり、過去の報告例と比較して細胞質にお けるmRNAの拡散係数が大きいことが示唆された。

研究成果の概要(英文): In this study, we evaluated hybridization rate (association rate constant) of a molecular beacon (MB) with nucleic acids in molecular crowding condition mimicking intracellular environment. Furthermore, association rate constant of intracellular mRNA was directly analyzed by use of MB immobilized nanoneedle. In buffer solution simulated molecular crowding environment by addition of 20wt% PEG, association rate constant of s-oligo was higher than that of DNA. The constant of mRNA obtained by in vivo experiment exceeded all of the above-mentioned results. This result suggested that the diffusion coefficient of mRNA in cytosol is high compared to the previous reports.

研究分野:ナノ細胞工学

キーワード: 分子クラウディング ナノニードル モレキュラービーコン 核酸分子 結合速度定数

#### 1.研究開始当初の背景

細胞内環境は緩衝液中と異なり、高濃度で 存在する巨大分子やオルガネラによって分 子クラウディングと呼ばれる環境が形成さ れている。この環境中において分子は拡散阻 害による拡散速度の低下や排除体積効果に よる実効的な濃度の上昇、結合の促進、構造 の安定化などの影響を受ける。また、水分子 は高濃度に存在する様々な分子を水和し、そ の活量は著しく低下していると考えられて いる。そのため、細胞内における分子の働き を解明するためには、緩衝液中ではなく細胞 内、またはそれを模した環境での実験が不可 欠である。

これまでに、細胞内の核酸の拡散係数は 1/100 程度と考えられてきた。また、三好、 杉本のクラウディング剤を用いた系で B 型 DNA 二重鎖が不安定化するという報告があ る一方で (JAm Chem Soc, 128, 7957, 2006) 岡部らが報告する RNA プローブを用いた標 的 mRNA の検出速度は in vitro と細胞内でほ ぼ等価と考えられる (Nucleic Acids Res, 39, e20,2011)。このような背景から、本研究で は分子クラウディング環境下における核酸 の挙動について明らかにすることを目的と した。我々は細胞内の分子を観察するために、 AFM の探針を直径 200 nm の針状に加工した ナノニードルを使用し研究を行ってきた。そ の過程で、表面に hGAPDH mRNA を標的と するモレキュラービーコンを修飾したナノ ニードルを細胞へ挿入することで、細胞内の hGAPDH mRNA の検出に成功した (Biosens Bioelectron, 26, 1449, 2010).

細胞内 mRNA の検出実験に用いたヒト子 宮頸部癌細胞 HeLa 内にはhGAPDH mRNA が 約 2500 分子存在することが次世代シークエ ンサーによる解析から明らかとなっている。 モレキュラービーコンはステムループ構造 を形成する一本鎖 DNA の両端に蛍光基と消 光基がそれぞれ結合しており、ループ部分に 相補配列がハイブリダイズすることでステ ム構造が解離し、FRET が解消することで蛍 光を発する。細胞に挿入したナノニードル表 面で応答したモレキュラービーコンの分子 数を蛍光強度から算出したところ、数千分子 と見積もられ、細胞内のほぼ全ての hGAPDH mRNA がニードル表面に到達すると推察し ている。細胞内でのモレキュラービーコンの 応答は、挿入後 10 秒という非常に短い時間 で確認されている。分子クラウディング環境 中では排除体積効果によって分子結合が促 進されるが、近傍の分子間に起こる効果であ る。hGAPDH mRNA は細胞中にほぼ均一に拡 散しているので、ナノニードルから遠位にあ る mRNA も迅速に表面に到達しなければな らない。

## 2.研究の目的 これまでに連携研究者である鈴木らの研究

により、アデノシンリン酸の周辺において、 拘束水に加え、水分子間の水素結合ネットワ ークが通常の水より疎である「ハイパーモバ イル水」が共存し、AMP、ADP、ATPとリン酸 が付加されるにつれ、その量が増大すること が明らかとなっている (Biophys Chem, 154, 1, 2011)。我々はこのハイパーモバイル水が mRNAのリン酸骨格周辺に存在するためにバ ルク水との水素結合ネットワークが形成しに くい状態になり、mRNAの拡散等の分子挙動 に影響するのではないかと考えた。Franckら は、DNA表面においてタンパク質や脂質表面 に存在する水和水と異なり、容易に交換や転 移が起こる水和水が存在することをNMR測 定から明らかにしており(JAm Chem Soc, 137, 12013, 2015)、核酸近傍の水分子の状態が他の 生体分子とは異なることを示唆している。

