科学研究費助成事業 研究成果報告書



平成 28 年 6 月 13 日現在

機関番号: 10107 研究種目: 若手研究(B) 研究期間: 2014~2015

課題番号: 26860490

研究課題名(和文)新規麦芽乳酸菌由来活性物質による腸内細菌叢変化と過敏性腸症候群への臨床応用

研究課題名(英文)The alteration of microbiota and the efficiency of treatment for IBS model mice by the novel probiotics, Lactobacillus brevis SB88

研究代表者

上野 伸展 (Ueno, Nobuhiro)

旭川医科大学・医学部・助教

研究者番号:30436000

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 2,900,000円

研究成果の概要(和文):本研究では、SB88死菌投与による腸内細菌叢の変化、IBSマウスモデルにおける治療効果を明らかにすることで、IBSに対する新規治療法開発の基盤的成果を得ることを目的とした。結果としてSB88死菌をマウスに投与することで腸内細菌叢を変化させることが明らかとなった、また腸内細菌層が変化したマウスほど抗炎症効果を強く発現することが明らかとなったかIBSモデルマウスへの有効性は残念ながら確認できなかった。

研究成果の概要(英文): In this study, we investigated the alteration of microbiota of mice and the efficacy for the treatment of IBS model mice by the oral administration of heat-killed of L.brevis SB88. In result, heat-killed of L. brevis SB88 altered the microbiota of SPF mice after 28days oral administration. And it suppressed the expression of inflammatory cytokine of the epithelium cells in mice intestine, especially the mice which has been altered microbiota. Although it does not have strong effect for the IBS model mice.

研究分野: 腸内細菌叢

キーワード: プロバイオティクス 過敏性腸症候群

1. 研究開始当初の背景

哺乳類の消化管には約 1000 種類の細菌が 共生し腸内細菌叢を形成している。腸内細菌 叢は栄養素の代謝や腸管防御機構の増強,嫌 気性代謝,血管新生,腸管リンパ組織の発達 など腸管の恒常性維持に必須の役割を果た している(Hooper LV, et al.Science:2001)。 近年、腸内細菌叢の異常は多くの消化器の炎 症性、腫瘍性疾患に関与していることが明ら かにされつつある(A.Macpherson et al. Nature Reviews Immunology:2005)。一方、 本邦において機能性消化管傷害(Functional gastrointestinal disorders; FGIDs)の患者が 増加し、その予備群を含めると 3000 万人の 有症状者が存在するとされる。FGIDs の代表 的傷害である過敏性腸症候群(Irritable bowel disease; IBS)の病態として脳腸相関や 疼痛閾値の低下に加え、感染性腸炎発症後に 誘発される感染性腸炎後 IBS(post-infectious IBS; PI-IBS)などが知ら れている(Gwee KA et al. Lancet. 1996, Tana C et al. Neurogastroenterol Motil. 2010)。また、IBS 患者では小腸における細 菌数の増加や大腸での Bifidobacterium の減 少、下痢型における Lactobacillus の減少、 便秘型での Veillonella の増加などが報告さ れているが、これらの腸内細菌叢の異常と IBS病態との関連性については全く分かって いない。一方、動物実験により、IL-18 の長 期間の腸管暴露が平滑筋細胞の過剰な増殖 と筋層の肥厚をきたし、筋層間神経叢の神経 細胞が減少することで消化管運動の異常を 引き起こすことが明らかにされている (Kindt S et al. Neurogastroenterol Motil, 2009)。さらに最近になって、IBS の発症に toll-like receptor 9(TLR9)遺伝子、細胞接着 分子である E-cadherin-1(CHD1)遺伝子、 interleukin-6(IL-6)遺伝子の多型が関係して いることが報告された(Villani AC et al. Gastroenterology, 2010)。以上をまとめると、 IBS の発症には、腸内細菌叢の異常、IL-1b の過剰発現に起因する筋層間神経叢の障害、 TLR9 や E-cadherin、IL-6 の機能異常が関係 していることが示唆される。

これまでに私はプロバイオティクスの一種である新規麦芽乳酸菌(Lactobacilus brevis SBC8803; SB88 と略す)の死菌体および本菌由来の腸管保護活性物質であるポリリン酸が、マウス腸管上皮の p38-MAPK を活性化して Heat Shock Proteins(HSPs)を発現誘導し、腸管上皮のバリア機能を著明に増強することこと、 Dextran sulfate sodium(DSS)誘発性腸炎による炎症性サイトカイン(TNF-α、IL-18、IL-6)発現を有意に抑制することを明らかにしてきた(NUeno、JBD,2011)(S Segawa,N Ueno,PLoS One,2011)。

