# 自己評価報告書

h平成23年 4月11日現在

機関番号: 15301 研究種目:基盤研究(B) 研究期間:2008~2011 課題番号:20380036

研究課題名(和文) C r y トキシンをオーダーメイド化するための基礎研究 研究課題名(英文) Basic research to design "Order-made" Cry toxin

#### 研究代表者

早川 徹 (HAYAKAWA TORU)

岡山大学・大学院自然科学研究科・助教

研究者番号:30313555

研究分野:昆虫病理学

科研費の分科・細目:農学・応用昆虫学

キーワード: Bacillus thuringiensis、殺蚊トキシン、Cry4Aa、遺伝子組換え、害虫防除

## 1. 研究計画の概要

(1)Cry4AaドメインⅡに存在するloop構造の機能解析: Cry4Aaの殺虫活性及び特異性に関与する機能構造の特定を目指す。特にドメインⅡに存在するloop構造(Cryトキシン一般で殺虫活性及び特異性に関与すると考えられている)の機能構造解析を行う。

**(2)高機能化Cry4Aaの構築:** Cry4Aaを遺伝子 工学的に改変してCry4Aaの高機能化を試み る。特にドメインⅡ loop2を標的とした変異 導入を行う。

(3)効率の良い防除法の検討: Cry4Aaを利用した効率の良い防除法を模索する。

### 2. 研究の進捗状況

(1) 様々な Loop 置換変異体及びアラニン置換変異体を構築して Cry4Aa loop1 $\sim$ 3 の役割を解析した。その結果、loopの長さを大きく変化させない限り、顕著な殺虫活性の低下なしにこれら loopの配列を改変できることが明らかにした(雑誌論文②、③)。また、loop1 $\sim$ 3 と同様に Cry4Aa の分子表面に露出するloops  $\beta$  1- $\alpha$  8、 $\beta$  4- $\beta$  5、 $\beta$  8- $\beta$  9 についても解析を行い、これらが改変可能であることを明らかにした(未発表データ)。

Cry4AaはCry1Aと極めて類似する3D構造を持つものの、Cry1Aとは異なる様式で受容体結合することが示唆された。

(2) Cry4Aa の生産系に大腸菌を用いるため、 大腸菌で高発現する人工遺伝子 *cry4Aa·S1* を構築した(雑誌論文④)。Cry1A で受容体結 合に関与する loop2 も Cry4Aa では改変可能であることが判明しているので、本研究では loop2 にランダム変異を導入した Cry4Aa 変異体ライブラリーの構築を進めた。当初は作製効率の低さ(0.3-0.5%)に問題があったが、プライマーの配列に改良を加えることで効率を 4.2%にまで上昇させることに成功した。(3) 様々な効率的防除法の開発を進めた。

- ①バキュロウイルス(XcGV)由来のプロテア ーゼ (エンハンシン 3)がカイコに対する Cry1Aa の殺虫活性を促進した(未発表)。
- ②人工遺伝子 cry4Aa-S2 を pUC303(シャトルベクター)に組込み、ラン藻(Synechococcus PCC7942 R2-SPc)の形質転換を行った。弱いながらもアカイエカに対する殺虫活性が観察された(未発表)。
- ③Cry4Aa の C 末端領域をペプチドタグとして利用し、タンパク質を凝集体として生産するシステムを開発した(雑誌論文①)。この成果により可溶性トキシンの製剤化に道が開けた。

### 3. 現在までの達成度

②おおむね順調に進展している。

(理由)概要にある項目(1)に関して、予定していた変異体構築を通した loop 構造の解析は終了している。項目(2)に関してもライブラリーの構築は順調であり、研究はクローンの性状を解析する段階にある。項目(3)でもペプチドタグの開発などで成果が上がっている。

## 4. 今後の研究の推進方策

- (1) Cry4Aa 由来のポリペプチドを用いた競合実験行い、受容体と相互作用する Cry4Aa 機能構造の特定を目指す。
- (2) ライブラリーを拡充するとともに、変異体の性状解析を進める。
- (3) 開発したペプチドタグを利用して可溶性 トキシンの製剤化を試みる。以って新しい害 虫防除剤の開発を行う。