そこで本研究では、DNA リン酸骨格の酸素 原子1つを硫黄原子に置換したホスホロチオ エートオリゴ(s-oligo)及びssDNAのinvitro におけるハイブリダイゼーション速度(結合 速度定数)を解析することを目的とした。顕 著な差違が観察された場合には、誘電緩和ス ペクトル測定を行い、ハイパーモバイル水に ついて解析を行うこととした。また、細胞内 での核酸の挙動を解析するために、hGAPDH モレキュラービーコンに加え、細胞内で応答 性の無いinert モレキュラービーコンを設計 し、これらを修飾したナノニードルを用いて 結合速度解析を行った。

- 3.研究の方法
- (1)細胞

本研究では細胞内 mRNA 検出のためにヒ ト子宮頸部癌細胞 HeLa を対象として用いた。 HeLa 細胞は 10%FBS (GIBCO)、 Gentamycin/Amphotericin (invitrogen)2 mM Gltamax (invitrogen)を含むDMEM (Sigma) で培養し、蛍光観察時にはフェノールレッド を含まない DMEM/F-12、HEPES (Life technology)に交換した。転写阻害には終濃度 500 nM の Actinomycin D (和光)を培地に添 加した。

### (2) モレキュラービーコンの表面修飾

本研究で用いたモレキュラービーコンは、 消光基をラベル化した3'末端側チミンがビ オチン化されており、ストレプトアビジンを



介してシリコンウエハまたはナノニードル 表面への固定化を行った。シリコン表面の修 飾には東京大学の石原一彦教授より分与頂 いた MPC ポリマーを用いた(図1)。MPC ポリマーは、MPTES によるシランカップリ ングによりシリコン表面に共有結合により 固定化し、ホスホリルコリンのドメインによ り非特異的な相互作用を抑制する。NHS を介 してストレプトアビジンを結合し、これに対 してビオチン化モレキュラービーコンを添 加することによって固定化を行った。

# (3)モレキュラービーコン応答試験

モレキュラービーコンの設計

モレキュラービーコンは hGAPDH mRNA の 564 番目から 582 番目までの 19 塩基を標 的とし、7 塩基対でステム構造を形成するよ うに設計した(Ann Biomed Eng, 34, 39, 2006)。 3'側にビオチンとブラックホールクエンチャ ー1、5'側に Alexa488 を修飾した。また、ネ ガティブコントロールとして、同じステム配 列を持ち HeLa 細胞内で応答しない配列を参 照し(Bioconjug Chem, 19, 2205, 2006)、HeLa inert モレキュラービーコンを設計した。



hGAPDHモレキュラービーコン配列: 5'-/Alexa488/ACG ACG GAG TCC TTC CAC GAT ACC ACG TCG T/BHQ-1/-3' Unit in the sector of the s

HeLa inert モレキュラービーコン配列: 5'-/Alexa488/ACG ACG CGA CAA GCG CAC CGA TAC GTC GT/BHQ-1/-3' (赤がステム、青が認識配列) Biotin

### 図 2 モレキュラービーコンの修飾の模式 図及び配列

in vitro 試験

細胞内を模擬した分子クラウディング環 境を調製し、固定化モレキュラービーコンに 対する 19 mer の標的 ssDNA のハイブリダイ ゼーション速度(結合速度定数)の解析を行 った。細胞質模擬緩衝液(25 mM HEPES、115 mM CH<sub>3</sub>COOK, 2.5 mM MgCl<sub>2</sub>, 0.5 mM TCEP-HCl、pH 7.1) に終濃度 1 µM で標的 ssDNA もしくはホスホロチオエート(s-oligo) を添加し、シリコンウエハに固定されたモレ キュラービーコンの蛍光強度の経時変化を 測定した。分子クラウディング剤として PEG200(東京化成)を終濃度 20wt%で添加 した緩衝液で同様の実験を行った。測定のた めの蛍光画像の取得には倒立型顕微鏡 IX80 (Olympus)を使用し、ミラーユニットは NIBA を用いた。励起光の光源には水銀ラン プを使用した。観察は10秒ごとに20分間以 上行い、撮影時以外にはシャッターを使用し て励起光を遮断した。各画像の蛍光強度測定 には ImageJ を使用した。測定は室温で行った が二本鎖の解離は起こらないため、解離のな

