# 科学研究費助成事業(科学研究費補助金)研究成果報告書

平成24年 5月21日現在

機関番号: 32689 研究種目:若手研究(B) 研究期間:2010~2011 課題番号:22770156

研究課題名(和文) 生体分子モーターの触媒部位における構造変化モニター

研究課題名 (英文) Detection of the conformational changes at a catalytic site of

molecular motor

研究代表者

足立 健吾 ( ADACHI KENGO ) 早稲田大学・理工学術院・研究員

研究者番号: 60370128

研究成果の概要 (和文): ヌクレオチド駆動型の生体分子モーターは、基質の結合・加水分解・生成物の解離といった化学反応を力学的仕事に変換することで作動しており、基本的に Koshland によって提唱された誘導適合(induced fit)とその逆の過程(induced 'unfit')によって機能していると考えられている。実際に、回転分子モーター $F_1$ -ATPase が働いている際の触媒 部位そのものの基質に対する適合・不適合(構造)変化を、蛍光性(Cy3)ATP をその構造変化検出 のためのプローブとして用いて、1分子で直接検出した。

研究成果の概要(英文): Nucleotide-driven molecular motor operates by the coupling between mechanical work and chemical reaction in the catalytic site: binding/release of nucleotides and ligand, and the hydrolysis. Induced fit, proposed by Daniel Koshland, and induced 'unfit' that is the reverse process are expected to underlie the operation mechanism. Here, by using fluorescently labeled (Cy3) ATP we have directly detected the conformational changes at the catalytic site on  $\beta$  subunit, which are induced by binding and release of nucleotide/ligand, while a single molecule of  $F_1$ -ATPase is rotating.

# 交付決定額

(金額単位:円)

	直接経費	間接経費	合 計
2010年度	1, 700, 000	510,000	2, 210, 000
2011年度	1, 500, 000	450, 000	1, 950, 000
年度			
年度			
年度			
総計	3, 200, 000	960, 000	4, 160, 000

研究分野:生物物理学

科研費の分科・細目:生物科学・生物物理学

キーワード: 1分子計測・分子モーター・構造変化・F1-ATPase・触媒部位

#### 1. 研究開始当初の背景

本研究では、ヌクレオチド駆動型の生体分子 モーターとして、回転モーターである  $F_1$ -ATPase を研究対象とする。 $F_1$ -ATPase は ATP 合成酵素の可溶性部分であり、単離され た  $F_1$  は ATP 加水分解のみを行う。回転に必 要な最小限の構成は、回転軸となる $\gamma$  サブユ ニットとそれを交互に囲む 3つの  $\alpha$  サブユニットと 3つの  $\beta$  サブユニットである [Abrahams, J. et al. 1994 Nature、Noji, H. et al. 1997 Nature]。ATP を加水分解するための触媒部位は、3箇所の  $\alpha$  -  $\beta$  サブユニット間にあり、大部分は  $\beta$  サブユニットが担っており、各  $\beta$  サブユニットの協同的な大きな構

造変化によって回転が駆動されると考えら れている。γサブユニットは、各触媒部位で の ATP の結合・加水分解・解離に伴って 80° と 40° のサブステップから成る 120° の回 転をすることが明らかになっている[Yasuda, R. et al. 1998 Cell, Yasuda, R. et al. 2001 *Nature*]。また、この分子は完全な可逆モー ターであり、γサブユニットを強制的に逆回 転すると、ADP と無機燐酸から ATP を合成 することが証明されている[Itoh, H. et al. 2004 Nature, Rondelez, Y. et al. 2005 Nature]。化学反応と回転の共役モデル、す なわち、3つの触媒部位のどこで起きるどの 化学反応 (ATP 結合、加水分解、燐酸や ADP の解離)がそれぞれどのサブステップ(力学 的仕事)を駆動しているのかは、申請者らに よってほぼ明らかにすることができている [Adachi, K. et al. 2007 Cell]: ATP の結合が 80° サブステップを駆動し、このとき同時に ADP の解離も起こり共に 80° サブステップ を駆動している。ATP 結合による駆動がいわ ゆる induced fit (誘導適合) 過程であり、ADP の解離が induced 'unfit'過程であると考えて いる。また、燐酸解離によって40°サブステ ップが駆動されることを示した。これは induced 'unfit'過程である。

# 2. 研究の目的

(1)  $\gamma$  サブユニットの回転が  $\beta$  サブユニッ トの触媒部位における化学反応とそれに伴 って起こるβサブユニットの構造変化との 間でタイトにカップルしていると期待され ており、その仮定のもと多く研究がγサブユ ニットの回転に着目してきた。化学反応と回 転の共役モデルがほぼ理解できた現在、回転 メカニズムの理解をさらにもう1歩進める ためにも化学反応とβサブユニットの構造 変化、 さらには induced fit や induced 'unfit' の現場となっている触媒部位自体の構造変 化に注目すべきであると考えた。βサブユニ ットの構造変化に着目した例として政池ら の報告がある[Masaike, T. et al. 2008 Nat. Struct. Mol. Biol.]。βサブユニットのヒンジ 上側部分がγの回転に伴って構造変化して いることを明らかにしている。申請者は構造 変化を起こす元になる触媒部位自体の構造 変化を直接明らかにすることで回転の作動 メカニズムに迫りたいと考えた。

