科研費

科学研究費助成事業研究成果報告書

平成 30 年 6 月 11 日現在

機関番号: 1 2 6 0 2 研究種目: 挑戦的萌芽研究 研究期間: 2016~2017 課題番号: 1 6 K 1 5 4 6 7

研究課題名(和文)次世代シークエンサーによる新しい多発性嚢胞腎診療

研究課題名(英文)Novel medical approach of polycystic kidney disease by the next generation sequencer

研究代表者

蘇原 映誠 (SOHARA, Eisei)

東京医科歯科大学・大学院医歯学総合研究科・准教授

研究者番号:90510355

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 2,600,000円

研究成果の概要(和文):多発性嚢胞腎の成人例は常染色体優性多発性嚢胞腎(ADPKD)というPKD1/PKD2遺伝子の変異による疾患と考えられているが、家族内発症がない患者の遺伝学的背景については十分に解明されていなかった。我々は様々な嚢胞性腎疾患を網羅的に解析できる遺伝子診断パネルを作成し、家族歴のない成人多発性嚢胞腎患者を検討したところ、一部の患者がADPKD以外の疾患であると診断された、遺伝背景による臨床的特徴も明らかになった。この結果は遺伝子診断パネルによる遺伝学的診断の有用性を示しており、今後、治療適応の決定や遺伝子カウンセリングなどへのさらなる臨床的な活用が期待される。

研究成果の概要(英文): Distinguishing autosomal dominant polycystic kidney disease (ADPKD) from other inherited renal cystic diseases in patients with adult polycystic kidney disease and no family history is critical for correct treatment and appropriate genetic counseling. We analyzed 53 adult polycystic kidney disease patients with no family history. Comprehensive genetic testing was performed using capture based next generation sequencing for 69 genes currently known to cause hereditary renal cystic diseases including ADPKD. Through our analysis, 32 patients had PKD1 or PKD2 mutations. Additionally, 3 patients with disease causing mutations in NPHP4, PKHD1, and OFD1 were diagnosed with an inherited renal cystic disease other than ADPKD. The genetic screening approach and clinical features described here are potentially beneficial for optimal management of adult sporadic polycystic kidney disease patients.

研究分野: 腎臓内科学

キーワード: 多発性嚢胞腎 次世代シークエンサー 網羅的遺伝子解析

1.研究開始当初の背景

常染色体優性多発性囊胞腎(Autosomal dominant polycystic kidney disease: ADPKD) は世界で最も高頻度な遺伝性疾患の 1つであり、日本では透析療法を行う患者全 体の 2.5%を本疾患が占めている。 PKD1(Polycystin1)とPKD2(Polycystin2)の2 つの原因遺伝子があり、近年、国の難病に指 定されると共に、トルバプタンによる治療が 保険適応となり注目を浴びている。家族に ADPKD 患者がいる場合は画像検査で腎臓の嚢 胞の数を調べるだけで診断できる。一方、家 族内発症がない場合、臨床の現場では ADPKD として診療されることが多いものの、その他 の嚢胞性腎疾患の可能性も否定できず、正確 な遺伝学的背景は十分に明らかになってい なかった。

申請者蘇原は Brigham Women's Hospital 腎臓部門/Harvard Medical School 遺伝学教室に留学し、NPHP の原因遺伝子であるNPHP9(Nek8)の報告を行った上に(JASN 2008, First author)、現在も多発性嚢胞腎研究を続けている(JASN 2014, Corresponding author)。さらに、多くの遺伝子改変マウス作成の実績もあり(JASN 2014, Hum Mol Genet 2014 などをはじめ10報)嚢胞性腎疾患の遺伝情報を基礎研究へ持ち込むためのマテリアルと経験も有している。

