科研集

科学研究費助成事業 研究成果報告書

平成 30 年 5 月 24 日現在

機関番号: 17701 研究種目: 若手研究(B) 研究期間: 2015~2017

課題番号: 15K19276

研究課題名(和文)心筋症および心肥大を伴った心臓性突然死の原因遺伝子解析

研究課題名(英文)Mutational analysis of disease causing gene in sudden death cases with cardiomyopathy or cardiac hypertrophy

研究代表者

前田 一輔 (Maeda, Kazuho)

鹿児島大学・医歯学域医学系・助教

研究者番号:40724761

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,100,000円

研究成果の概要(和文):拡張型心筋症(DCM)の原因遺伝子として報告されているサイファー遺伝子(LDB3)及びRNA結合モチーフ蛋白遺伝子 (RBM20)の解析においてそれぞれ肥大型心筋症(HCM)の原因遺伝子変異がすでに検出されたHCM例にDCMの原因として報告されている変異が検出された.また,心肥大例1例にもRBM20に新規の変異が検出され,HCMで検出報告のある変異の近傍に位置していた.以上より重複した各CMの原因遺伝子異常によるCM病態の重篤化及びRBM20のHCM原因遺伝子としての可能性が明らかとなった.

研究成果の概要(英文): We performed comprehensive genetic analysis of genes that would cause dilated cardiomyopathy (DCM) in sudden death with cardiomyopathies or concentric/dilatation hypertrophy. DCM-associated mutation was detected from one HCM case in LDB3 and other HCM case in RBM20. These HCM cases also had a mutation associated with HCM in other gene. In addition, a novel mutation was detected from one concentric hypertrophy case in RBM20. This mutation was located near to the mutation associated with HCM. These results suggested that multiple gene mutations associated with each cardiomyopathy would exacerbate cardiac function and RBM20 might be not only as DCM-causing gene but also as HCM-causing gene. Further investigation using more postmortem samples is need for proving this hypothesis and elucidating the molecular mechanism in the onset of cardiomyopathy.

研究分野: 法医学

キーワード: 拡張型心筋症 肥大型心筋症 心臓性突然死 遺伝子解析 サイファー遺伝子 RNA結合モチーフ蛋白遺

伝子

1.研究開始当初の背景

法医学で扱う異状死体の数は年々増加傾 向にあり,心臓性突然死が多くの割合を占め ている. その中でも若年者の突然死で最も頻 度の高い疾患が心筋症(CM)であると言わ れている.CM は心筋の機能異常などにより 心肥大や心内腔の拡張をきたす疾患で、心筋 サルコメア・サルコレンマを構成する蛋白を コードする遺伝子異常が原因とされている が,疾患全体として病因変異が多彩であり, 未だ病因解明に至っていないのが現状であ る.また.心臓性突然死の中にはCMと診断 されていないものの心肥大を認める例も経 験することからこれらの症例の遺伝子解析 を行うことで心肥大のメカニズム解明並び に CM 発症へのプロセス解明にもつながるこ とが期待される、そこで、これまでに解析し た CM 例に加え,心肥大または心拡張を認め た症例についても遺伝子変異解析を行い,遺 伝子異常による CM の病態解明並びに遺伝子 解析による確定診断の可能性について検討 する研究を企画した.

2.研究の目的

これまで肥大型心筋症(HCM)で報告され ている原因遺伝子を中心に変異解析を行い, 多くの変異を検出してきた.本研究では,拡 張型心筋症(DCM)で変異が報告されている ラミン A/C 遺伝子 (LMNA), サイファー遺 伝子(LDB3), FHL2 遺伝子(FHL2), 近年 新たに DCM の原因遺伝子として発見された 心臓特異的骨形成蛋白遺伝子(BMP10)及び RNA 結合モチーフ蛋白遺伝子 (RBM20)つ いて遺伝子解析を行い,これまで遺伝子異常 が確認されていない症例の原因遺伝子検索 を行う. さらに検出されたミスセンス変異に ついて in silico スクリーニング解析により蛋 白質への影響を分析し,より詳細に変異と疾 患との関連について検討することで病態解 明を目指し,遺伝子解析による確定診断へと 展開する研究基盤の確立を目的とした.

3.研究の方法

(1) 対象試料

ご遺族より同意を得た HCM14 例 , DCM18 例 , 病歴に CM がなく , 剖検時 , 求心性肥大 (CH)が認められた 31 例及び拡張性肥大 (DH) が認められた 17 例の血液および心筋を対象とした . 各 CM は AHA Scientific Statement (Circulation 2006;113: 1807-1816)及び ESC レポート (Eur Heart J 2008; 29: 270-276)に基づき , HCM は錯綜配列及び間質の線維化を伴った心室肥厚の増加による左室肥大 , DCM は左室拡張 , 左心室収縮機能障害を診断基準とした . CH 及び DH については心重量が 500g 以上かつ心肥大また心拡張が認められた症 例を対象とした .

