科学研究費助成專業 研究成果報告書



平成 29 年 5 月 2 6 日現在

機関番号: 12601

研究種目: 基盤研究(B)(一般)

研究期間: 2014~2016

課題番号: 26292009

研究課題名(和文)イネ茎部の非構造性炭水化物組成の遺伝的改変に向けた代謝制御因子の探索

研究課題名(英文) Towards genetic modification of non-structural carbohydrate composition in rice stems: Searching for regulatory factors in starch and sucrose metabolisms

研究代表者

青木 直大 (AOKI, Naohiro)

東京大学・農学生命科学研究科・助教

研究者番号:70466811

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 12,400,000円

研究成果の概要(和文):本研究では、イネの茎部(葉鞘・稈)における非構造性炭水化物(以下NSC;主にデンプンとショ糖)の蓄積量や組成の制御に深く関与する遺伝子の同定を試みた。主な成果として、(1)茎部NSC代謝に関わる遺伝子として、デンプン分解酵素 -アミラーゼBAM2、BAM3、イソアミラーゼISA3、ショ糖分解酵素のINV2を同定した。また、(2)茎部のNSC蓄積量および組成は穂の大きさ(シンク・サイズ)のみによって決定されるものではなく、(3)高NSC品種はそれぞれ特有のNSC蓄積メカニズムを有することが明らかとなった

研究成果の概要(英文): In this research project, we tried to identify genes to control the content and composition of non-structural carbohydrates (NSC; mainly starch and sucrose) in the stem of rice plant. As the main results, (1) we identified genes for carbohydrate-related enzymes that act in rice stems: BAM2 and BAM3 for beta-amylases and ISA3 for isoamylase, both of which are starch degrading enzymes, and INV2 for a vacuolar invertase, a sucrose degrading enzyme. Also, we found that (2) the amount and composition of NSC accumulated in the stems at harvest, cannot necessarily be determined by the size of panicle (sink size), and that (3) in the stems of high-NSC cultivars, there exists peculiar mechanism for accumulating high levels of NSC.

研究分野: 作物生産生理学

キーワード: 作物(イネ) 茎 非構造性炭水化物 デンプン ショ糖 アイソジーン

1.研究開始当初の背景

イネはわが国において最も重要な作物で あり、また世界的な主要穀物である。地球の 人口は 2050 年には 90 億人に達すると予想さ れ、それを養うだけの食料の確保が重要な課 題である。一方でわが国では、今後人口の減 少や高齢化などによる消費の減少により水 田における主食用米生産は減少し、余剰水田 の一層の増加が予想される。このような余剰 水田を有効に活用しつつ、炭素資源の効率的 利用を図るために、飼料用イネやバイオエタ ノール用イネの開発・栽培が進められている。 また、世界的にみると、穂を収穫した後の茎 葉部(稲藁)は農業残渣として廃棄される場 合が多くその量は年間数億トンに上る。した がって、イネの多用途利用を考える上で、茎 葉部、特に稲藁の乾物重の約8割を占める茎 部(葉鞘および程)の有効利用は喫緊かつ重 要な課題である。

イネは穂(子実)にデンプンを蓄積する-方で、余剰な炭素をデンプンや可溶性糖(主 にショ糖、ブドウ糖、果糖)として葉身や茎 部に蓄積する。茎葉部に蓄積するデンプンや 可溶性糖は非構造性炭水化物 (Non-structural carbohydrate, NSC)と総 称され、NSC の量や組成は品種または生育段 階によって異なることが知られている。茎葉 部の NSC の量や組成は、バイオエタノール用 イネにおけるアルコール発酵の際の糖化効 率や、飼料用イネ、特にホールクロップ・サ イレージ用イネの発酵特性や栄養価を左右 する。したがって、茎葉部 NSC の量や質の遺 伝的改変は多用途的利用価値の高い品種の 開発・育成における重要なポイントである。 しかしながら、現在までのホールクロップ・ サイレージ用品種の育種研究は地上部バイ オマスの増大に主眼がおかれており、NSC の 蓄積量や組成の改変にまで踏み込んだ育種 はほとんど行われていない。その背景には、 NSC の蓄積量や組成を決める生理機構や、そ れらの改変に必要な分子マーカーが見つか っていないことがあげられる。

茎葉部におけるデンプンおよび可溶性糖 の含有率は、デンプンと可溶性糖の大半を占 めるショ糖の分配比によって決まると考え られる。本研究を開始した時点でイネにおけ るデンプンやショ糖の合成・分解経路に関す る研究は数多くあり、ADP-グルコースピロホ スホリラーゼ(AGP) ショ糖リン酸合成酵素 アミラーゼ(Ramy)など一部の関 (SPS) 連酵素についてはアイソジーン (遺伝子ファ ミリー) の発現特性や生理機能分担について の理解も進みつつあった。しかしながら、そ れらは子実が中心で、茎部に限ってみるとデ ンプン・糖代謝に関する研究例は少なく、特 にデンプンの分解経路については明らかに なっていなかった。また、デンプンと糖の間 の分配を制御するメカニズムに関する代謝 および分子レベルでの研究例はなかった。