2. 研究の目的

近年、遺伝学分野において革命とも言える技 術 で あ る 次 世 代 シ ー ケ ン サ ー (Next Generation Sequencing: NGS)が登場し、 膨大な遺伝子配列情報を短時間で入手する 事が可能になった。我々は国立遺伝学研究所 との連携により NGS 解析技術を導入し、最近、 約 100 種類の既知の腎臓病原因遺伝子を網羅 的に診断できる遺伝性腎疾患カスタム診断 パネルを作成した。現在、すでに 53 家系に ついてパネルを使用して遺伝学的にも正確 な診断を行っている。この診断パネルは、嚢 胞性腎疾患においては PKD1/PKD2 という ADPKD の原因遺伝子だけではなく、若年性ネ フロン癆 (nephronophthisis: NPHP)など、 様々な嚢胞性腎疾患の原因遺伝子も同時に 解析される。ADPKD 症例にこのパネルを使用 したところ、従来の画像による診断では ADPKD とされながら、PKD1/PKD2 に変異がな く、NPHP の原因遺伝子に変異がある NPHP 症 例が複数確認された。これは PKD1/PKD2 と同 時に NPHP 原因遺伝子を検査できる我々しか 成し得ない遺伝学的検討である。

本研究では、多発性嚢胞腎孤発例の遺伝子診断を集めて、画像的に ADPKD と診断された症例の新しい原因遺伝子プロファイル作成を目指す。さらに、NGS 診断パネルによるPKD1/PKD2の網羅的解析が可能である優位性を生かし、血中に循環する嚢胞由来 DNA(セルフリーDNA:cfDNA)を NGS 診断パネルにかけ、PKD1/2 の体細胞変異を検出するというリキ

ッドバイオプシーを行い、ADPKD の新たなバイオマーカー作成と嚢胞進展の遺伝学的メカニズム解明を目指すものである。

3. 研究の方法

- (1) NGS 遺伝性腎疾患カスタム診断パネルのブラッシュアップ:右図のように、我々は 100種類以上の遺伝子をターゲットとした NGS を用いた遺伝性腎疾患カスタム診断パネルを作成し、稼働させている。NPHP の新規原因遺伝子は1年毎に相当数報告されており、カスタム診断パネルに最新の NPHP 原因遺伝子を組み込むための DNA プローブ作成と条件設定を行う。また、本申請は嚢胞性腎疾患に特に、を行う。また、本申請は嚢胞性腎疾患に特に、様々な腎疾患についての検討を可能としており、他の遺伝性腎疾患についても必要におり、他の遺伝性腎疾患についても必要になるように条件検討する。
- (2) ADPKD 孤発例/非典型例の NGS 診断パネルによる解析:従来 ADPKD とされてきた症例の中に NPHP 変異などによるものがどのくらい混在しているかを明らかするため、特に孤発例や非典型例に注目して ADPKD の遺伝性腎疾患カスタム診断パネルを用いた遺伝子診断を重ね、遺伝子プロファイル作成を明らかにする。症例については東京医科歯科大学だけではなく、現在、関連施設を含めて、日本全国からの依頼を受けている状況であり、蓄積を図っていく。
- (3) 嚢胞由来セルフリーDNA(cfDNA)のリキッ ドバイオプシーによるバイオマーカー作成 と ADPKD 発症メカニズム探求: ADPKD の腎嚢 胞はヘテロの生殖細胞変異の対側アレルに セカンドヒットとして体細胞変異を有する ことから、嚢胞から脱落し血中を循環するセ ルフリーDNA (cfDNA)の PKD1/PKD2 体細胞変 異を NGS 診断パネルで検出し、バイオマーカ ーとしての価値を探る研究である。癌領域研 究から cfDNA 抽出法は確立されている。質だ けでなく量も評価したいことから、血清では なくコンタミネーションのない血漿から cfDNA を磁気ビーズによって抽出する。cfDNA が 1ng 得られれば、我々の NGS 診断パネルに かけられるようになり、実現可能である。 Genomic DNA と cfDNA を同時に NGS 診断パネ ルにかけ、genomic DNA から生殖細胞変異、 cfDNA から体細胞変異情報を得る。これらを 比較・定量することにより、生殖細胞変異と 異なる体細胞変異を検出し、cfDNA 内の体細 胞変異の量と種類がより豊富である方が、よ り病態が進展しやすい/進展しているとい った事項などのバイオマーカーになること を期待し、臨床情報との比較検討を行う。ま た、経時的変化を追うことによって、ADPKD がどのように体細胞変異を起こして病気が 進行していくかというメカニズムを明らか にすることができ、非常に興味深い。もし、