# 5. 代表的な研究成果

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

## 〔雑誌論文〕(計4件)

- ① <u>Hayakawa T.</u>, Sato S., Iwamoto S., Sudo S., Sakamoto Y., Yamashita T., Uchida M., Mtsushima K., Kashino Y. and <u>Sakai H.</u>, Novel strategy for protein production using a peptide-tag derived from *Bacillus thuringiensis* Cry4Aa. *FEBS Journal*, 277, 2883-2891 (2010) 查読有
- ② <u>Howlader M.T.H.</u>, Kagawa Y., Miyakawa A., Yamamoto A., Taniguchi T., <u>Hayakawa T.</u> and <u>Sakai H.</u>, Alanine scanning analyses of the three major loops in domain II of *Bacillus thuringiensis* mosquitocidal toxin Cry4Aa. *Applied and Environmental Microbiology*, 76(3), 860-865 (2010) 查読有
- ③ <u>Howlader M. T. H.</u>, Kagawa Y., <u>Sakai H.</u> and <u>Hayakawa T.</u>, Biological properties of loop-replaced mutants of *Bacillus thuringiensis* mosquitocidal Cry4Aa. *Journal of Bioscience and Bioengineering*, **108**(3), 179-183 (2009) 查読有
- ④ <u>Hayakawa T.</u>, Howlader M. T. H., Yamagiwa M. and <u>Sakai H.</u>, Design and construction of a synthetic *Bacillus thuringiensis* Cry4Aa gene: Hyperexpression in *Escherichia coli*. *Applied Microbiology and Biotechnology*, **80**(6), 1033-1037 (2008) 查読有

### [学会発表](計5件)

① 早川徹、小野雄祐、駒田卓也、中尾早織、 有吉育子、HOWLADER M.T.H.、酒井裕、 殺蚊トキシンCry4Aaの殺虫機構におけるドメ インIIループの重要性、第33回日本分子生

- 物学会年会·第83回日本生化学会大会 合同大会、(2010年12月9日) 神戸
- ② <u>Hayakawa T.</u>, Ono Y., <u>Howlader M.T.H.</u> and <u>Sakai H.</u>, Mutational analyses of loops in Domain II of *Bacillus thuringiensis* mosquitocidal Cry4Aa toxin. 43<sup>st</sup> Annual Meeting of the Society for Invertebrate Pathology (2010年7月12日) Karadeniz Technical University, Trabzon-Turkey.
- ③ 早川徹、小野雄祐、Mohammad Howlader、 足立毅、賀川康裕、<u>酒井裕</u>、ドメインIIのル ープ構造を標的とした高活性型Cry4Aa変異 体構築の試み、第32回 (2009年12月12日) 日本分子生物学会年会、横浜
- ④ Howlader, M.T.H.、賀川泰裕、宮川亜衣、山本彩華、谷口哲也、早川徹、酒井裕、 Cry4AaのドメインIIに位置する代表的な3つのloop構造の解析、平成21年度蚕糸・昆虫機能利用学術講演会、(2009年3月21日) 東京
- ⑤ Howlader M.T.H., Kagawa Y., Sakai H. and Hayakawa T., Loop2 in Cry4Aa domain II, but not loops 1 and 3, is essential for the mosquitocidal activity against *Culex pipiens*., 41<sup>st</sup> Annual Meeting of the Society for Invertebrate Pathology. (2008年8月4日) University of Warwick, UK

### [図書] (計2件)

- ① <u>早川徹</u>、オーム社、応用生物学入門、(2010) pp87-103
- ② <u>早川徹</u>、共立出版、分子昆虫学-ポストゲ ノムの昆虫研究、(2009) pp261-266.

### [産業財産権]

○取得状況(計1件)

名称:タンパク質製造方法、融合タンパク質 及び抗血清

発明者: 酒井裕、早川徹

権利者:国立大学法人 岡山大学、有限会社 ジャパンラム

種類:特許

番号:特許第 4604231 号

取得年月日:22年10月15日

国内外の別:国内