科学研究費補助金研究成果報告書

平成22年4月1日現在

研究種目:基盤研究(C)研究期間:2007~2008 課題番号:19510070

研究課題名(和文)化学的ストレスと社会的ストレスの発癌イニシエーションへの複合影響

に関する研究

研究課題名 (英文) Combined effects of environmental chemical stress and social stress on

initiation of carcinogenesis

研究代表者

下位 香代子(SHIMOI KAYOKO) 静岡県立大学・環境科学研究所・教授

研究者番号:10162728

研究成果の概要: 単独隔離の飼育条件によりマウス (BALB/c、5 週齢) にマイルドなストレスを 30 日間負荷し続けると、肝臓中の脂肪酸合成に関する遺伝子の発現量が上昇、脂肪酸分解に関する遺伝子の発現量が減少し、その結果、脂肪蓄積を伴った肝肥大が誘発されることを明らかにした。一方、BaP を投与すると、ストレス負荷群では、肝臓中のDNA 付加体が減少しにくいことがわかった。これらの結果より、社会的ストレス負荷時にBaP のような脂溶性の高い発がん物質が体内に取り込まれると、肝臓に蓄積して発がんのイニシエーション過程を促進する可能性が示唆された。

交付額

(金額単位:円)

	直接経費	間接経費	合 計
2007年度	1,800,000	540,000	2,340,000
2008年度	1,300,000	390,000	1,690,000
年度			
年度			
年度			
総計	3,100,000	930,000	4,030,000

研究分野:複合新領域

科研費の分科・細目:環境学、放射線・化学物質影響科学

キーワード:ストレス、環境、ベンツピレン、がん、解毒代謝、脂質代謝

1. 研究開始当初の背景

環境ストレスには、有害性環境化学物質による化学ストレス、熱や放射線などによる物理的ストレス、細菌やウィルスなどによる生物的ストレス、社会的ストレスなどがあり、我々は日常的にこれらのストレス

を複合的に受けている。化学的ストレスによりアレルギーや過敏症などの免疫疾患が誘発されるが、社会的な心理ストレスがこれらの疾患を増悪させることが知られている。また、発がんに関しては、マウスにおける自然発生乳がんの頻度が社会的心理ス

トレスにより増加すること、移植がんに関しても増加することが報告されている。

我々は、数年来マウスの社会的ストレス モデルについて研究してきた。拘束、水浸、 電気ショックなどの激しいストレス負荷で はなく、より人間の社会生活に近いモデル として、単独隔離 (1匹/ケージ)、過密 (20 匹/ケージ)、対面(1:1 匹/ケージ)の3 種類の飼育条件により、マウスに軽度な社 会的ストレスをかけたところ、ストレスに 特徴的な血中コルチコステロンの増加や副 腎肥大を認め、本モデルにおいてストレス が負荷されていることを確認した。本スト レスモデルは、7日前後にストレス指標の 血清コルチコステロン値が最大となり、30 日後にかけて緩やかに減少する。従って、 1 カ月以上にわたりストレスが持続するの で、一過性でない生体の応答を調べること ができるのが本ストレスモデルのメリット である。本ストレスモデルにおいて、末梢 血細胞中に参加的 DNA 損傷が増加するこ と、ビリルビンの酸化代謝物であるバイオ ピリンが尿中に増加することを見出した (BBRC, 349, 775-780, 2006)。また、ヒ トにおいてもストレス負荷が大きいヒトほ ど血清中の脂質過酸化度が大きいことを報 告した (J. Affect Disord., 91, 63-70, 2006)。 これらの結果は、社会的ストレスが生体内 の酸化を亢進することを示唆している。と ころで、化学的ストレスに対する生体の応 答として、生体は異物代謝機構を有してい るが、最近、拘束ストレスなどの激しいス トレスにより CYP1A2 などの代謝酵素が 変動することが報告された。これらの結果 から、日常的に社会的ストレスの負荷がか かっているときに化学的ストレスを受けた ら、生体はどのような応答をするのか、複 雑な人間生活を考えると、有害性環境化学 物質のヒトの健康への影響を評価する際に このような複合影響について調べる必要が あるのではないか、また、動物を用いての 有害性環境化学物質のリスク評価をする際、 飼育ストレスにより結果に影響が出る可能 性があり、今迄のこのような観点からの報 告はほとんどなかったので、このような基 礎的なデータを出しておくことが必要では ないかと考えるに至った。