体細胞変異検討に際して NGS の Read 数が十分に得られないようであれば、本研究のために PKD1/PKD2 のみのカスタムパネルを作成し、PKD1/PKD2 遺伝子情報を増やす。

(4)ADPKD 以外の診断パネルによる遺伝子診断、エクソーム解析:下図のように、遺伝性腎疾患カスタム診断パネルは嚢胞性腎疾患のみを診断するものではなく、腎臓に関わる主たる遺伝性疾患ほぼ全てを網羅していた別のパネルも作成している。既知の遺伝子に変異が認められない患者群のゲノムを蓄積しており、同じ遺伝性疾患の既知遺伝子に報が蓄積されれば、全ての遺伝子の遺伝子翻訳部位をシークエンスするエクソーム解析を行い、全く新しい原因遺伝子を同定していく。

製作尿治症		AVPR2, AOP2, その他 6 遺伝子
電解貨與常 血圧異常	偽性低アルドステロン症 II 型	WNK4, WNK1, CUL3, KLHL3, その他2 遺伝子
	Gitelman症状器	SLC12A3
	Bartter症候群	SLC12A1, KCNJ1, CLCNKB, BSND, CLCNKA, CaSR
	偽性低アルドステロン症I型	SCNNIA, NR3C2
	Liddle症候算	SCNN1B, SCNN1G
	高血圧/その他	9遺伝子
		NR3C2, SCNNID
	Apparent mineralcorticoid excess	HSD11B2
	家族性高アルドステロン血症	CYP11B1, CYP11B2, CACNAID
	家族性低P血症性くる病	FGF23, DMP1, ENPP1, PHEX
	賢性低マグネシウム血症	FXYD2, CLDN16, EGF, CLDN19
	尿細管性アシドーシス	SLC4A1, ATP6V1B1, ATP6V0A4, SLC4A4, SLC34A1, CA2
	腎性低尿酸血症	SLC22A12, SLC2A9
嚢胎性腎疾患 (ADPKD, ARPKD, 髄質嚢胞腎, 若年性ネフロン病)		ASS1, NOTCH2, PKD1, PKD2, PKHD1, HNF1B, UMOD, MU-
		NPHP1, NPHP2, NPHP3, NPHP4, NPHP5, NPHP6, など
アルポート症候群/基底膜菲薄化症		COL4A3, COL4A4, COL4A5, COL4A6, MYH9
遺伝性ネフローゼ		NPHS1, NPHS2, PLCE1, WT1, LAMB2
遺伝性果状糸球体硬化症		ACTN4, TRPC6, CD2AP, APOL1, INF2, MYO1E
その他	ファブリー病	GLA
	Glomeropathy with fibronectin deposits	FNI
	von Hippel Lindau 病	VHL
	Dent 病	CLCN5, OCRL
	腎性糖尿	SLC5A1, SLC5A2
	atypical HUS	CFH, CFI, CD46
	Wilsonff	ATP7B
	Kallmann syndrome	PAX2, KAL1

4.研究成果

多発性嚢胞腎は腎臓に嚢胞が多発すること で腎機能が低下する遺伝性の腎臓疾患であ り、ほとんどが成人になって発見されて病気 が進行する常染色体優性多発性嚢胞腎 (ADPKD)は PKD1 および PKD2 という遺伝子の 異常が原因とされており、家族内発症がない 場合、臨床の現場では ADPKD として診療され ることが多いものの、その他の嚢胞性腎疾患 の可能性も否定できず、正確な遺伝学的背景 は十分に明らかになっていなかった。しかし、 嚢胞性腎疾患のすべての原因遺伝子を一度 に検査することは、従来の手法では大変な労 力を要した。そこで、申請者蘇原らは次世代 シークエンサーを用いて嚢胞性腎疾患の原 因となる 69 個の遺伝子を網羅的に解析でき る全く新規の嚢胞性腎疾患の網羅的遺伝子 診断パネルを下図のように作成した。



