科学研究費助成事業(基盤研究(S))公表用資料 「研究進捗評価用]

平成23年度採択分平成26年3月15日現在

NKT細胞系列決定・機能発現メカニズム

The mechanisms of development and differentiation in Valpha14 NKT cells

谷口 克 (TANIGUCHI MASARU)

独立行政法人理化学研究所・統合生命医科学研究センター・

グループディレクター



研究の概要

従来、NKT 細胞は胸腺内で DN から DP ステージに分化すると T 細胞と分岐し、CD1d 分子による 選択後、段階的に Th2/Th17 機能それから Th1 機能を獲得する linear model が定説であった。 しかし、本研究で、1) Th1型 NKT 細胞だけに分化する NKT 前駆細胞を、DP ステージ以前、CD1d 選択以前の DN1 ステージに存在すること、2) 前駆細胞の頻度・分化実証実験から DP 経路とは 異なり DN 経路が NKT 細胞分化の主経路であることを発見した。さらに、NKT 前駆細胞特異的転 写因子も発見し、NKT 細胞分化・機能の人為的制御を可能にした。

研 究 分 野:医歯薬学

科研費の分科・細目:基礎医学・免疫学

キ ー ワ ー ド:プレNKT細胞, 転写因子, iPS, 単一細胞PCR, RNA-sequence

1. 研究開始当初の背景

NKT 細胞は唯一種類の抗原受容 Va14Ja18 (マウス)/Va24Ja18 (ヒト)を発現し、免疫応答を制御する。IFNγ産生 Th1型 NKT 細胞を標的にした肺がん治療第2相臨床試験では、現行の分子標的療法に比べて平均生存期間は数倍に延長する成果を挙げ先進医療 Bに採択された。NKT 細胞の分化発生を明らかにし、試験管内で任意の機能を持つ NKT 細胞を大量に分化誘導できれば、さらなる治療効果を期待できる。

2. 研究の目的

NKT 細胞系列を決定する遺伝子を同定し、各分化ステージのゲノムワイドな遺伝子発現やエピゲノム状況との関連性を明らかにすることで、分化と機能獲得機構を解明する。

3. 研究の方法

プレ NKT 細胞を同定し、分化プロセスを 分子生物学的な手法、次世代シークエンサー を用いたゲノムワイドな遺伝子発現・エピゲ ノム解析により明らかにする。これらを純度 の高い前駆細胞で行なうため、単一細胞 RT-PCR 法でプレ NKT 細胞特異的表面分子 を同定し、濃縮方法を開発する。さらに、NKT クローン ES/iPS 細胞を用いた分化実験で NKT 細胞系列決定に関与する遺伝子を shRNA で検証する。さらに遺伝子改変マウ スの解析を行なう。

- 4. これまでの成果
- 1)機能を異にするNKT細胞サブセットの発

見:胸腺内でのNKT細胞機能獲得は、従来考えられてきたTh2/Th17機能獲得ステージからTh1機能獲得ステージへと分化するSTh2/Th17型 NKT細胞群と、STh2/Th17型 NKT細胞群と、STh2/Th17型 NKT細胞が存在し、機能を決定するSTh1型NKT細胞が存在し、機能を決定する転写因子の発現により分類できることを明らかにした。これは、機能の異なるNKT前駆細胞(プレNKT細胞)が存在する可能性を示唆している。

2) 新規 "プレNKT細胞" とこれまでと異な るNKT細胞分化経路の発見:プレNKT細胞 が、T細胞前駆細胞とは異なるDN1e画分 (DN1eP)に存在することを発見した。NKT 細胞分化に重要なPLZFやSAP遺伝子欠損マ ウスではDN1ePは消失した一方、従来言われ ていたDP分画のプレNKT細胞は存在した。 これは、DN1ePプレNKT細胞の分化は PLZF/SAP依存の新経路で、DP経路を経ずに NKT細胞に分化できること、一方これまで言 われていた分化経路はPLZF/SAP非依存的 であった。単一細胞RT-PCR解析を用いたフ レNKT細胞の存在頻度の測定では、DN1e分画 では3%、DP分画で0.04%以下と大きな違い があり、DN1eP経路がNKT細胞の主要分化 <u>経路</u>であることが判明した。 プレ NKT 細胞特異的な遺伝子解析のため

プレNKT 細胞特異的な遺伝子解析のために、DN1eP 特異的表面分子の同定に成功した。これらの抗体を用いて、プレNKT 細胞の存在率を 80%以上に濃縮する方法を開発した。

3) DN1ePプレNKT細胞はTh1 型機能を発現 するNKT細胞固有の前駆細胞:RNA-seq法を 用いたゲノムワイドな遺伝子発現プロファ イリングを行なった。 DN1ePプレNKT細胞 と成熟NKT細胞間での主成分分析は、Th1/2 型NKT細胞およびTh1 型NKT細胞とDN1eP <u>細胞は異なる細胞集団</u>であることを示した。 ${\sf DN1eP}$ プレ ${\sf NKT}$ 細胞に発現が認められた 546 遺伝子のうち、特異的遺伝子 25 遺伝子を 抽出。一方、DN1eP プレNKT細胞から分化 誘導したNKT細胞と成熟NKT細胞との比較 では、Th1 型NKT細胞に類似性が高く、実際 にDN1eP細胞からの分化誘導でIFNγだけを 産生するNKT細胞に成熟した。この事実から、 今回発見した<u>DN1ePプレ</u>NKT細胞は、Th1 型NKT細胞固有の前駆細胞であり、これまで 常識であったDPステージを経ることなく、異 なる経路で分化することが証明された。