2. 研究の目的

上記の背景を踏まえて本研究では、イネの 茎部におけるデンプン・可溶性糖の合成および分解経路に関わる酵素のアイソジーンを 明らかにするとともに、NSC の蓄積量や組成 の決定に深く関わる制御因子の探索・同定を 目的とした。

3.研究の方法

供試材料には、標準品種である「日本晴」の他、茎部のNSC含有率やデンプン/可溶性糖比の異なるイネ品種および突然変異系統を用いた。

「たちすずか」: 農研機構・近畿中国四国 農業研究センターより分譲された。"極短穂" 形質を有する。育成地における早晩性は極晩 生。親品種(対照系統)である「クサノホシ」 に比べて、収穫期のNSC濃度(特にショ糖濃 度)が高い。

「たちあやか」: 農研機構・近畿中国四国 農業研究センターより分譲された。"極短穂" 形質を有する。育成地における早晩性は中生 の早。親品種(対照系統)である「ホシアオ バ」に比べて、収穫期のNSC濃度(特にショ 糖濃度)が高い。

「リーフスター」: 既に市販されている飼料用水稲品種。草丈が高く分げつが少ない。 "極短穂"形質は持たない。育成地(茨城県つくば市)における早晩生は極晩生。親品種(対照系統)である「コシヒカリ」に比べて、収穫期のNSC濃度が高い。可溶性糖濃度も高いが「たちすずか」のレベルには達しない。

「日本晴 - 極短穂変異体 (SP1-K0)」: 農業生物資源研究所より分譲された Tos17 レトロトランスポゾン挿入系統。Tos17 の挿入によって ShortPanicle1 遺伝子が破壊された系統。"極短穂"形質を有する。早晩性は中生(原品種と同程度)。

これらの品種・系統について、以下のように研究を進めた。

(1)生育、穂形質、乾物生産・分配などの 生理生態的特徴を確認した上で、茎部におけ る NSC の蓄積パターンを詳細に解析した。

(2) NSC の合成および分解経路を酵素・遺伝子レベル(酵素活性、アイソジーンの遺伝子発現量)で解析した。青木(代表者)はショ糖合成系、廣瀬(分担者)はショ糖分解系およびデンプン合成系、平野(分担者)は新系が表して着目して着目して着目ができと判断された遺伝子(候補遺伝子)については適宜、ノッ系統(およびそれらの遺伝子相補系、それらの茎部におけるNSC蓄積パターンを中心に解析を行い、候補遺伝子の茎部における機能を検証した。

(3) 茎部における遺伝子発現パターンを網

羅的に解析し、NSC の量や組成の決定に深く 関与する制御因子の探索・同定を試みた。

4. 研究成果

本研究で得られた主な成果を以下に列挙する。

(1)「日本晴」を用いた茎部 NSC 関連酵素のアイソジーン解析から、 アミラーゼ遺伝子のうち BAM2 および BAM3 が、茎部におけるデンプン分解に関与しているこみが、これの成果によって、研究開始をでは不明な点が多か機構の理解が大き部とは別定が困難であった アミラーせん。また、これまでゼゼには測定が困難であった アミラーした。 マッセイ系は、今後、イネ以外の植物を明ってはおけるデンプン蓄積の分子機構を明らかにする上で重要な手法になると思われる。

- (2) 茎部で機能する遺伝子として新たに アミラーゼのアイソジーンである BAMS、デンプンのリン酸化に関わる グルカンホスホリラーゼの PH01 および PH02、アミロペクチンの分解に関わるイソアミラーゼの ISA3、ショ糖分解酵素の INV2 が同定された。これにより、茎部 NSC 代謝の分子機構の理解が進んだと言える。
- (3)「たちすずか」・「たちあやか」と「日本晴 SP1-KO」の NSC 蓄積パターンを比較した結果、穂の大きさ(シンク・サイズ)は茎部の NSC 蓄積量を大きく左右するが、NSC の組成(デンプン / 可溶性糖比)、特にショ糖の含有率の決定にはシンク・サイズ以外の要因が関わることが明らかになった。このことは、「たちすずか」などの高糖性品種は「日本晴」などが持たない茎部特異的なショ糖蓄積メカニズムを有することを示しており、今後、高糖性品種を育成する上で重要な知見になる。
- (4)上記の品種の茎部における網羅的遺伝子発現解析(RNA-seq)から、デンプンまたはショ糖濃度の決定に深く関与すると思われる代謝酵素遺伝子、および転写因子などの発現制御遺伝子のリストを得た。このリストはイネ茎部における高NSC形質や高ショ糖形質に関与している新規遺伝子を含んでいると考えられ、今後の研究の発展が期待される。
- (5)代表者および分担者がオーガナイザーとなり、他4名の研究者を招いて、日本作物学会第243回講演会にてミニシンポジウム「イネ茎部で働く遺伝子たち~稲藁の有効利用に向けたデンプン・糖代謝の遺伝的改変~」を開催した(2017年3月30日)。平野(分担者)が本研究の成果の一部を発表した他、イネ茎部のNSC代謝に関わる遺伝子発現制御などの基礎的な研究から、実際の品種育

