# 科学研究費助成事業 研究成果報告書



平成 27 年 6 月 3 日現在

機関番号: 17102 研究種目: 若手研究(B) 研究期間: 2012~2014

課題番号: 24790556

研究課題名(和文)マイトファジー誘導機序の解明とその臨床検査への応用

研究課題名(英文) Molecular mechanism of mitophagy and its application to the laboratory medicine

### 研究代表者

青木 義政 (Aoki, Yoshimasa)

九州大学・大学病院・主任臨床検査技師

研究者番号:80419514

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 3,400,000円

研究成果の概要(和文): オートファジーがミトコンドリアを選択的に分解する現象は、マイトファジーと呼ばれている。本研究では、出芽酵母とヒト培養細胞を用いて、マイトファジー誘導機構を解明し、さらに、臨床検査学的手法でマイトファジーを検出する方法の確立を目指した。ヒト培養細胞においては、Erk2、p38の2つのMAPキナーゼとその上流のシグナル経路がマイトファジーに重要であることが明らかとなった。また、出芽酵母の研究では、マイトファジーに必須のAtg32のリン酸化にCasein Kinase 2が関わっていること、Atg32の発現がTORの下流で制御され、Ume6-Sin3-Rpd3複合体が関わっていることを解明した。

研究成果の概要(英文): Mitophagy is a process that degrade mitochondria selectively. In this study, we investigated the signaling pathways that regulate mitophagy using yeast and human cell lines. We further try to establish the method to detect the mitophagy using clinical laboratory test. We found that, in human cells, MAP kinase Erk2 and p38 related signaling pathways are important for mitophagy. In addition, we found that mitophagy dispensable protein Atg32 is expressed under the regulation of TOR and the down Ume6-Sin3-Rpd3 complex.

研究分野:病態検査学

キーワード: マイトファジー ミトコンドリア

#### 1.研究開始当初の背景

- (1) オートファジーは、栄養飢餓および種々の細胞ストレスによって誘導され、脂質二重膜構造体(オートファゴソーム)で非選択的に細胞質成分を包み込み、リソソーム(酵母では液胞)と融合することにより内容物を分解する現象である。この狭義のオートファジー(非選択的オートファジー)以外に、オートファジーはミトコンドリアなどのオルガネラを選択的に分解していることが近年明らかにされてきた。
- (2) ミトコンドリアは、細胞へのエネルギー の供給を行っている半面、細胞内における最 大の活性酸素 (reactive oxygen species, ROS) 産生の場でもある。このため、ミトコ ンドリア DNA や蛋白質が、自身の産生する ROS によって絶えず酸化障害を受けている。ミト コンドリア障害の蓄積は、種々の神経変性疾 患、老化、癌、糖尿病など様々な病態と関連 しており、ミトコンドリアの品質管理は細胞 内で非常に重要な役割を担っている。最近の 研究から、オートファジーが、機能低下した ミトコンドリアを選択的に分解すること(ミ トコンドリアオートファジーまたはマイト ファジー)によって、細胞内のミトコンドリ アの品質を維持していることや、さらには、 マイトファジーの異常が、遺伝性パーキンソ ン病の原因となっていることが明らかにな ってきた。
- (3) したがって、パーキンソン病などのミトコンドリア機能に異常を認める患者体内でマイトファジーがどの程度誘導されているかを調べることが出来れば、重要な診断・治療の指標となる。
- (4) 本研究代表者は、パーキンソン病を含む ミトコンドリア機能障害に起因する疾患群 の早期発見、診断、治療に直結する臨床検査 技術の開発を目標として、その根底にあるマ イトファジーの分子機構の解明に取り組ん でいる。
- (5) マイトファジーの分子機構は未だに多くが解明されていないが、出芽酵母では比較的研究が進んでいる。マイトファジーが誘導されるとミトコンドリア上の膜タンパク質 Atg32 と細胞質に存在する Atg11 が結合する。次いで Atg11 がミトコンドリアをオートファゴソームの形成場所に移行させる。その後、ミトコンドリアはオートファゴソームの形成場所に移行させる。その後、ミトコンドリアはオートファゴソームに移動には液胞に運ばれて分解される(廣田有子,青木義政ほか,生化学,83巻,126-130頁,2011年)。本研究代表者は、この Atg32 と Atg11 の結合がマイトファジーにおける最も重要なステップであると考え、この結合を詳細に解析した。その結果、マイトファジーが誘導されると Atg32 の 114 番目

のセリンがリン酸化され、このリン酸化された Atg32 のみが Atg11 と結合すること、すなわち Atg32 のリン酸化がマイトファジーの最初の物理的ステップであることを明らかにした (Aoki Y., et al., Mol Biol Cell, 22巻, 3206-3217頁, 2011年)。

