科学研究費助成事業 研究成果報告書

平成 30 年 6 月 1 日現在

機関番号: 32612 研究種目:挑戦的萌芽研究 研究期間:2016~2017 課題番号:16K13107

研究課題名(和文)シナプス分子のスプライスバリアント特異的な局在を検出するための技術開発

研究課題名(英文)Application of epitope-tag insertion for the analysis of synaptic molecules splicing isoform expressions in the brain

研究代表者

井端 啓二(Ibata, Keiji)

慶應義塾大学・医学部(信濃町)・助教

研究者番号:30462659

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 2,800,000円

研究成果の概要(和文): CbIn1は小脳におけるシナプス形成分子であり、他の脳領域ではCbIn2および4も重要な働きをしていると考えられているが局在は不明である。CbIn分子はスプライスサイト4を持つNeurexin (NrxSS4)に結合するが、NrxSS4の個々のシナプスでの局在に関しても、特異的な抗体が存在しないため不明であった。本研究では、抗体を作る代わりに、ゲノム編集技術を用いてエピトープタグそのものをノックインすることで、CbIn分子とNrxSS4の局在を解明する事を試みた。その結果CbIn1およびCbIn2のノックインマウスは得られたが、NrxSS4では得られなかった。現在免疫組織実験を進行中である。

研究成果の概要(英文): Cbln1 induces synapse formation in the central nervous system, especially in the cerebellum. In other brain region, it is speculated that other Cbln proteins, Cbln2 and 4, also plays an important role at synapse formations. It is known Cbln proteins bind with splice site 4 containing neurexin isoform at presynaptic site. To understand the characteristic of each synapse in the brain, it is important to know which Cbln proteins and which neurexin isoform is expressed at each presynaptic site. To date, there are no specific antibody for neurexin splice site 4 and for Cbln family proteins because of high-similarities. To overcome this difficulty, we took advantage of epitope-tag and antibody detection system. We tried to insert epitope-tag at splice site 4 of neurexin and at terminus of Cbln proteins using CRISPR/Cas9 system. In this research period, we found difficulty to get knock-in mouse for neurexin. On the other hand, we obtained epitope-tag inserted Cbln1 and Cbln2 knock-in mice.

研究分野: 神経科学

キーワード: ゲノム編集

1.研究開始当初の背景

神経細胞と神経細胞の繋ぎ目である「シナ プス」こそが、複雑な脳神経回路の働きを知 る上で必須の機能単位である。しかしシナプ ス研究における最大のボトルネックの一つ は、シナプス分子の局在が十分に分かってい ないことにある。内因性分子の局在解析には 光顕および電顕レベルでの抗体染色法が必 須であるが、シナプス分子に対する特異的抗 体がなかなか得られないからである。多種多 様な神経細胞を特異的に結合させて機能さ せるために、シナプス分子の多くにはわずか なアミノ酸の違いによる多様性が存在する。 このような数十のアミノ酸の違いを特異的 に認識する抗体を得ることは簡単ではない。 例えば自閉症の原因遺伝子である Neurexin にはスプライシングの違いによって 1000 種 以上の分子種が存在することがプロテオミ クス解析で分かっている。しかし、これらの 違いを認識する特異的抗体がほとんど存在 しないため、多様な Neurexin がどの神経回 路にどのように局在するのか未だに分かっ ていない。また、シナプスには膜タンパク質 や細胞外基質が密集しており、熱処理や有機 溶剤処理などさまざまな抗原露出法を用い る必要があることが多い。しかしこのような 処理に耐える親和性の高い抗体を得ること も簡単ではない。

2.研究の目的

そこで抗体を作る代わりに、CRISPR/Cas9 ゲ ノム編集技術を用いて抗原(エピトープタ グ)そのものを、目的シナプス分子をコード する遺伝子にノックインすることによって シナプス分子局在解析技術を確立する。エピトープタグの種類と位置は、培養神経細胞を 用いた in vitro シナプス形成アッセイと、子宮内電気穿孔法を用いた in vivoアッセイ によって最適化する点が特徴である。本研究計画では、新しいシナプス分子局在解析技術を確立することに加えて、自閉症関連遺伝子