成にいたるまで多岐にわたる内容であった。 イネの多用途利用(イネ茎部の新たな有効利 用)という出口を見据えて、それぞれの立場 から活発な意見交換がされた様子から、多く の研究者がこの問題に高い関心を持ってい ることを再認識した。

5 . 主な発表論文等

[雑誌論文](計2件)

Tatsuro Hirose、Sakurako Kadoya、Yoichi Hashida、Masaki Okamura、Ryu Ohsugi、Naohiro Aoki、Mutation of the SP1 gene is responsible for the small-panicle trait in the rice cultivar Tachisuzuka, but not necessarily for high sugar content in the stem、Plant Production Science、查読有、Vol.20、2017、pp.90-94、

DOI:10.1080/1343943X.2016.1260484

Tatsuya Hirano、Takayuki Higuchi、Minako Hirano、Yu Sugimura、Hiroyasu Michiyama、Two -amylase genes,OsBAM2 and OsBAM3,are involved in starch remobilization in rice leaf sheaths、Plant Production Science、查読有、Vol.19、2016、pp.291-299、DOI:10.1080/1343943X.2016.114008

[学会発表](計9件)

平野 達也、杉村 優有、樋口 貴之、イネ 葉鞘において出穂期以降のデンプン分解 に関与する遺伝子の探索と機能解析、日本 作物学会第 243 回講演会、ミニシンポジウム(5)「イネ茎部で働く遺伝子たち」、2017 年 3 月 30 日、東京大学(東京都文京区)

岡村 昌樹、<u>廣瀬 竜郎</u>、橋田 庸一、大杉 立、<u>青木 直大</u>、イネの茎部低デンプン変異 体を利用した茎部炭水化物蓄積特性の解明、 日本作物学会第 243 回講演会、ミニシンポ ジウム(5)「イネ茎部で働く遺伝子たち」、 2017 年 3 月 30 日、東京大学(東京都文京区)

樋口 貴之、道山 弘康、<u>平野 達也</u>、イネ 葉鞘におけるデンプン含量の変化と - グ ルカンホスホリラーゼ活性との関係、日本 作物学会第 242 回講演会、2016 年 9 月 11 日、龍谷大学(滋賀県大津市)

杉村 優有、平野 美奈子、道山 弘康、深山 浩、平野 達也、 -アミラーゼ遺伝子, OSBAM5 の発現抑制系統はイネ葉鞘においてデンプン過剰の表現型を示す、日本作物学会第 240 回講演会、2015 年 9 月 6 日、信州大学(長野県長野市)

橋田 庸一、<u>廣瀬 竜郎</u>、<u>青木 直大</u>、大杉 立、 イネのショ糖リン酸合成酵素をコードする OsSPS1 の発現が抑制された変異体の生理学 的解析、日本作物学会第 240 回講演会、2015 年9月6日、信州大学(長野県長野市)

Shamitha Rao Morey, <u>廣瀬 竜郎</u>, <u>青木 直</u>大、大杉 立、Characterization of vacuolar invertase genes *Os INV2* and *Os INV3* in rice (*Oryza sativa* L.)、日本作物学会第 240 回講演会、2015 年 9 月 6 日、信州大学(長野県長野市)

杉村 優有、道山 弘康、<u>平野 達也</u>、イネ 葉身でのデンプン含量の日変化における アミラーゼの関与、日本作物学会第 239 回 講演会、2015 年 3 月 27 日、日本大学(神 奈川県藤沢市)

太田黒 駿、<u>青木 直大</u>、岡村 昌樹、<u>廣瀬</u> <u>竜郎</u>、大杉 立、茎部のデンプン合成が抑制 されたイネ変異体の糖蓄積に関する研究、 日本作物学会第 238 回講演会、2014 年 9 月 10 日、愛媛大学(愛媛県松山市)

辻本 翔大、<u>青木 直大、廣瀬 竜郎、大杉 立、</u>イネにおける *Isoamy Iase3* の欠損変異体の解析、日本作物学会第 238 回講演会、2014年9月10日、愛媛大学(愛媛県松山市)

[図書](計0件)

[産業財産権]

出願状況(計0件)

取得状況(計0件)

[その他]

ミニシンポジウム「イネ茎部で働く遺伝子たち~稲藁の有効利用に向けたデンプン・糖代謝の遺伝的改変~」を開催した。日本作物学会第 243 回講演会、2017 年 3 月 30 日、東京大学(東京都文京区)講演要旨集 pp.245-250、https://www.jstage.jst.go.jp/browse/jcsproc/243/0/_contents/-char/ja/

6. 研究組織

(1)研究代表者

青木 直大 (AOKI, Naohiro) 東京大学・農学生命科学研究科・助教 研究者番号: 70466811

(2)研究分担者

廣瀬 竜郎 (HIROSE, Tatsuro) 国立研究開発法人農業・食品産業技術研究 機構・中央農業研究センター・上級研究員 研究者番号: 90355579

平野 達也 (HIRANO, Tatsuya) 名城大学・農学部・教授 研究者番号: 30319313