(6) さらに、Atg32 のリン酸化に関与する上流因子を解析し、MAP キナーゼの一つである Hog1 がAtg32のリン酸化およびマイトファジーに重要な役割を担っていることを明らかにした(Aoki Y., et al., Mol Biol Cell, 22 巻, 3206-3217 頁, 2011 年)。**図1**に以上の概要を示す。

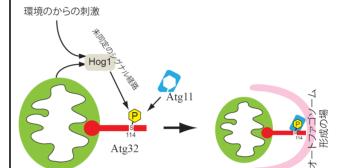


図1 研究成果の概要:マイトファジーは、ミトコンドリア自身の障害、飢餓などの外部からの刺激により誘導される。こうした刺激が未同定のシグナル経路を通じて最終的にAtg32の114番目のセリンをリン酸化する。この未同定の経路にはMAPKの一つであるHog1が関与している。Atg32のリン酸化により細胞質のAtg11がAtg32と結合し、このAtg32-Atg11複合体がミトコンドリアをオートファゴソーム形成の場にミトコンドリアを移行させる。最終的には、ミトコンドリアはオートファゴソームに包まれて分解される。

### 2.研究の目的

上述したように、本研究代表者は、出芽酵母で Atg32 のリン酸化とその上流にある MAP キナーゼのシグナル経路がマイトファジーに重要であることを明らかにした。残念なことに Atg32 は哺乳類にホモログが存在しない。そこで本研究代表者らは、ヒト培養細胞でMAP キナーゼとマイトファジーの関連を調べたところ、出芽酵母と同様にヒト培養細胞でも2つの MAP キナーゼ(Erk2 と p38)がマイトファジーの誘導に関与していることが明らかとなった。このことから、本研究課題では、次の2つの研究目的を設定する。

(1) ヒト培養細胞におけるマイトファジーは、電子伝達系の阻害剤、脱共役剤、光刺激によって引き起こされるミトコンドリアへの障害、あるいは飢餓などで誘導される。こうした刺激下で、マイトファジーに関与する2つのMAPキナーゼの上流、下流のどの因子が活性化、あるいは抑制されるのかを明らかにし、刺激からマイトファジー誘導までのシグナル伝達経路を明らかにする。

(2) マイトファジー誘導時もしくは MAP キナ ーゼ阻害剤でマイトファジー抑制時に、培地 中に放出される物質、あるいは放出を抑制す る物質をプロテオミクス的手法によって同 定する。こうして同定された物質の中から、 患者におけるマイトファジー誘導状態の指 標、ならびに血液生化学的検査の対象と成り 得る物質を選別していく。

### 3.研究の方法

(1) 蛍光タンパク質 Keima は pH 依存的にそ の構造が変化し、発光に必要な励起光波長が 中性環境では 440nm であるのに対し、酸性環 境では 590nm に変化する。マイトファジーに よる分解はリソソームによって行われるた め、分解時のミトコンドリアの周囲はリソソ ーム内と同じ pH 3~4 となる (Katayama H., et al., Chem Biol, 2011)。本研究代表者ら は、この原理を利用して培養細胞でマイトフ ァジーを動的に観察している。すなわち、 HeLa 細胞や SH-SY5Y 細胞にミトコンドリア移 行シグナルをつけた Keima( 以後 mt-Keima と 記す)を発現させると、ミトコンドリア内に 局在する mt-Keima は、ミトコンドリア内が 中性であるため 440nm の励起光を当てるとミ トコンドリアが発光する。一方で 590nm の励 起光では何も起こらない。マイトファジーの 誘導によって、ミトコンドリアがリソソーム に取り込まれ分解が進んでいくと、ミトコン ドリア内の mt-Keima は、周囲が酸性のため、 440nm の励起光では発光せず、590nm の励起 光で発光するようになる。この結果、590nm の励起光で発光する mt-Keima はマイトファ ジーによって分解過程にあるミトコンドリ アということになる。この方法は非常に感度 が高くマイトファジーの誘導を検出できる。 この手法を mt-Keima 法と呼び、 **図2**に HeLa 細胞を用いた場合の例を示す。

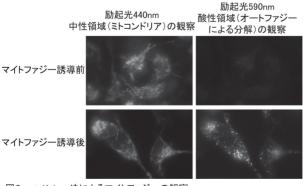


図2 mt-Keima 法によるマイトファジーの観察

ミトコンドリアに局在するmt-Keimaは440nmで励起され、チューブ状のミト コンドリアの形態として観察される。一方、590nmで励起しても、マイトファジ 一誘導前にはほとんどシグナルを認めない。