(2) シークエンス解析

NCBI のデータベースをもとに Primer を設計し,サンガー法により塩基配列を決定した.検出された遺伝子多型については疾患群と対照群間で有意差検定を行った.

(3) in silico スクリーニング

シークエンス解析により検出されたミスセンス変異について配列の保存性,化学的特徴,蛋白質構造やドメイン情報をもとに変異の蛋白質機能に及ぼす影響を数値化するPolyphen-2及びSIFTを用いて解析を行った.

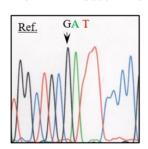
4. 研究成果

(1) ラミン A/C 遺伝子 (LMNA)

一塩基置換及びサイレント変異が各 5 ヶ所ずつ検出された.検出された一塩基置換のうちg.37209T>C及びg.61613G>Cは Exon領域内のデータベースにない新たな変異であったが、蛋白質コード領域外であった.また、p.H566=は一塩基多型(SNP)であったが、対照群との間に有意差は認められず、疾患との関連性は低いと考えられた.よって DCM 例も含め、全例で蛋白質機能に異常をきたす変異が検出されなかったことから LMNA は本研究で解析した症例の原因遺伝子ではないことが示唆された.

(2) サイファー遺伝子 (LDB3)

5 ヶ所のミスセンス変異 ,1 ヶ所のサイレ ント変異、4ヶ所の一塩基置換が検出された、 検出されたミスセンス変異のうち 20 歳代後 半の HCM1 例で検出された p.D673N は PolyPhen-2 及び SIFT により蛋白質機能異常 をきたす変異と判定された(図1,表1).こ の変異は50歳以降にDCMを発症する遅発性 の変異として報告されている. さらに本例は これまでの検討で心室型ミオシン必須軽鎖 遺伝子 MYL3 に HCM の原因遺伝子変異とし て報告のある p.A57G が検出されている. p.A57G は Ca 感受性を高めることで比較的低 い Ca²⁺濃度下でも筋収縮を引き起こす結果, 心筋収縮亢進により HCM 発症に関与してい る .本例のように HCM 例で DCM と HCM の 原因遺伝子変異を重複して有している例の 報告は殆どないが,どちらか一方の原因遺伝 子を複数有する場合,心筋症病態が重篤化す ることが報告されている.よって本例は若年 であったため DCM 発症には至らなかったが, MYL3 及び LDB3 異常により HCM の重篤化 が促進した可能性が考えられた、



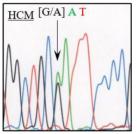


図 1. HCM1 例に検出された p.D673N

表1 蛋白質機能異常をきたすと判定された変異

遺伝子	変異	PolyPhen-2	SIFT	症例	これまで検出した変異
LDB3 RBM20 RBM20	p.D673N p.R1182H p.G1217R	Probably Damaging Probably Damaging Probably Damaging	Damaging Damaging Damaging	HCM1例 HCM1例 CH1例	p.A57G (MYL3) p.S593fs:1 (MYBPC3)

(3) FHL2 遺伝子 (FHL2)

1ヶ所のミスセンス変異と2ヶ所の一塩基 置換が検出され、いずれもSNPであった.こ のうちp.G48S は in silico スクリーニング解析 で蛋白質機能異常をきたす変異として判定 された.有意差検定を行ったところ、DCM 群との間に有意差を認めた (p=0.03*). p.G48S は DCM の原因遺伝子変異として報告されていることから DCM との関連が強く示唆され,今後さらに症例数を増やし詳細に検討していく必要があると考えられた.

(4) 心臓特異的骨形成蛋白遺伝子(BMP10)

1ヶ所のサイレント変異が検出されたが,対照群にも検出される SNP であった .有意差検定においても疾患と対照群との間に有意差は認められなかった . よって BMP10 は本研究で解析した症例の原因遺伝子ではないことが示唆された .

