平成25年度(基盤研究(S))研究概要(採択時)

【基盤研究(S)】

生物系 (総合生物)



研究課題名 霊長類を含む哺乳動物の生殖エピゲノム形成機構

しおみ はるひこ 慶應義塾大学・医学部・教授 **塩見 春彦**

研 究 分 野: ゲノム科学、RNA 生物学、生化学、分子生物学

キーワード: 転移因子、エピゲノム、RNA サイレンシング、生殖細胞

【研究の背景・目的】

近年、20~30 塩基長の小分子 RNA が鍵となる遺伝子発現抑制機構が動植物で次々に明らかとなってきた。これら小分子 RNA は Argonaute タンパク質と作動複合体(RNA induced silencing complex: RISC)を形成することで、この複合体を標的遺伝子にガイドする配列特異性決定因子として機能する。 RISC 複合体による遺伝子発現抑制機構を一般にRNA サイレンシングと呼ぶ。

分裂酵母では Argonaute タンパク質と siRNA を中核とする核内 RISC 複合体が特定クロマチン領域にヒストン修飾酵素を呼び込むことでヘテロクロマチン化が達成される。哺乳動物細胞においてもArgonaute はエピゲノム形成に関与するが、未だ、核内 RISC 複合体は同定されていない。生殖細胞特異的な Argonaute である Piwi タンパク質は生殖細胞の発生/分化に必須の因子である。Piwi は piRNAと複合体を形成し、転移因子の配列特異的なエピゲノム形成に関与する。この仕組みは種間で保存性が高いが、その分子機構は未だ不明である。

哺乳類核内 Piwi-piRNA 複合体 (piRISC) の解析、 霊長類特異的 Piwi の解析、そして人工的に生殖細胞 エピゲノムを改変する技術の開発をとおして、**霊長 類を含む哺乳動物の生殖エピゲノム形成機構**の解明 を目指す。

【研究の方法】

モデル系としてマウス、コモンマーモセット、そしてヒト(組織と培養細胞)を用い、以下の3課題に重点的に取り組む。

1. 核内 piRISC 複合体の同定及びその機能解析:生殖細胞の細胞質には piRNA に結合した機能的なpiRISC の形成を感知する仕組みがあり、"カラ" (piRNA free) の Piwi が核に移行することを防いでいる。したがって、Piwi の核移行メカニズムの解明は、"機能的な piRISC"の実体を明らかにすることでもある。機能的な piRISC の形成を感知する仕組みと核内 piRISC そのものの同定を行う。さらに、同様の実験をマーモセットやヒトの材料を用いて行い、マウスと霊長類の piRISC 機能の差異を明らかにする。2. 霊長類特異的な piRISC の解析とその標的遺伝子探索:マウスには 3 種類の Piwi タンパク質が存在するが、霊長類では第 4 の Piwi が存在する。この第 4 の Piwi が形成する複合体の解析を行い、霊長類特異的な生殖細胞形成機構及び生殖エピゲノム形成機構

の解明をめざす。

3. 人工的に生殖細胞エピゲノムの改変を可能にする技術の開発: piRNA を産生するゲノム領域にはしばしば 100 塩基長程度の hot spot が存在する。 hot spot の上流には piRNA の産生を誘導するシス配列が存在する。 その配列を含む領域を用いることでhot spot を任意の配列で置き換え、人工 piRNA として哺乳動物生殖細胞で発現させるシステムの構築を用い行う。

【期待される成果と意義】

ゲノムの転移因子領域が特異的にヒストンやDNA の修飾を受け抑制される機構はほとんど理解されていない。本研究はその特異性を決めているメカニズムの解明につながる。また、本研究は人工piRNA 発現システムの構築につながり、生殖エピゲノムの人工改変を可能にする技術を生む。さらに、マウスでは Piwi 遺伝子変異は精子形成異常とそれに伴う不妊を引き起こす。霊長類 Piwi の研究はヒト不妊症の発症分子機序の理解にも寄与する。

【当該研究課題と関連の深い論文・著書】

- "Biology of PIWI-interacting RNAs: new insights into biogenesis and function inside and outside of germlines" H. Ishizu, <u>H. Siomi</u>, & M.C. Siomi, *Genes Dev* 26: 2361-2373 (2012)
- "How does the Royal family of Tudor rule the PIWI-interacting RNA pathway?" M.C. Siomi, T. Mannen, & <u>H. Siomi</u>, *Genes Dev* 24: 636-646 (2010)
- "On the road to reading the RNA-interference code" <u>H. Siomi</u>, & M.C. Siomi, *Nature* 457: 396-404 (2009)

【研究期間と研究経費】

平成 25 年度-29 年度 167,800 千円

【ホームページ等】

http://www.siomilab.med.keio.ac.jp/