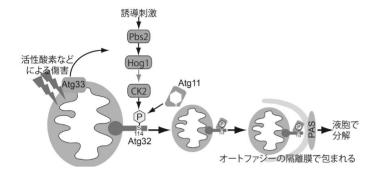
マイトファジー誘導により、ミトコンドリアがリソソームにより分解されると、 周囲の環境が酸性となり、分解中のミトコンドリアのみ590nmで励起される ドットとなって観察される。

- (2) 研究目的でも示したように、本研究代表 者は、出芽酵母におけるマイトファジーに MAP キナーゼが関与していることを見出し、 さらに mt-Keima 法を用いてヒト培養細胞で も 2 つの MAP キナーゼ Erk2 と p38 がマイト ファジーに重要であることを見出している。 この MAP キナーゼの上流、下流のどの因子が マイトファジーに関連しているのか、マイト ファジー誘導に関与するシグナル伝達経路 の解明を行う。
- (3) 具体的には、Erk2 はその上流が Ras MEK1/2というMAPKsの経路、 c-Raf/B-Raf その下流は、Elk-1、Fos など 10 以上の転写 因子、転写産物に結びつく。同様に p38 は その上流が TAK1/ASK1/PKA1 MKK3/6 とい う経路、その下流は MEF2、MSK1 など複数の 転写因子、転写産物に結びつく。こうした 因子を RNAi のノックダウンした細胞を用い、 マイトファジーの誘導を観察することで、 マイトファジー誘導に関連するシグナル伝 達経路の解明を行う。また、MAPKs にはそれ ぞれの経路、分子に特異的な阻害剤 (Erkに 対する PD98059、p38 に対する SB202190 な ど)が存在し、これら阻害剤によるマイト ファジー誘導抑制実験を行うことで、シグ ナル伝達経路の確認を行う。

### 4. 研究成果

- (1) MAP キナーゼ Erk2 と p38 やその上流の MAPKK、MAPKKK の siRNA によりマイトファジ ーが強く抑制された。さらに、Erk2 や p38 の 阻害剤(それぞれ PD98059、SB202190)でも マイトファジーが強く抑制された。これらの ことから、マイトファジーには2つの MAP キ ナーゼ Erk2 と p38 が関わるシグナル伝達経 路が重要であることを証明できた。しかしな がら、マイトファジーの観察は、想定以上に 困難であり、マイトファジーにおける MAP キ ナーゼの重要性は、完全に証明できたものの、 その臨床検査への応用研究にまで発展させ ることは、今回の研究期間内には困難であっ
- (2) 本研究課題では、研究の効率化のため、 一部の研究については、出芽酵母を用いて行 った。この結果、マイトファジーに必須な Atg32の直接的なリン酸化は、Casein Kinase 2 によって引き起こされることを明らかにし た (Kanki T., et al., EMBO Rep, 14 巻, 788-794 頁, 2013 年 ) さらに、Ata32 蛋白質 の発現には、マイトファジーの誘導刺激によ って抑制される TOR (target of rapamycin) が重要であり、そのシグナル伝達経路の下流 で制御されている Ume6-Sin3-Rpd3 複合体が ATG32 遺伝子の転写を抑制することによって、 Atg32 の発現量を制御していることを明らか にした(Aihara M., et al., J Cell Sci, 127

巻,3184-3196 頁,2014 年)。これらの研究成果から、**下図**のように出芽酵母におけるマイトファジー分子機構が解明された。これらの成果は、マイトファジーを検出するための臨床検査法の開発を目指すうえで、有用な成果を得ることができたと思われる。



# 5 . 主な発表論文等 (研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

### [雑誌論文](計2件)

Aihara M, Jin X, Kurihara Y, Yoshida Y, Matsushima Y, Oku M, Hirota Y, Saigusa T, Aoki Y, Uchiumi T, Yamamoto T, Sakai Y, Kang D, Kanki T. Tor and the Sin3-Rpd3 complex regulate expression of the mitophagy receptor protein Atg32 in yeast. *J Cell Sci*. 查読有 2014 Jul 15;127(Pt 14):3184-96. doi: 10.1242/jcs.153254. Epub 2014 May 16.

Kanki T, Kurihara Y, Jin X, Goda T, Ono Y, Aihara M, Hirota Y, Saigusa T, Aoki Y, Uchiumi T, Kang D. Casein kinase 2 is essential for mitophagy. *EMBO Rep.* 查読有 2013 Sep;14(9):788-94. doi: 10.1038/embor.2013.114. Epub 2013 Jul 30.

### 〔その他〕

ホームページ等

http://www.cclm2.med.kyushu-u.ac.jp/

## 6.研究組織

### (1)研究代表者

青木 義政(AOKI YOSHIMASA) 九州大学・大学病院・主任臨床検査技師 研究者番号:80419514