2. 研究の目的

化学物質による発がんは、イニシエーション、プロモーションなど多段階のプロセスを経て引き起こされることが提唱されている。現在までに、化学的ストレスと社会的ストレスの発がんへの複合影響についてはほとんど報告がない。発がん性のあるベンツ(a)ピレン(BaP)を我々は日常的に微量ではあるが大気、水、食品、煙草煙などから摂取して

いる。BaP は、そのままの形では変異原性や発がん性を発揮しない。体内に吸収されたBaP は、①アリールハイドロカーボン受容体(AhR)を介した経路を通じて、第一相薬物代謝系酵素であるシトクロームP450 (CYP) 1 ファミリーの発現を上昇させる。さらに、②BaP は発現した CYP1 ファミリー(CYP1A1、1A2、1B1)により代謝され究極発がん物質(主にBaP-7,8-diol-9,10-epoxide:BPDE)へと代謝活性化される。そして、③生成したBPDE は近傍のDNAと付加体(主にBPDE-dG)を形成する。本過程が、BaPの主要な発がんのイニシエーション過程と考えられている。

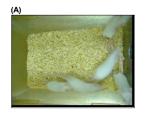
BaP は、上述したように CYP 酵素により 代謝されてから肝臓や肺の DNA に付加体を 形成し、遺伝子の突然変異を経て前胃、肺、 肝、皮膚にがんを誘発する。そこで、本研究 では、BaP を用いて発がんイニシエーション のステップに単独隔離などの社会的ストレス が与える影響を DNA 付加体形成、遺伝子発 現の点から検討することを目的とした。

3. 研究の方法

本実験は静岡県公立大学法人静岡県立大学動物実験指針に従い実施した。

社会的ストレスのマウスへの負荷方法

Miyashita 等の方法(BBRC, 349, 775-780, 2006) に準じて、5週齢の雄性 BALB/c マウスを搬入後、10日間の順化期間を経て単独隔離 (1 匹)の飼育条件により、マウス (BALB/c、5週齢) にマイルドなストレスを負荷した。マウスは、室温 23 ± 1 °C、湿度 55 ± 2 %、12時間の明暗サイクル (明期:8:00-20:00)の環境化で、水道水と標準動物飼料 (MF、オリエンタル酵母)の自由摂取にて飼育した。また、単独隔離群のケージ内の床敷量は、不安回避行動を制限することで孤独感を高めるために、コントロール群 (5 匹/ケージ)の約20分の1 (2 g) に減らした。さらに、外界からの刺激を受けにくいように、各ケージを発泡スチロールの箱で覆った (図 1)。



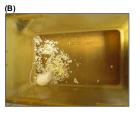


図1. 社会的単独隔離ストレス負荷モデル

肝臓中遺伝子の網羅的解析のための試料採取 30 日間の単独隔離ストレス負荷後、15: 00 に採尿した (バイオピリン測定用)。同日 の 17:00-19:00 にマウスをエーテル麻酔下で開腹し、肝臓を摘出した。速やかに RNAlater に浸し、4^{\circ}で一晩静置後、-20^{\circ}で以下に示す RNA 抽出まで保存した。

肝臓中の RNA 試料調整

尿中へのバイオピリン排泄量の測定から、 顕著なストレス負荷が認められたマウスおよ び対象群マウス各 3 匹ずつを選別した。各マ ウスの RNA later に保存しておいた肝臓から、 RNeasy mini kit を用いて Total RNA の精製 を行った。