(2)  $F_1$ -ATPase は回転モーターという特徴から、駆動部分( $\beta$  サブユニット)と被駆動部分( $\gamma$  サブユニット)が一体化しており、両者が決して離れ去ることはない。リニアモーターであるミオシンの場合は駆動部分(ミオシン)が被駆動部分(アクチンフィラメン

ト)から簡単に離れてしまい、これが測定を困難にしていた。近年、ミオシンVやキネシンと言った駆動部分が被駆動部分から離れにくいプロセッシブなリニアモーターが研究対象として好まれるようになっている。こういった意味で $F_1$ -ATPase はヌクレオチド駆動型の分子モーターとして格好の研究対象である。ただ逆に、一体型のモーターであるために駆動部分( $\beta$ サブユニット)の動きがほとんど観察されてこなかったという側面もある。一体型の分子モーターという利点を生かし、回転のみならず駆動部分、更に触媒部位までの構造変化に踏み込むことで、タンパク質分子機械全般の作動原理の理解にも役立てたい。

#### 3. 研究の方法

νサブユニットの先端に付けたビーズの回 転と蛍光性 ATP アナログ (Cy3-ATP) の結 合・解離の1分子同時観察(図1)により、 これまでに Cy3-ATP が結合後 120° と 240°の回転角度で Cy3-ATP の蛍光強度に 違いがあることを見いだしていた(図2)。 Cy3-ATP の蛍光強度が F<sub>1</sub>への結合で約5倍 に増加することから考えて、結合した Cy3-ATP の周辺環境の変化、すなわち触媒部 位自体の構造変化に由来していると予想さ れた。結合した Cy3-ATP の蛍光強度変化の 測定に加え、デフォーカスイメージングによ る蛍光色素の向きの3次元測定を行うこと で触媒部位自体の構造変化によって起こる Cy3-ATP の向きの変化を検出し、回転角度に 依存した触媒部位の構造変化を検出するこ とを試みた。

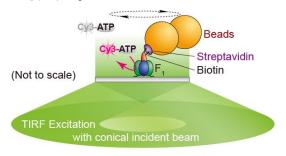


図1. 実験デザイン.

## 4. 研究成果

(1) 回転ステップと蛍光強度のさらに詳細な解析により Cy3-ATP の蛍光強度変化が200°から240°の回転の際に生じるようであることが分かった。政池らが観察した $\beta$ サブユニットヒンジ上部の構造変化のタイミングと一致することが分かった。さらに、こ

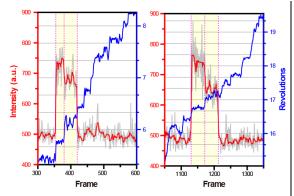


図2. 結合 Cy3-ATP の回転角度に依存した蛍 光強度変化。

こで測定された蛍光強度変化が触媒部位で 起こる構造変化に由来する現象であるかを 調べるために、結合 Cy3-ATP の色素の向き を蛍光色素一分子のデフォーカスイメージ ングによって3次元で測定した。デフォーカ スイメージングを再現性良く安定して行う ために、顕微鏡ステージのz位置をリアルタ イムで精度良く検出・制御できる装置を開発 した。結合 Cy3-ATP の向きはデフォーカス 蛍光像のパターンから決定し、120°ごとの 回転角度に伴って変化することが分かった (図3)。結合後120°のデフォーカス蛍光像 のパターンは明瞭で3次元の向きを決定す ることができたが、240°では像のパターン がぼやけて不明瞭になった。触媒部位が 120°の構造より広がり蛍光色素 (Cy3-ATP) の向きの自由度が上がったためだと考えら れ、蛍光強度変化の結果と矛盾しないことが 示された。

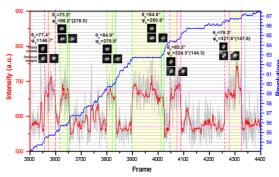


図3. 結合 Cy3-ATP のデフォーカスイメージ ングによる3次元向き測定. 下側像: そ れぞれの角度で測定されたデフォーカ ス像、上側像: 下側像をマッチングした モデル像.