家族内発症がない成人の多発性嚢胞腎患者 53 名を対象に、遺伝学的背景と臨床所見の関係を調査した。その結果、53 名中 32 名には PKD1 または PKD2 遺伝子の変異を認めたが、3 名の患者は、ADPKD 以外の嚢胞性腎疾患と遺伝学的に診断された。さらに、PKD1/2 に変異のある患者とない患者を比較すると、下図のように変異のある患者の腎臓が大きく、肝嚢胞が多発し、血圧が高いという臨床的特徴があることが明らかになった。



本研究は、嚢胞性腎疾患網羅的遺伝子診断パネルを用いることで、家族内発症のない多発性嚢胞腎患者群における ADPKD 以外の遺伝性嚢胞性腎疾患を正確に診断した。さらに、その中で PKD1/2 に変異のある患者の臨床的特徴を初めて明らかにした。これらの結果は、研究グループが作成した嚢胞性腎疾患診断パネルによる遺伝学的診断の有用性を示しており、今後、家族歴のない多発性嚢胞腎の診断だけでなく、薬剤治療適応の決定や遺伝子カウンセリングなどへのさらなる臨床的な活用が期待される。

リキッドバイオプシーについては検討を行ったものの次世代シークエンサーで検討可能なだけの PKD1/2 の変異が得られず、さらに他の種類の検体なども用いた検討を進めることとした。

また他の遺伝性腎疾患の新規原因遺伝子同 定も進めており、遺伝子改変マウスの検討に まで進んでいる。

5. 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

[雑誌論文](計9件)

Takuya Fujimaru, Takayasu Mori, Akihiro Sekine, Shintaro Mandai, Motoko Chiga, Hiroaki Kikuchi, Fumiaki Ando, Yutaro Mori, Naohiro Nomura. Soichiro Limori. Shotaro Naito, Tomokazu Okado, Tatemitsu Rai, Junichi Hoshino, Yoshifumi Ubara, Shinichi Uchida, Eisei Sohara, Kidney enlargement and multiple liver cyst formation implicate mutations in PKD1/2 in adult sporadic polycystic kidney disease, Clin Genet., 查読有, 2018. 印刷中

DOI: 10.1111/cge.13249

Emi Sasaki, Koichiro Susa, Takayasu Mori. Kivoshi Isobe. Yuva Araki. Yuichi Inoue, Yuki Yoshizaki. Fu-miaki Ando, Yutaro Mori, Shintaro Mandai, Moko Zeniya, Daiei Takahashi, Naohiro Nomura, Tatemitsu Shinichi Uchida, Eisei Sohara, KLHL3 Knockout Mice Reveal the Physiological Role of KLHL3 and the Pathophysiology οf Pseudohypoaldosteronism Type Ш Caused by Mutant KLHL3, Mol. Cell. Biol.. 查読有, 37 巻, 2017, 7 DOI: 10.1128/MCB.00508-16

Yohei Arai, Daiei Takahashi, Kenichi Asano. Masato Tanaka. Mavumi Oda. Shigeru B H Ko, Minoru S H Ko, Shintaro Mandai, Naohiro Nomura, Tatemitsu Rai, Shinichi Uchida, Eisei Sohara, Salt suppresses IFN inducible chemokines through the IFN -JAK1-STAT1 signaling pathway in proximal tubular cells, Sci Rep., 查 読有, 2017, 7巻, 46580 DOI: 10.1038/srep46580