DNA マイクロアレイ解析

DNA マイクロアレイ解析は、Nakai 等の方法に従い実施した。具体的には、抽出したRNA (2 μg) から cDNA を調整し、T7 RNA polymerase を用いてビオチン化 cDNA を合成した。そして、45,000 以上のマウス遺伝しをプローブした Affymetrix Mouse Genome 430 2.0 (Affymetrix, Santa Clara, CA) に供した。解析は、BiNGO 2.0 plug-in software を用いて行った。

リアルタイム RT-PCR を用いた定量的遺伝子 発現解析

Prime Spcript RT reagent kit に添付のプロトコールに従い、Takara PCT Thermal Cycler Dice miniを用いて RNA の逆転写を行った。得られた cDNA を、Applide Biosystems Real Time PCR 7500 System で、各標的遺伝子の Taq Man プライマー・プローブを用いて遺伝子発現を解析した。

社会的ストレスマウスへの BaP 投与

BaP をマウスへの投与直前に、コーンオイルに 25 mg/mL の濃度で溶解した。単独隔離ストレス 7 日間の群へは 100 mg/kg 体重、同30 日間の群へは 10 mg/kg 体重となるように腹腔内投与した。投与 24、48、96 時間後にマウスを解剖した。

血液生化学指標の測定

得られた血清中の血液生化学指標を、 TBA-120FR 自動分析装置(東芝)を用いて 測定した。

肝臓中の脂肪含量の測定

凍結保存した肝臓を、凍結乾燥法により、水分を除去後、乳鉢にて粉砕した。ヘキサン:ジクロロメタン (1:2) の混液で 16 時間のソックスレー抽出を行った。抽出液を濃縮乾固後の重量から脂肪重量を算出した。

肝臓中 BPDE-dG 付加体の測定

単独隔離ストレス負荷7日後に、BaPを腹腔内投与(100 mg/kg 体重)、24、48、96 時

間後にそれぞれエーテル麻酔下で解剖し、肝臓を摘出した。摘出した肝臓は、液体窒素中で急速冷凍後、DNA 付加体抽出操作まで・80℃で保存した。また血液試料を回収し、測定まで同様に・80℃で保存した。

凍結した肝臓(10 mg)より DNA 画分を 得た後、再度、イソプロパノールを添加して、 洗浄し、最終的に $500 \mu L$ の水に溶解した。

BPDE-dG の測定方法

20 μ g の DNA に内部標準(15 N₅-BPDE-dG) を添加し乾燥後、buffer C(17 mM sodium succinate, 8 mM CaCl₂)を 3μ L 加え、 37° C で 3 時間インキュベートした。アルカリフォスファターゼ(3 units)を加えた後、さらに 3 時間インキュベートした。メタノール(100 μ L)を添加し、十分に攪拌後、遠心分離した上清を回収した。濃縮乾固した残差に 15μ L の DMSO および 35μ L の水を加えたものを LC/MS/MS へ供した。

得られたデータの解析は、QuantLynx を用いて行い、 10^7 塩基あたりの付加体量として算出した。

統計処理

体重あたりの臓器重量、血液生化学試験、DNA付加体量に関するデータは平均値±SDで示し、Pharmaco Analyst Ver.2 (ヒューマンライフ社)を用い、t-test による統計処理を行なった。

4. 研究成果

社会的ストレス(単独隔離ストレス;1匹/ ケージ)を 30 日間負荷したマウスの尿中バ イオピリン濃度が、コントロール群(5匹/ケ ージ)と比較して有意な上昇がみられたこと から、ストレスが十分に負荷していることを 確認した。そこで、環境化学物質の主要な作 用部位である肝臓を対象に、社会的ストレス 負荷が肝臓に及ぼす影響を明らかにすること を目的として、DNA マイクロアレイによる 網羅的な遺伝子発現解析をおこなった。30日 間の単独隔離ストレス負荷により、発現に変 化が見られた 420 遺伝子 (発現増加が 202 遺 伝子、発現抑制が 218 遺伝子) について BiNGO によるオントロジー解析を行った結 果、主に peroxisome proliferator activated receptor alpha (PPARα)などが関与する脂質 代謝系の遺伝子発現の抑制、脂質合成系およ び分泌経路の遺伝子発現の亢進が見られた (表 1、表 2、図 2)。

