科学研究費助成事業 研究成果報告書



平成 27 年 6 月 12 日現在

機関番号: 11301 研究種目: 基盤研究(B) 研究期間: 2012~2014

課題番号: 24350081

研究課題名(和文)へムオキゲナーゼ研究の集大成

研究課題名(英文)Compilation of heme oxygenase catalysis

研究代表者

齋藤 正男 (Ikeda-Saito, Masao)

東北大学・多元物質科学研究所・名誉教授

研究者番号:70302239

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 14,100,000円

研究成果の概要(和文):ヘム分解酵素の反応において重要なヘム取り込み及び生成物放出過程を詳細に検討した。X-線結晶解析と分子動力学計算を組み合わせ、ヘム取り込み及び鉄・生成物ビリベルジン放出に伴う構造変化の解明に成功した。また、結核菌及び黄色ブドウ球菌へム分解酵素(MhuD及びIsdG)の反応生成物を決定し、これらのヘム分解酵素はCO放出を伴わずに新規分解反応でヘムを新規分解物に変換しその過程で病原性細菌が必要とする鉄を遊離することを明らかにした。

研究成果の概要(英文): Heme oxygenase (HO) converts heme into biliverdin, CO, and iron by three step monooxygenation reactions. Crystal structures of the heme-free, iron-biliverdin and biliverdin complexes have been solved, and the HO protein structural changes associated with the heme-binding and biliverdin-release have been determined by the molecular dynamic simulations. In addition, the final reaction products of a new type heme degradation enzyme, MhuD of M. tuberculosis and its homologue IsdG of S. aureus, have been established. We have found that that these enzyme degrade heme without CO release, demonstrating a new way to degrade heme.

研究分野: 生物無機化学

キーワード: ヘム 酸素活性化 結晶構造解析 反応機構 共鳴ラマン散乱 EPR 分子動力学

1.研究開始当初の背景

へムオキシゲナーゼ (HO)は、3段階の酸素添加反応によってへム (鉄―ポルフィリン錯体)を鉄イオン・一酸化炭素 (CO)・ビリベルジンに分解する酵素である。従来 HOは高等動物のへムを代謝し鉄恒常性を担うと考えられていたが、近年 CO やビリベルシグナリングや抗酸化作用をに加圧調整・神経細胞保護・細胞死な原に大腸菌 O157、ジフテリア菌などらにも HOの存在が明らかとなり宿主へムからはオン獲得に重要な役割を果たし、更にはている。

HO は生理的に重要なだけでなく、その特異な反応機構にも興味が持たれている。ヘム分解に必要な酸素活性化は基質であるヘム自身が行っており、14にも及ぶ反応中間体を経て反応が進行する。この生物化学的・生理学的に重要な反応は申請者を含む多くの研究者によって精力的に研究され、ヘムからビリベルジンに至る変換過程についてはほぼ解明されていた。しかし、ヘムの取り込みやビリベルジンや鉄の遊離機構には不明な点が多かった。

近年、黄色ブドウ球菌や結核菌において、HOとは異なる構造を持つへム分解酵素(IsdG及びMhuD)が相次いで報告されたが、ヘム分解産物の同定すら出来ておらず反応機構解明にはほど遠い状態であった。

2.研究の目的

本研究は、各種分光学的・タンパク質工学・X線結晶構造解析・分子動力学計算・酵素反応解析などを駆使して、種々のヘム分解酵素の反応および構造を解明することを目的とする。(1)HO反応については反応機構の完全解明を目指し、主にヘム取り込み・試及びビリベルジン放出機構について検討をいる。さらに(2)IsdG型酵素の構造と反体解明に取り組み生物のヘム分解戦略の全体像を明らかにし、ヘム分解が関与する既知の生理現象の理解や未知反応の発見に努める。また薬剤開発などへの応用も視野に入れた知見を得ることを目指す。