(5) RNA 結合モチーフ蛋白遺伝子(RBM20) 5 ヶ所のミスセンス変異,2 ヶ所のサイレ ント変異,4ヶ所の一塩基置換が検出された. 検出された変異のうち p.R30=, p.R1057Q, p.E1223Q 及び 4 ヶ所の一塩基置換すべてが SNPであり、いずれの変異も疾患群と対照群 との間に有意差を認めなかった .一方 ,HCM1 例で検出された p.R1182H は in silico スクリー ニング解析により病原性変異として判定さ れた(図2,表1). 本例はこれまでの検討で ミオシン結合蛋白 C 遺伝子 MYBPC3 に HCM の原因遺伝子変異として報告されている Ser593fs:1 も検出されている.p.R1182H はデ ータベース上,DCM で検出された報告はあ るものの疾患との関連はまだ証明されてい ない.しかし,この変異は心筋の収縮・弛緩 においてサルコメア全体のバランスを維持 する蛋白質タイチンの選択的スプライシン グの制御にとって重要な Zinc Finger domain

上に位置していることから DCM を引き起こす可能性が考えられた.LDB3 解析で検出した HCM 例と同様に本例も HCM 及び DCM の原因遺伝子変異をそれぞれ有したことで CM

病態を重篤化させた可能性が示唆された.ま

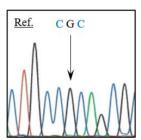
た, CH 例 1 例で蛋白質機能に異常をきたす

これまで報告例のない新たな変異である

p.G1217R が検出された(図3,表1).本例は

心重量 575g で高度の求心性肥大を認め,組

織学的にも心筋細胞の肥大や線維化を認めたが,錯綜配列は観察されなかった.p.G1217R は疾患と関連は証明されていないものの HCM 例から検出報告のある p.P1211L の近傍に位置していることからこの領域の変異は心肥大と関連があると考えられた.さらに病歴は不明だったが,大動脈の硬化が強かったことなどから高血圧が背景にあったものと思われ,それも加わり,心肥大が増悪した可能性が考えられた.一部の DCM の原因遺伝子は HCM と重複するものも存在し,同一原因遺伝子のなかでも,変異部位により表現型が異なることが報告されていることから RBM20 は HCM の原因遺伝子でもある可能性が示唆された.



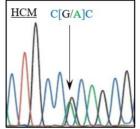
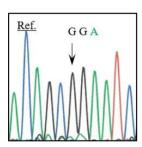


図 2. HCM1 例に検出された p.R1182H



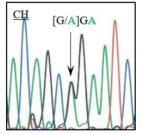


図 3. CH1 例に検出された p.G1217R

CM は若年者の突然死の一因であり、臨床のみならず、法医学分野においても重要である。原因遺伝子を特定することは死因診断の向上のみならず、家族へのフィードバックにより予防医学にも貢献するものと考えられる。本研究結果から重複した各 CM の原因遺伝子異常による CM 病態の重篤化及びRBM20のHCM原因遺伝子としての可能性が明らかとなった。今後、症例数を増やしさらなる解析が必要であると考えられた。

5. 主な発表論文等

[雑誌論文](計1件)

村上千香子, 前田一輔, 入江 渉, 大石桃子, 佐々木千寿子, 中丸尚美, 中村茂基, 栗原克由.: 心臓性突然死の遺伝子解析 III -SCN5A 遺伝子の変異解析-, DNA 多型 2015; 23: 177-180. 査読有

[学会発表](計4件)

Maeda K, Murakami C, Irie W, Sasaki C, Sato F, Kurihara K. Mutational analysis of LDB3 gene in sudden death cases with cardiomyopathy or cardiac hypertrophy. 10th International Symposium Advances in Legal Medicine (ISALM). Düsseldorf (Germany), 2017.9.11.

前田一輔,村上千香子,入江 渉,佐々 木千寿子,佐藤文子,栗原克由.心筋症 及び心肥大・拡張例における心臓特異的 骨形成蛋白質 10 及び RNA binding motif protein 20 遺伝子変異解析.第 101 次日本 法医学会学術全国集会,長良川国際会議 場(岐阜県岐阜市),2017.6.7.

前田一輔,村上千香子,入江 渉,佐々 木千寿子,中村茂基,佐藤文子,栗原克 由.心筋症及び心肥大・拡張事例におけ るラミン A/C 遺伝子およびサイファー 遺伝子の変異解析.第66回日本法医学 会学術九州地方集会,筑水会館(福岡県 久留米市),2016.10.14.

Maeda K, Murakami C, Irie W, Sasaki C, Oishi M, Nakamaru N, Nakamura S, Kurihara K. The case of 2 sibling that identified not only by DNA profiling. 26th World Congress of the International Society for Forensic Genetics (ISFG). Krakow (Poland), 2015.8.31.

6. 研究組織

(1)研究代表者

前田 一輔 (Maeda, Kazuho) 鹿児島大学・医歯学域医学系・助教

研究者番号: 40724761