リアルタイム RT-PCR により脂質代謝系および脂質合成系の遺伝子発現を確認した結果、長期的かつ持続的な社会的ストレス負荷は、PPAR α シグナル伝達系を抑制することで脂質代謝 (β 酸化系および ω 水酸化系) を抑制し、更にエネルギー代謝調節鍵酵素である PDK4

の抑制によってアセチル CoA の合成を促進し、かつ fatty acid synthase の亢進によって脂肪酸の合成を促進して、生体がエネルギー貯蔵の方向に応答していることが明らかとなった(図 3)。

表1.30日間の単独隔離ストレス負荷により有意に上昇した肝臓中202遺伝子うち 顕著に上昇したもの

GO-ID GO term FDR-corrected p-value			
GO-ID	GO term	FDR-conected p-value	
0051641	; cellular localization	1.25E-02	
0051649	establishment of localization in cell	1.25E-02	
0046907	intracellular transport	1.25E-02	
0006888	ER to Golgi vesicle-mediated transport	1.30E-02*	
0045184	establishment of protein localization	4.40E-02	
0015031	protein transport	3.72E-02	
0006629	lipid metabolic process	4.40E-02	
0044255	cellular lipid metabolic process	4.40E-02	
0008610	lipid biosynthetic process	1.73E-02	
0006066	alcohol metabolic process	1.25E-02	
0016125	sterol metabolic process	3.75E-02	
0008203	-cholesterol metabolic process	3.55E-02	
0006082	organic acid metabolic process	4.40E-02	
0016053	organic acid biosynthetic process	3.06E-02	
0046394	carboxylic acid biosynthetic process	3.06E-02	
0019752	carboxylic acid metabolic process	4.40E-02	
0006983	ER overload response	1.73E-02	

*FDR-corrected *p*-value of the categories appearing in the deepest hierarchy are shadowed

表2.30日間の単独隔離ストレス負荷により有意に減少した肝臓中218遺伝子のうちより顕著に減少したもの

GO-ID	GO term	FDR-corrected p-value
0006629	- lipid metabolic process	4.56E-03
0044238	primary metabolic process*	
0044262	- cellular carbohydrate metabolic process	3.13E-02
0005996	monosaccharide metabolic process	2.06E-03
0019318	hexose metabolic process	2.06E-03
0006006	glucose metabolic process	1.04E-03 [†]
0006066	- alcohol metabolic process	1.07E-02
0044237	cellular metabolic process	
0006082	organic acid metabolic process	2.09E-02
0019752	- carboxylic acid metabolic process	2.09E-02
0006090	pyruvate metabolic process	2.22E-02
0006631	fattyacid metabolic process	2.26E-02
0019395	- fatty acid oxydation	4.22E-02
0006635	- fatty acid beta-oxydation	2.07E-02
0006637	-acyl-CoA metabolic process	9.40E-03
0015908	fatty acid transport	4.23E-03
0015909	-long-chain fatty acid transport	3.13E-02
0002520	immune system development	4.36E-02
0048534	- hemopoietic or lymphoid organ development	3.88E-02
0007275	multicellular organismal development	3.43E-02
0030154	- cell differentiation	1.68E-03
0050789	regulation of biological process	4.36E-02
0050794	regulation of cellular process	1.68E-02
0043086	negative regulation of catalytic activity	1.68E-02
0051348	negative regulation of transferase activity	1.68E-02
0006469	negative regulation of protein kinase activi	ty 1.68E-02
0032147	activation of protein kinase activity	
0000185	activation of MAPKKK activity	1.68E-02
0000186	- activation of MAPKK activity	4.98E-02

*GO term with no p-value means not significant. †For shadowed p-value representation, see Table 2.