い二次反応速度式による回帰を KaleidaGraph (Synergy software)を用いて行い、結合速度 定数を算出した。

### in vivo 試験

細胞内の hGAPDH mRNA のハイブリダイ ゼーションの速度解析を行った。ナノニード ルは単結晶シリコン製の AFM カンチレバー ATEC-CONT (NanoWorld AG)を集束イオン ビーム加工装置 SMI500(日立八イテクサイ エンス)で直径 200 nm、長さ 15 µm に加工し たものを用い、AFM NanoWizaed I (JPK Instruments AG)を用いて細胞へ挿入した。共 焦点レーザー蛍光観察によりナノニードル 先端付近の領域を走査し取得した蛍光画像 から蛍光強度の経時変化を測定した。蛍光観 察時の光源には 488 nm のレーザーを使用し 吸収フィルターによって 510 nm 以上の波長 の蛍光を観察した。蛍光強度の経時変化の測 定と結合速度定数の算出には in vitro 試験と 同様の手順を用いた。結合速度定数算出の際 の細胞内 hGAPDH mRNA 濃度は、2500分子 に対して排除体積を考慮し細胞質実効容積 を 0.1 pL とし、42 nM として計算を行った。 ネガティブコントロールとして、Actinomycin Dにより、転写阻害した HeLa 細胞を用いた 試験と、HeLa inert モレキュラービーコンを 修飾したナノニードルを用いた試験を行っ た。

- 4.研究成果
- (1) in vitro 試験の結果

シリコンウエハ表面に固定化した hGAPDH モレキュラービーコンと標的一本 鎖核酸のハイブリダイゼーションによる蛍 光強度の経時変化を蛍光顕微鏡で観察した。 観察された蛍光強度から緩衝液中でのモレ



### 図 3 ssDNA 及び s-oligo の細胞質模擬緩衝 液及び 20% PEG 添加緩衝液中におけ る結合速度定数

キュラービーコンと核酸の結合速度定数を 算出したところ、ssDNAでは4.7×10<sup>3</sup> M<sup>-1</sup>s<sup>-1</sup>、 s-oligo では 9.9×10<sup>3</sup> M<sup>-1</sup>s<sup>-1</sup> であった。また、 20wt%の PEG200 を用いて調製した分子クラ ウディング緩衝液中では、ssDNA では6.6×10<sup>3</sup> M<sup>-1</sup>s<sup>-1</sup>、 s-oligo では 1.3×10<sup>4</sup> M<sup>-1</sup>s<sup>-1</sup> であった。 まず、PEG200 により調製した分子クラウデ ィング環境では、速度定数がより大きいこと が示された。PEG 添加による排除体積効果に よるものと考えられる。反応後、標的核酸と PEG を含まない緩衝液に置換するとモレキ ュラービーコンの蛍光が増大した。PEG を添 加した分子クラウンディング環境でワトソ ンクリック型塩基対が不安定化しているた めと推察される。

また、ssDNA と比較して s-oligo の結合速 度定数は明らかに増大していた。連携研究者 の鈴木らの調査結果から尿素の酸素原子を 硫黄原子に置換したチオ尿素にはより多く のハイパーモバイル水が存在することが明 らかとなっている。リン酸の酸素原子を硫黄 原子に置換することによって同様の効果が 得られるために s-oligo の結合速度定数が増 大する可能性があると我々は推察した。鈴木 らと誘電緩和スペクトル測定を行っている が、現在のところ s-oligo のハイパーモバイル 水の検出に至っていない。引き続き測定を継 続し、結果は論文発表等をもって報告する予 定である。

(2) in vivo 試験の結果

シリコン製ナノニードルに MPC ポリマー を用いて hGAPDH モレキュラービーコンま たは HeLa inert モレキュラービーコンを固定 化し、HeLa 細胞に挿入した。挿入前および 挿入直後から 15 分間、ナノニードル表面の 蛍光強度の経時変化を共焦点顕微鏡で観察 した(図4)。終濃度 0.5 µM で Actinomycin D を培地に添加した HeLa 細胞を用いて同様の 実験を行った。

まず、hGAPDH モレキュラービーコンで、 HeLa 細胞内でナノニードル表面の蛍光強度 の上昇を確認した。これに対して HeLa inert モレキュラービーコンでは細胞内で蛍光強 度の上昇は確認されなかった。HeLa inert モ レキュラービーコンのステムの配列は全く 同じであり、*in vitro* 試験では良好な応答を示 したことから、ナノニードルの挿入によるず り応力などで機械的にステムが解離するの ではないことが明らかとなった。また、転写 阻害した細胞では hGAPDH モレキュラービ ーコンの応答が確認されなかったことから、