3.研究の方法

(1) HO によるヘム分解反応解析では、基質へムの結合していないへム非結合型、Fe³⁺ - ビリベルジン結合型、ビリベルジン結合型 反応中間体を結晶化し、原子レベルで構造を決定する。さらにこれらの結晶構造に基づいて分子動力学計算を行い、ヘム結合及びビリベルジン解離反応機構を決定する。

(2) IsdG 型酵素に関しては、結核菌由来の MhuD 黄色ブドウ球菌由来の IsdG 及び IsdI を用い、その溶液構造を共鳴ラマンや EPR な どの分光測定で決定することを目指す。また、 反応の基本特性を明らかにし、特に生成物の 構造決定を質量分析・NMR などを駆使して 試みる。

4. 研究成果

(1)HOへム分解反応におけるへムの取り込み及びビリベルジン放出に関しては、ヘム非結合型、Fe³+-ビリベルジン結合型、ビリベルジン結合型の結晶構造をそれぞれ 1.8 Å, 1.9 Å, 1.85 Å 分解能で決定した。ヘム非結合型の構造は概ねヘム結合型と同様であるがヘム鉄軸配位子であるHis20を含むヘリックスが解けてループとなっていることが明らかとなった。分子動力学計算結果は結晶構造の妥当性を支持するのみならず、ヘム結合が引き起こすタンパク質構造変化の順序を予測することが出来た。

Fe³+・ビリベルジン結合型、ビリベルジン結合型の結晶構造はヘム結合型とほぼ同じ全体構造を保持していることが明ら体結晶構造とは異なりビリベルジン複合体結晶構造を維持していた。更に還元剤の量を減ら中間を維持していた。更に還元剤の量を減ら一切を指していた。要により Fe³+・ビリベルジン結合型から中間を指して出来た空間に入り込んだ水分子が His20 ビリベルジンのの以上では、1000人によりを形成しビリベルジン複合体構造を安定化していることが明ら別とあった。(1)の成果を報告した論文は JBC Papers of the Week に選ばれ高い評価を得た。(2)結核菌へム分解酵素 MhuD は活性中心

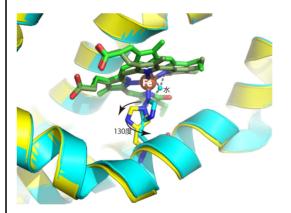


図1 .Fe³⁺- ビリベルジン複合体(青緑色)とビ リベルジン複合体(黄色)の構造。

に2分子のヘムを結合できる点で、他の IsdG 型酵素とは異なる。ヘム分解活性のない diheme-MhuD 複合体の結晶構造は報告されているが、活性のある monoheme-MhuD 複合体の溶液構造を明らかにするために共鳴ラマンスペクトル及び NO 結合型へムの EPR スペクトル、変異体実験を行いへム鉄の軸配位子を His75 と同定した。

MhuD へム分解反応生成物の精密質量分析と NMR により解析を行い、生成物はビリベルジン (H0 生成物) やスタフィロビリン (IsdG 生成物)とは異なる新規生成物(図4)であ

ることを決定しマイコビリンと命名した。マイコビリン反応は C1 炭素がアルデヒド基として残留し CO の遊離しない新規のヘム分解反応であることを明らかとなった。MhuD と類似構造を持つ IsdG はヘムをスタフィロビリン、鉄、CO に変換すると報告されているが、CO 遊離を検討した結果 CO ではなくアルデが遊離することが判明した。HO とは異なり、MhuD 及び IsdG ではヘムが大きく歪んでおり、それが反応性の違いの原因であると考えられている。MhuD 反応生成物を報告した論い評価を得ており、Acc. Chem. Res.からの執筆招待物多くの海外学会・研究会から招待講演依頼を受けてた。

今後、MhuD, IsdG の特異なヘム分解メカニズムを明らかにすることで、結核菌及び黄色ブドウ球菌に特異的なヘム分解戦略の解明が期待され、機構・構造の違いは抗生物質の良いターゲットになると考えられ、今後の薬剤開発などにも期待される。