以上の結果から、長期的かつ持続的な社会 的ストレスの負荷は、肝臓中の脂質代謝経路 に変化を与え、脂質を蓄積する方向へ生体応 答していくことが示唆された(図 4)。

一方、30日間の単独隔離ストレスの負荷により体重に変化は見られなかったが、有意な肝肥大が惹起された。しかしながら、肝障害の血中バイオマーカーである AST、ALT、ALPには変動が見られなかったことから、30日間のストレス負荷時に見られる肝臓の肥大は、肝障害を伴うものではないと考えられた。

次に、30 日間のストレス負荷マウスに BaP (100 mg/kg 体重) を腹腔内投与後、24 時間、48 時間および 96 時間後にそれぞれ解剖に供したところ、BaP の投与によりコントロール群の肝臓の肥大が惹起された。ストレス負荷群への BaP 投与では、投与 48 時間後にスト

レス負荷に起因した肝肥大がさらに増幅され た。BaP 投与後の血中総コレステロールおよ び遊離脂肪酸量を経時的に追跡すると、社会 的ストレス未負荷のコントロールマウスへの BaP 投与により、投与後の時間依存的に総コ レステロールおよび遊離脂肪酸量が上昇した (図 5)。ところが、30 日間のストレス負荷 マウスでは、BaP 投与による両因子の時間依 存的な上昇は見られなかった。そこで、96時 間後の肝臓中の脂肪含量をソックスレー法を 用いて測定したところ、ストレス負荷+BaP 投与群の含量は BaP のみ投与群の値と比較 して有意に高値を示した(図6)。これは、ス トレス負荷群ではコントロール群に比して肝 臓中への脂肪蓄積が生じていることを示唆し ている。

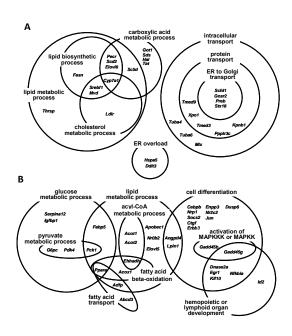


図 2. 社会的ストレス負荷により変動がみられた遺伝子 (A) 発現が増加した遺伝子群、(B) 発現が低下した遺伝子群

さらに、社会的ストレスおよび BaP の複合的曝露時における AhR や CYP1 ファミリーの発現量を測定したところ、ストレス未負荷群への BaP 投与により、肝臓中 AhR の発現量は、上昇傾向を示したものの(図 7A)、ストレス負荷群への BaP の投与による AhR の発現量に変化は見られなかった。一方、主要な CYP1 ファミリーの一つである CYP1B1の発現量は、コントロール群への BaP により投与 48 時間まで顕著な上昇がみられ、その後、速やかに定常状態へ回復したが(図 7B)、興味深いことに、ストレス負荷群への BaP 投与群では、このような CYP1B1 の発現変動は見られなかった。

単独隔離ストレス負荷7日後に、BaPを腹腔内投与し、肝臓中のBPDE-dG生成量をLC-MS/MS法を用いて測定したところ、コントロール群へのBaP投与により、投与の48

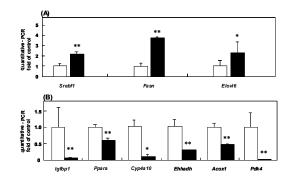


図 3. 社会的ストレス 30 日間負荷時に変動がみられた遺伝子の リアルタイム RT-PCR 測定

(A) 発現が上昇した遺伝子、(B) 発現が減少した遺伝子。Srebf1, sterol regulatory element binding factors 1; Fas, Elovl6, ELOVL family member 6, elongation of long chain fatty acids (yeast); Igfbp1, insulin-like growth factor binding protein-1; Ppara, peroxisome proliferator activated receptors; Cyp4a10, cytochrome P450, family 4, subfamily a, polypeptide 10; Ehhadh, enoyl-coenzyme A, hydratase/3-hydroxyacyl coenzyme A dehydrogenase; Acox1, acyl-Coenzyme A oxidase 1, palmitoyl; Pdk4, pyruvate dehydrogenase kinase, isoenzyme 4.