前駆細胞で機能関連遺伝子に注目すると、すでに DN1eP プレ NKT 細胞は Th1 型 NKT 細胞に類似しており、CD1d 分子で運命決定される前からすでに IFN_{γ} 産生細胞への分化が決定づけられていることが示唆された。通常の T 細胞と異なり、受容体発現がない前駆細胞の段階で機能決定がなされているという点は、免疫細胞機能決定に重大な問題提起をすることになった。

4) DN1eP プレ NKT 細胞の分化制御遺伝子の解析: DN1eP 細胞に発現する遺伝子群の中から NKT 細胞分化に関わる遺伝子を調べるために、shRNA を用いた機能阻害実験を行った。プレ NKT 前駆細胞で発現する複数の遺伝子が NKT 細胞分化に強く影響することが明らかになった。特定の遺伝子欠損マウスを用いたキメラマウス解析では、DN1eP 細胞の分化とサイトカイン産生パターンは Th1型 NKT 細胞から Th2型、Th17型に変化した。このことから、この遺伝子は Th1型 NKT細胞系列決定に重要な転写因子であることが示された。

5. 今後の計画

プレ NKT 細胞特異的発現遺伝子について、 継続して系列決定と機能獲得に関わる遺伝 子同定と制御機構解析を行う。また、現在ま でに見出したプレ NKT 細胞および NKT 細胞特異的な発現遺伝子・分化/機能制御遺伝 子に関して時系列的発現解析・エピゲノム解析を実施し、NKT 細胞の系列決定と機能獲得について遺伝子レベルでの理解を目指す。 これら遺伝子情報プロファイリングから想定される NKT 細胞機能予測システムを構築し、iPS の選別、人為的 NKT 細胞生産に応用する。

6. これまでの発表論文等(受賞等も含む)
1. Dashtsoodol N, <u>Taniguchi M</u> et al. Identification of murine cells with natural kille T cell developmental potential in the CD4·CD8·double-negative thymic fraction before CD1d selection. **Nat. Immunol.** Revised 2014

- 2. Hirai T, <u>Taniguchi M</u>, Tanabe K et al. A novel approach inducing transplant tolerance by activated invariant natural killer T cells with costimulatory blockade. **Am J Transplant.**14: 1–14, 2014
- 3. Fujii S, <u>Taniguchi M</u> et al. NKT cells as an ideal anti-tumor immunotherapeutic. **Front.Immunol.**4:1-7, 2013
- 4. Tashiro T, <u>Taniguchi M</u>, Mori K et al. RCAI-84, 91, and 105-108, ureido and thioureido analogs of KRN7000: Their synthesis and bioactivity for mouse lymphocytes to produce Th1-biased cytokines. **Bioorg Med Chem.** 20:4540-8, 2012
- 5. Watarai H, <u>Taniguchi M</u>, et al. Induced pluripotency as a potential path towards iNKT cell-mediated cancer immunotherapy. **Int J Hematol.**95:624-31, 2012
- 6. Nagato K, <u>Taniguchi M</u>, Nakayama T et al. Accumulation of Activated Invariant Natural Killer T Cells in the Tumor Microenvironment after α-Galactosylceramide-Pulsed Antigen Presenting Cells. **J Clin Immunol.** 32:1071-81, 2012
- 7. Satoh M, <u>Taniguchi M</u>, Iwabuchi K et al. Type II NKT cells stimulate diet-induced obesity by mediating adipose tissue inflammation, steatohepatitis and insulin resistance. **PLoS One**7:e30568, 2012
- 8. Watarai H, <u>Taniguchi M</u>. et al. Development and Function of Invariant Natural Killer T cells Producing TH2- and TH17-cytokines. **PLoS** Biology 10:e1001255, 2012
- 9. Tashiro T, <u>Taniguchi M</u>, Mori K et al. RCAI-39, 41, 53, 100, 127 and 128, the analogues of KRN7000, activate mouse natural killer T cells to produce Th2-biased cytokines by their administration as liposomal particles. **MedChemComm.** 2:620-625, 2011
- 10.Yamasaki K, <u>Taniguchi M</u>, Okamoto Y et al. Induction of NKT cell-specific immune responses in cancer tissues after NKT cell-targeted adoptive immunotherapy. Clin Immunol.138:255-65, 2011

11. Motomura Y, <u>Taniguchi M</u>, Kubo M et al. The transcription factor E4BP4 regulates the production of IL-10 and IL-13 in CD4+ T cells. **Nature**

Immunol.12:450-9, 2011

ホームページ等

http://www.riken.jp/research/labs/ims/immune reg/