蛍光強度の上昇は mRNA とのハイブリダイ ゼーションによるものであることが示され た。蛍光強度の経時変化から細胞内での hGAPDH mRNA の結合速度定数を算出した ところ、4.4×10<sup>5</sup> M<sup>-1</sup>s<sup>-1</sup> であった。この速度定 数は20wt% PEG 緩衝液を用いた in vitro 試験 の ssDNA の結果と比較して、二桁大きい値で ある。細胞質実効容積を細胞体積の10%程度 とし、mRNA 濃度を大きく見積もってなおこ のような大きな差が得られた。希薄溶液と比 べて細胞内では核酸分子の拡散係数が著し く低下することが報告されているが (J Biol Chem, 275, 1625 2000)、得られた結果は細胞 質における mRNA の拡散係数が緩衝液中と 同等もしくはそれ以上であることを示唆す る。一方で、分割蛍光蛋白質とナノニードル を用いた蛋白質の結合速度定数の評価では、 *in vitro*と*in vivo*で同程度の結果が得られて いる。核酸においては、ハイパーモバイル水 のようなまだ未解明の特殊な水分子が配置 されることで、細胞内における分子挙動に大 きく影響すると我々は推察している。

5.主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

〔雑誌論文〕(計2件)

D. Matsumoto, R. R. Sathuluri, Y. Kato, Y. R. Kawamura, F. Iwata, T. Kobayashi and <u>C. Nakamura</u>, Oscillating high-aspect-ratio monolithic silicon nanoneedle array enables efficient delivery of functional bio-macromoleculrs into living cells, Scientific Reports, 5, Article number: 15325 2015, 查読有

doi:10.1038/srep15325

T. Saito, W. Yoshida, T. Yokoyama, K. Abe and <u>K. Ikebukuro</u>, Identification of RNA Oligonucleotides Binding to Several Proteins from Potential G-Quadruplex Forming Regions in Transcribed Pre-mRNA, Molecules, 20(11), 20832-40, 2015, 査読有 doi: 10.3390/molecules201119733.

### 〔学会発表〕(計7件)

<u>C. Nakamura</u>, Nanoneedle technology for single cell biosensing and cell sorting, Pacifichem2015, December 18, 2015, Honolulu, Hawaii, USA,

<u>C. Nakamura</u>, D. Matsumoto, Y. Kato, F. Iwata, K. Kobayashi, Nanoneedle technology for living cell analysis and manipulation, 3rd International Conference on Nanotechnology in Medicine, Manchester, United Kingdom, November 23, 2015

内藤 瑞紀、柳 昇桓、松本 大亮、K. R. Rostgaard, K. L. Martinez, 深澤 今日子、 石原 一彦、中村 史、分割蛍光タンパ ク質の細胞内結合解析、2015年9月11 日、第9回バイオ関連化学シンポジウム、 熊本大学工学部、熊本県熊本市

<u>C. Nakamura</u>, Nanoneedle technology for biosensing, UK-Japan Workshop on Biosensing Technology for the Innovative Healthcare, British Embassy in Tokyo, Japan, December 1st-3<sup>rd</sup>, 2014

<u>中村</u>史、ナノニードルを用いた細胞内 分子の *in situ* 検出技術、2014 年電気化学 秋季大会、2014 年 9 月 27 日 - 28 日、北 海道大学高等教育推進機構、北海道札幌 市

<u>中村</u>史、AFM カンチレバー型ナノニー ドルを用いた in situ 細胞解析、界面科学 コロキウム「原子間力顕微鏡」(招待)神 戸大学、2014年7月18日 - 18日 <u>中村</u>史、ナノニードル技術を用いた生 細胞の骨格タンパク質の解析、第53回生 体医工学会大会シンポジウム、2014年6 月24日 - 26日、仙台国際センター、宮 城県仙台市

〔図書〕(計1件)

R. Kawamura, Y. R. Silberberg and <u>C.</u> <u>Nakamura</u>, Nanobiosensors and Nanobioanalysis, 379, 291-303, 2015

〔その他〕

ホームページ等 https://unit.aist.go.jp/bmd/biomed-cme/

6.研究組織

(1)研究代表者

中村 史(NAKAMURA, Chikashi)東京農工大学・大学院工学府・客員教授研究者番号:40357661

(2)研究分担者

池袋 一典(IKEBUKURO, Kazunori) 東京農工大学・大学院工学研究院・教授 研究者番号:70251494

(3)連携研究者

鈴木 誠 (SUZUKI, Makoto) 東北大学・大学院工学研究科・教授 研究者番号:60282109