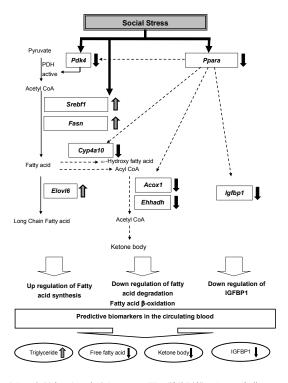
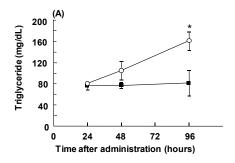


図4. 本研究から予想される30日間の単独隔離ストレス負荷によ り変化を受ける肝臓中の脂質代謝経路 各省略形は、図3参照。

時間後にわずかな BPDE-dG 生成の上昇がみ られたが、その後速やかに減少した(図8)。 一方、ストレス負荷群へBaPを投与すると投 与後96時間まで上昇を続けた。特に96時間 における生成量は、コントロール群の生成量 に比して有意に高かった。

以上の結果より、マウスへの社会的ストレス の負荷により、肝臓中の脂質代謝に関連する 遺伝子の発現が変化し、肝臓中に脂肪が蓄積 しやすくなること、さらに社会的ストレス負 荷に加えて、生体が BaP のような脂溶性の



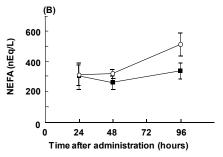


図 5. 社会的ストレス負荷とベンゾ(a)ピレンの複合曝露時の血中 トリグリセリドおよび遊離脂肪酸の経時的変動

(A) トリグリセリド、(B) 遊離脂肪酸 (NEFA)。○、社会的ストレス未負荷群+ベンゾ(a)ピレン (BaP); ■、30 日間の社会的 ストレス負荷群 + BaP。10 mgkg 体重のベンゾ(a)ピレンを腹腔 内投与した 24、48、96 時間後に採血した。平均値±標準偏差 (n=3)。*P<0.05 vs ストレス未負荷群 (Student's t-test)。

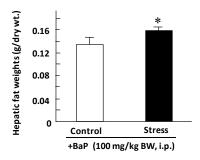


図 6.30 日間の単独隔離ストレス負荷後の BaP 投与が肝臓中脂肪 量に及ぼす影響

30 日間の単独隔離ストレスを負荷後、BaP (100 mg/kg 体重) を 腹腔内投与した。投与の 96 時間後に肝臓を摘出し、ソックスレ 〜抽出法を用いて脂肪重量を測定した。 Control: 5 匹/ケージ、Stress: 1 匹/ケージ。 平均値±標準誤差(n=5)で表示。***P**<0.05 *vs* コントロール群

(Student t-test).

高い環境化学物質に曝されると、体内に吸収 された BaP が肝臓中へ蓄積する可能性があ ること、ストレス未負荷のときよりも代謝活 性化 BaP と DNA の付加体生成量が上昇する ことが判明した。すなわち、社会的ストレス と BaP への曝露のような化学的ストレスが 生体に複合的に作用することにより、発がん イニシエーション過程が増悪する可能性が示 唆された。今後、肝臓中の BaP 濃度の測定や 解毒酵素、脂質代謝酵素の時間的な変動を検 討する必要がある。

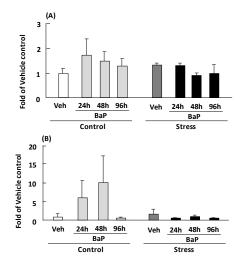


図 7. 社会的ストレス負荷とベンゾ(a)ピレンの複合曝露時の肝臓 中遺伝子発現の変化

社会的ストレスを未負荷群 (Contorol) と 30 日間の社会的ストレス負荷群 (Stress) に 100 mg/kg 体重のベンゾ(a)ピレン (BaP) を腹腔内投与後、経時的に肝臓中の遺伝子発現をリアルタイム RT-PCR 法を用いて測定した。(A) Ahr. (B) Cyp1b1. 平均値土標準偏差 (n=3) で表示。*P<0.05 vs ストレス未負荷群 (Student's t-test)。