Daiei Takahashi, Takayasu Mori, <u>Eisei Sohara</u>, Miyako Tanaka, Motoko Chiga, Yuichi Inoue, Naohiro Nomura, Moko Zeniya, Hiroki Ochi, Shu Takeda, Takayoshi Suganami, Tatemitsu Rai, Shinichi Uchida, WNK4 is an Adipogenic Factor and Its Deletion Reduces Diet-Induced Obesity in Mice, EBioMedicine, 查読有, 18 巻, 2017,

DOI: 10.1016/j.ebiom.2017.03.011

Yuki Yoshizaki, Takayasu Mori, Mari Ishigami-Yuasa, Eriko Kikuchi, Daiei Takahashi, Moko Zeniya, Naohiro Nomura, Yutaro Mori, Yuya Araki, Fumiaki Ando, Shintaro Mandai, Yuri Kasagi, Yohei Arai, Emi Sasaki, Sayaka Yoshida. Hiroyuki Kagechika, Tatemitsu Rai, Shinichi Uchida, Eisei Sohara, Drug-Repositioning Screening for Keap1-Nrf2 Binding Inhibitors using Fluorescence Correlation Spectroscopy, Sci Rep., 查読有, 7巻, 2017. 3945

DOI: 10.1038/s41598-017-04233-3

萬代 新太郎、森 崇寧、<u>蘇原 映誠</u>、【腎 泌尿器科領域におけるゲノム医療】 ト ランスポーター、チャネルと遺伝子異常 (解説/特集)、腎臓内科・ 泌尿器科、 査読無、5 巻、2017、55-62 Ando Fumiaki, <u>Sohara Eisei</u>, Morimoto Tetsuji, Yui Naofumi, Nomura Naohiro, Kikuchi Eriko, Taka-hashi Daiei, Mori Takayasu, Vandewalle Alain, Rai Tatemitsu, Sasaki Sei, Kondo Yoshiaki, Uchida Shinichi, Wht5a induces renal AQP2 expression by activating calcineurin signalling pathway, Nat Commun., 查読有, 7 巻, 2016, 13636 DOI: 10.1038/ncomms13636

井上 佑一、<u>蘇原 映誠</u>、AQP11 ノックアウトマウスにおいて PC-1 の糖鎖と細胞内局在の異常が多発性嚢胞腎を引き起こす、医学のあゆみ、査読無、256 巻、2016 年、972-973

安藤 史顕、井上 佑一、<u>蘇原 映誠</u>、【多 発性嚢胞腎-基礎と臨床のトピックス】 基礎 アクアポリンと嚢胞腎、腎と透析、 査読無、80巻、2016年、809-812

〔学会発表〕(計6件)

蘇原 映誠 他、次世代シークエンサーを 用いた遺伝性腎疾患の解析.第 60 回 日本腎臓学会学術総会、シンポジウム 2017

藤丸 拓也、<u>蘇原 映誠</u>、他、次世代シークエンサーにおける嚢胞性腎疾患遺伝子診断パネルの構築. 第 60 回日本腎臓学会学術総会 2017

Takuya Fujimaru, <u>Eisei Sohara</u>, et al., Genomic background of adult polycystic kidney disease patients without a family history. Kidney Week 2017, 2017

蘇原 映誠 他、WNK シグナルを介した新 しい塩分感受性調節機構の解明 なぜ、 塩分摂取で血圧が上がるのか?、九州腎 フォーラム、2016

<u>蘇原 映誠</u> 他、次世代シークエンサー時 代の高血圧研究の実際、第 39 回日本高 血圧学会総会、2016

Takuya Fujimaru, <u>Eisei Sohara</u>, et al. Development of a Customized Diagnostic Panel for Targeted Exome Sequencing of Polycystic Kidney Diseases, Kidney Week 2016, 2016

6. 研究組織

(1)研究代表者

蘇原 映誠 (SOHARA, Eisei) 東京医科歯科大学・大学院医歯学総合研究 科・准教授

研究者番号:90510355