である Neurexin のスプライスサイト4 (30 アミノ酸) バリアントの時空間的発現プロファイルを初めて明らかにすることを目的する。

3.研究の方法

本研究は Neurexin SS 4 遺伝子に、CRISPR/Cas9 ゲノム編集技術を用いてタグ配列をノックインすること、およびノックイン したタグに対する標識で解析することの 2 つの実験を行う。そのためノックインするタグの選定を Neurexin SS 4 の他のタンパク質との結合能や、シナプス形成能などの機能が保持されているかを指標に *in vitro* のアッセイ系で行う。タグの選定後、ノックインマウス個体を作製し、個体レベルでの Neurexin SS 4 発現と局在のプロファイルを作製する。さらに、さまざまな自閉症モデルマウスにおける SS4 アイソフォームの発現パターンの差異およびシナプスのマーカータンパク質との相関を検討する。

本研究では免疫染色や蛍光化合物ラベリン グで使用可能な既存のエピトープタグを用 いる。世界中で広く用いられている HA、FLAG、 HIS、Myc、Avi タグと蛍光化合物 FIAsH-EDT2、 ReAsH-EDT2 や SNAP、CLIP タグ用の基質が結 合可能なテトラシステインタグ、SNAP タグお よび CLIP タグをノックインタグの候補とす る。エピトープタグの種類と挿入位置を最適 化するために各々のタグとタグの位置を in vitro のアッセイ系で検討する。そのためタ グを導入した Neurexin が野生型の Neurexin と比較して、CbIn1 や Neuroligin との結合能 に影響が無いか、また、HEK 細胞を使った人 工的シナプス形成アッセイを行い、シナプス 形成能に影響が無いかを確認する。Neurexin 遺伝子は3種類存在するため、それぞれのSS 4を将来的に明らかにする予定であるが、本 申請研究では Neurexin1 遺伝子でまず実験技 術を確立させる。SS4配列はエキソン20で あり、SS4に結合するタンパク質を邪魔しな い様に、エキソン20の両端のどちらか一方 にノックインタグを導入することを第一案 として計画している。化膿レンサ球菌由来の Cas9によるゲノム切断のために必要なPAM配 列(NGG)の候補が6カ所存在しており、この うち6番目の切断部位候補が SS4配列の末 端という条件にあてはまるため、この配列を PAM 配列とする CRISPR/Cas9 を行う予定であ る。in vitro の系でタグの選定をし、ゲノ ム切断後の相同組換え用にタグを含む DNA 配 列を構築する。マウス受精卵へのガイド RNA と Cas9 の導入は一つのプラスミドで行う方 法か、ノックイン効率を上げるためにガイド RNA を 2 種類の合成 RNA (crRNA と tracrRNA) に分けて導入する改良法(Aida et al. Genome Biol.2015)を用いる。マウス受精卵への遺 伝子導入は研究協力者が行う。得られた個体 に関して、ノックインの有無を遺伝子型判定 し、ノックイン個体を得る。

得られたノックイン個体のタグ付き Neurexin SS4アイソフォームをタグに対す る抗体や蛍光化合物でラベルして発現と局 在の解析をする。Neurexin SS4と強く結合 する CbIn1 は小脳顆粒細胞で多く発現してお り、顆粒細胞の軸索上のシナプスレベルで Neurexin SS4の解析をする。また、小脳以 外でも CbIn1 はある程度発現しており、 Neurexin SS 4 が小脳以外の脳部位でどの様 な局在をしているかを解析する。さらに発達 過程で変化するのか、シナプス可塑性誘導前 後にどのように変化するのかも検討する。近 年、脳神経の興奮性、抑制性シナプスのネッ トワーク特性や強度のバランス等が崩れる ことが精神疾患の原因の端緒となるのでは と考えられている。自閉症関連遺伝子である Neurexin のSS4配列はNeuroliginへの結合 特性に影響を与えており、その結果、 Neurexin SS 4 は興奮性シナプスの裏打ちタ ンパク質である PSD95 の集積を減らし、一方、 抑制性シナプスの裏打ちタンパク質である