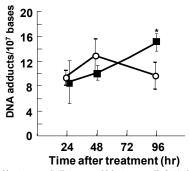


図 8. 社会的ストレス負荷とベンゾ(a)ピレンの複合曝露時の肝臓中 BPDE-dG 付加体形成量の経時変化

社会的ストレスを未負荷群(〇)と7日間の社会的ストレス負荷群(\blacksquare)に100 mg/kg 体重のベンゾ(a)ピレン(BaP)を腹腔内投与後、経時的に肝臓中の代謝物(BPDE)とDNA の付加体形成量をLC/MS/MS を用いて測定した。

展集と Bolinaria とかく (別とした。 平均値±標準偏差 (n=3) で表示。*P<0.05 vs ストレス未負荷 群(Student's t-test)。

5. 主な発表論文等 (研究代表者及び研究分担者には下線) 〔雑誌論文〕(計1件)

① Motoyama K., Nakai Y., Miyashita T., Fukui Y., Morita M., Sanmiya K., Sakakibara H., Matsumoto I., Abe K., Yagabe T., Yajima N., and Shimoi K. Isolation stress for 30 days alters hepatic gene expression profiles, especially with reference to lipid metabolism in mice, *Physiological Genomics*, **37**, 79-87 (2009) 查読あり

〔学会発表〕(計5件)

① Motoyama K., Nakai Y., Miyashita T., Fukui Y., Morita M., Kobayashi A., Sanmiya K., <u>Sakakibara H.</u>, Matsumoto K., Abe K., Yagabe A., Yajima N., <u>Shimoi K.</u>, Social Stress Alters Gene Expression of Lipid Metabolism in Mice, Biochemistry and Molecular Biology 2008、2008年12月9-12日、神戸ポートアイランド

- 2 Motoyama K., Suzuki A., <u>Sakakibara H.</u>, Lee C.Y., Kobayashi A., Matsui A., Koyanagi A., Ling L., Kinae N., <u>Shimoi K.</u>, Social stress alters hepatic gene expression with reference to lipid metaboism and induces obesity in mice, 1st International Conference on Health and Longevity Sciences, 2008/12/18-19, Shizuoka, Japan
- ③ 本山径子、中井雄治、三宮一宰、松本 一 朗、阿部 啓子、福井 雄一郎、矢賀部 隆 史、矢嶋 信浩、鈴木 敦美、<u>榊原 啓之、</u> 下位 香代子: 社会的ストレスは肝遺伝子 発現を変化させ、肥満を誘発する、2009 年度日本農芸化学会、2009 年 3 月 27-29 日、福岡
- ④ 松井朝子、小林章男、林凌、小柳顯陽、 <u>榊原啓之、下位香代子</u>、社会的ストレス とベンゾ[a] ピレンのマウスにおける複 合影響、日本環境変異原学会第 38 回大会、 2009 年 11 月 26-27 日、静岡
- ⑤ 松井朝子、小林章男、林凌、小柳顯陽、 <u>榊原啓之、下位香代子</u>、社会的ストレス が環境発がん物質の代謝遺伝子発現に及 ぼす影響、富士山麓アカデミック&サイ エンスフェア 2009、2009 年 12 月 16 日、 静岡

6. 研究組織

(1)研究代表者

下位 香代子 (SHIMOI KAYOKO) 静岡県立大学・環境科学研究所・教授 研究者番号: 10162728

(2)研究分担者

榊原 啓之(SAKAKIBARA HIROYUKI) 静岡県立大学・環境科学研究所・助教 研究者番号:20403701