(2) 蛍光性ヌクレオチドアナログを検出のためのプローブとして用い、ヌクレオチド駆動型の分子モーターの触媒部位の構造変化を一分子計測した例はこれまでにない。テクニックとしても他の生体分子機械の研究に広く有効であると思われる。

(3) 今後、変異体や低温での観察により、さらに別の中間状態での測定を行いたい。また、磁気ピンセットを用いて強制的に回転角度を操作し様々な角度での測定をめざしたい。最終的に、ヌクレオチドの結合から解離までに起こる触媒部位の構造変化を明らかにしたい。

### 5. 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者には下線)

### 〔雑誌論文〕(計4件)

- Avako Kohori. Ryohei Chiwata. Mohammad Delawar Hossain, Shou Furuike, Katsuyuki Shiroguchi, Kengo Masasuke Yoshida. Adachi, and Kazuhiko "Torque Kinosita, Jr. generation in F<sub>1</sub>-ATPase devoid of the entire amino-terminal helix of the rotor that fills half of the stator orifice." Biophys. J., 101, 188-195 (2011). 査読有
- ② Shou Furuike, Masahiro Nakano, <u>Kengo Adachi</u>, Hiroyuki Noji, Kazuhiko Kinosita, Jr., and Ken Yokoyama. "Resolving stepping rotation in *Thermus thermophilus* H+-ATPase/synthase with an essentially drag-free probe." *Nat. Commun.*, **2** 233 (2011). 查読有
- ③ Mohammad Delawar Hossain, Shou Furuike, Yasuhiro Onoue, <u>Kengo Adachi</u>, Masasuke Yoshida, and Kazuhiko Kinosita Jr. 'Stimulation of F<sub>1</sub>-ATPase activity by sodium dodecyl sulfate." *Biochim. Biophys. Acta. (Bioenergetics)*, **1797**, 435-442 (2010). 查読有
- ④ Rieko Shimo-Kon, Eiro Muneyuki, Hiroshi Sakai, <u>Kengo Adachi</u>, Masasuke Yoshida, and Kazuhiko Kinosita Jr. "Chemo-mechanical coupling in F<sub>1</sub>-ATPase revealed by catalytic site occupancy during active catalysis." *Biophys. J.*, **98**, 1227–1236 (2010). 查読有

#### [学会発表](計5件)

- ① <u>足立健吾</u>、大岩和弘、 西坂崇之、吉田 賢右、木下一彦 「回転モーターF<sub>1</sub>-ATPase の強制回転によるヌクレオチドアフィニティの操作(Manipulating the Nucleotides Affinity in Rotary Motor of F<sub>1</sub>-ATPase by Forced Rotation)」 日本生物物理学会第 49 回年会,兵庫県立大学・姫路書写キャンパス,2011年9月16-18日
- ② 足立健吾、政池知子、大岩和弘、西坂崇

- 之「回転分子モーターF<sub>1</sub>-ATPase の触媒部位へ結合した蛍光性ヌクレオチドの位置と向きの測定」第 36 回日本生体エネルギー研究会&特定領域研究「革新的ナノバイオ」合同シンポジウム,大阪大学銀杏会館,2010年 11 月 18-20 日
- ③ <u>足立健吾</u>、政池知子、大岩和弘、西坂崇之「回転分子モーターF<sub>1</sub>-ATPase の触媒部位へ結合した蛍光性ヌクレオチドの位置と向きの測定 (Localization and Orientation of Single Fluorescent Nucleotides Bound to the Catalytic Sites in Rotary Motor F<sub>1</sub>-ATPase)」日本生物物理学会第 48 回年会,東北大学・川内キャンパス,2010 年 9 月 20-22 日
- ④ <u>足立健吾</u>、政池知子、大岩和弘、西坂崇之「回転分子モーターF<sub>1</sub>-ATPase の触媒部位へ結合したヌクレオチドの高精度位置検出」特定領域研究「膜超分子モーターの革新的ナノサイエンス」第 5 回班会議, 学習院大学, 2010 年 6 月 24-25 日
- ⑤ <u>足立健吾</u>、政池知子、大岩和弘、西坂崇之「回転分子モーターF<sub>1</sub>-ATPase の触媒部位へ結合したヌクレオチドの高精度位置検出 (High-Accuracy Localization of Single Nucleotides Bound to the Catalytic Sites in Rotary Motor F<sub>1</sub>-ATPase)」日本生物物理学会第 47 回年会,徳島文理大学・アスティとくしま,2009 年 10 月 31-11 月 1 日

# [図書] (計2件)

- ① <u>Kengo Adachi</u>, Takayuki Nishizaka, and Kazuhiko Kinosita, Jr. "Rotational catalysis by F<sub>1</sub>-ATPase" In: Comprehensive Biophysics, Vol. 8. "Bioenergetics" Stuart Ferguson, Ed, Academic Press (Elsevier), Oxford pp. 35-49 (2012).
- Shou ② Kengo Adachi, Furuike, Mohammad Delawar Hossain, Hiroyasu Itoh, Kazuhiko Kinosita, Jr., Yasuhiro Onoue and Rieko Shimo-Kon "Chemo-Mechanical Coupling in the Rotary Molecular Motor F<sub>1</sub>-ATPase." In: Single Molecule Spectroscopy Chemistry, **Physics** and Biology, Gräslund Rigler Α, and JerkerWidengren (eds.), Berlin Heidelberg: Springer, Vol. 96, pp 271-285 (2010).

- 6. 研究組織
- (1)研究代表者

足立 健吾 (ADACHI KENGO) 早稲田大学・理工学術院・研究員 研究者番号:60370128

- (2)研究分担者 なし
- (3)連携研究者なし