Gephyrin の集積には影響を与えないことが in vitro の系で知られている。また、SS 4 配列が無い Neurexin1 ベータのみがポストシナプスの LRRTM タンパク質に結合出来る等、Neurexin の SS 4 配列の有無によって興奮性と抑制性のバランスが異なる可能性がある。そのため Neurexin SS 4 の発現パターンと興奮性および抑制性シナプスのマーカータンパク質との相関関係を詳細に検討する。

4. 研究成果

平成 28 年度は確認の実験として、既に申請 者が所属する研究室で詳細に解析され、HAタ グが挿入可能であることが明らかとなって いる CbIn1、およびタグ導入法の開発に関す る報告(Mikuni et al., Cell, 2016)で示され た Arc に HA 配列を導入した 。マウス受精卵 へのガイド RNA と Cas9 の導入は電気穿孔法 にて行った。得られた遺伝子導入受精卵に対 して、ゲノム切断後の indel の有無を遺伝子 型判定したところ、ガイド RNA の配列によっ て効率が異なるが、合成 RNA はどちらの方法 でも効率が高い事が明らかとなった。これ らの方法でどちらの遺伝子に対しても HA 配 列が導入された個体が得られた。続いて免疫 染色や蛍光化合物ラベリングで使用可能な 既存のエピトープタグである HA、FLAG、HIS、 Myc、および T7 タグをノックインタグの候補 とし、エピトープタグの種類と挿入位置を 最適化するために各々のタグとタグの位置 を in vitro のアッセイ系で検討した。タグ を導入した Neurexin が野生型の Neurexin と 比較して、CbIn1 や Neuroligin との結合能に 影響が無いか、また、HEK 細胞を使った人工 的シナプス形成アッセイを行い、シナプス形 成能に影響が無いかを確認した。その結果、 最適なタグとタグの位置が得られた。平成29 年度は、前年度に得られた結果をもとに、 Neurexinスプライスサイト4へのタグの挿入 を試みた。その結果3種類のガイドRNAを試

みたが、いずれもゲノム切断後の indel のみ が起こり、タグが挿入された個体は得られな かった。そこで他のシナプス分子へタグの導 入を試みた。シナプス形成分子である CbIn ファミリー分子には CbIn 1 から 4 の 4 種類 存在するが、高い相同性を持つ事から、特異 的な抗体を作製するのが難しい。そこで HA タグをそれぞれの N 末端または C 末端に挿入 する事を試みた。その結果、CbIn2のゲノム に HA タグの配列を挿入する事が出来た。 CbIn1 に関しては、前年度に HA タグを挿入し た個体が得られているため、マウス個体での CbIn1 と CbIn2 の発現部位や細胞内局在の違 い、さらに同じエピトープタグを使用してい るため、個体での発現量の違いに関しても今 後明らかにする予定である。また、同様に Neuroligin ファミリー分子の一つである Neuroligin1 に HA タグ配列が挿入された個 体を得る事が出来た。CbInファミリー分子と Neuroligin はどちらも Neurexin 分子に結合 する。そのため各シナプスにおける CbIn/Neuroligin タンパク質の量比に違いが あるかに関しても今後明らかにしていく予 定である。

5 . 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

[雑誌論文](計 0 件)

[学会発表](計 0 件)

[図書](計 0 件)

〔産業財産権〕

出願状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者: 種類:

番号:

出願年月日: 国内外の別:

取得状況(計 0 件)

名称: 発明者: 権利者: 種類: 番号:

取得年月日: 国内外の別:

[その他]

6.研究組織

(1)研究代表者

井端 啓二(IBATA, Keiji)

慶應義塾大学・医学部 (信濃町)・助教

研究者番号: 30462659

(2)研究分担者

(3)連携研究者

柚崎 通介 (YUZAKI, Michisuke) 慶應義塾大学・医学部 (信濃町)・教授

研究者番号: 40365226

竹尾 ゆかり (TAKEO, Yukari) 慶應義塾大学・医学部 (信濃町)・特任助

教

研究者番号:90624320

(4)研究協力者

林 亜由美 (HAYASHI, Ayumi)