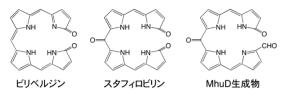


図2 ヘム分解生成物の骨格構造

5 . 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

[雑誌論文](計 7件)全て査読あり

M. Watanabe-Matsui, T. Matsumoto, <u>T. Matsui, M. Ikeda-Saito,</u> M. Muto, K. Igarashi, and K, Murayama, Heme binds to an intrinsically disordered region of Bach2 and alters its conformation. *Arch. Biochem. Biophys.* (2014), 565, 25-31

A. Wilks and M. Ikeda-Saito, Heme utilization by pathogenic bacteria: Not all pathways lead to biliverdin. *Acc. Chem. Res.* (2014), 47, 2291-2298

M. Unno, A. Ardèvol, C. Rovira, and M. Ikeda-Saito, Structures of the substrate-free and the product-bound forms of HmuO, a heme oxygenase from Corynebacterium diphtheriae: X-ray crystallography and molecular dynamics investigation. J. Biol. Chem. (2013), 288, 34443-34458

T. Matsui, S. Nambu, Y., Ono, C. W. Goulding, K. Tsumoto, and M. Ikeda-Saito, Heme degradation by Staphylococcus IsdGIsdI aureus and liberates carbon formaldehyde rather than Biochemistry (2013), monoxide. 52, 3025-3027

S. Nambu, <u>T. Matsui</u>, C. W. Goulding, S. Takahashi, and <u>M. Ikeda-Saito</u>, A new way to degrade heme: The *Mycobacterium tuberculosis* enzyme MhuD catalyzes heme degradation without generating CO. *J. Biol. Chem.* (2013), 288, 10101-10109

T. Uchida, Y., Sekine, <u>T. Matsui, M. Ikeda-Saito</u>, and K. Ishimori, A heme degradation enzyme, HutZ, from *Vibrio cholera. Chem. Commun.* (2012) 48, 6741-6743

M. Unno, T. Matsui, and M. Ikeda-Saito, Crystallographic studies of heme oxygenase with an unstable reaction intermediate, verdoheme. J. Inorg. Biochem. (2012), 113, 102-109

[学会発表](計 4件)

M. Ikeda-Saito, Heme Degradation Mechanisms by Two distinctive heme degradation enzymes, heme oxygenase and IsdG-type enzymes, S. aureus IsdG and M. tuberculosis MhuD. Key Note Lecture, The 8th International Conference on Heme Oxygenases, BioIron, and Oxidative Stress, Sydney, Australia (2014.10.8)

M. Ikeda Saito, Paradigm Shift in Heme Degradation: Heme Oxygenase and IsdG" Session Lecture, The 12th European Biological Inorganic Chemistry Conference, Zurih, Switzerland (2015.8.26)

M. Ikeda-Saito, Two Distinct Heme Degradation Enzymes; The Heme Oxygenase and the IsdG-type Enzymes, Keynote Lecture, Gordon Research Conference, Biology and Chemistry of Tetrapyrroles, New Port, RI, U. S. A. (2014. 7, 24)

M. Ikeda-Saito, Two Distinct Heme Degradation Proteins, Heme Oxygenase and IsdG, Session Lecture, The 8th International Conference on Oxygen-binding and Sensing Proteins, Sheffield, UK (2014, 7, 24)

[図書](計 0件)

〔産業財産権〕

出願状況(計 0件)

取得状況(計 0件)

〔その他〕 ホームページ等

6.研究組織

(1)研究代表者

齋藤 正男(Ikeda-Saito, Masao) 東北大学・多元物質科学研究所・名誉教授 研究者番号:70302239

(2)研究分担者 なし

(3)連携研究者

松井 敏高 (Toshitaka Matsui) 東北大学・多元物質科学研究所・准教授

研究者番号:90323120

海野 昌喜 (Masaki Unno) 茨城大学・理工学研究科・教授 研究者番号:10359549