本研究では、SB88 死菌および菌由来ポリリン酸による腸内細菌叢の改善作用、各種サイトカイン発現の調節作用、タイトジャンクション関連分子の誘導作用を解析し、IBS モデルにおける治療効果を明らかにすることで、IBS に対する新規治療法開発の基盤的成果を得ることを目的とした。

2. 研究の目的

①SB88 死菌および菌由来活性物質ポリリン酸投与による SPF マウスおよび IBS モデルマウスにおける腸内細菌叢の変化を解明する

②SB88 死菌および菌由来活性物質ポリリン酸投与による SPF マウスおよび IBS モデルマウスにおける炎症関連サイトカインや腸上皮バリア関連分子の発現を解明する ③SB88 死菌およびポリリン酸の IBS モデル

③SB88 死菌およびポリリン酸の IBS モデル に対する有効性を明らかにする

3. 研究の方法

- ① IBS モデルマウスの作成
- ✓ T.Spiralis 感染モデル: SPF-NIH swiss マウスに対して経口的に 350-400 T.spiralis に調整した T.spiralis 幼虫を 胃内に直接投与する。T.spiralis 感染後 60~90 日後のマウスを IBS モデルとし て使用する。(Kalia N et al. Gut 2008)
- ✓ 拘束ストレスモデル: C57Bl/6 マウスに 対して空気穴をあけた直径 28 mm の 50 ml ファルコンチューブにマウスを 4 時間保定する。マウスはチューブ内で 前後に移動することは可能だが体の向 きを変えることはできないため強い ストレスを負荷することが出来る。 (Disyruttti E,PLos One,2013)
- ▼ TNBS(trinitrobenzene sulfonic acid) 慢性腸炎モデル: SD ラットに対して中 用量 2,4,6-trinitrobenzene sulfonic acid(50mg/ml)とエタノールを注腸投 与し、腸炎惹起後 5 日から 14 日目の マウスを用いる。(Adam B,J Gastroenterol,2013)

② サンプルの回収と DNA 抽出

SB88 死菌もしくはポリリン酸を一定期間混餌投与し経時的に便を回収する。一定期間投与を行ったマウスは屠殺し盲腸内容物を回収する、さらにバイオフィルム解析を行うために空腸、回腸、近位大腸、遠位大腸粘膜を回収する。それぞれのサンプルから DNA を抽出する。 DNA 抽出はビーズ破砕法とフェノール・クロロホルム法から行い、以下の検討に用いる。

③ 腸内細菌叢解析

T—RFLP 法(Terminal restriction fragment length polymorphism)

全てのバクテリアにおいて共通に保存され

ている 16s-rRNA 領域 DNA を選択的にユニバーサルプライマーを用いて PCR で増幅させ、制限酵素(MspI)を用い断片化し電気泳動パターンから数値化する。得られたデータを主成分解析法で解析する。主成分解析法は数学的解析方法であり似た腸内細菌叢をもつサンプルが各々近くにプロットされる。

<u>次世代シーケンサを用いたメタゲノム解析</u> による菌種の同定

全てのサンプルのシークエンスを行うこと は経費と時間の面から困難であると考えら れるために T-RFLP 法を用いて腸内細菌叢 が変化している可能性がより高いサンプル を選別し検討に使用する。Ion torrent による 細菌叢解析は通常検出限界以下となるマイ ナーな菌群へのアプローチができ、クローン ライブラリ―法より圧倒的に多くののデータ を得ることができる。16s-rRNAのDNA抽 出及び PCR 増幅行程までは T-RFLP 法と同 様である。PCR 産物は市販のキットを用いて 精製し濃度を測定する。10 種類のライブラ リを等量ずつ混合した溶液の一部を分取し てエマルジョン PCR を行う。ゲノムシーケ ンサは半導体チップを作成し DNA ポリメラ ーゼによってクヌクレオチドが取り込まれ る際放出される水素イオンを検出し塩基を 読みとり解析を行う。各サンプルのシーケ ンスデータを専用の解析ソフトウェアを用 いて菌種の同定を Genus、Spiecies レベルま で解明する。

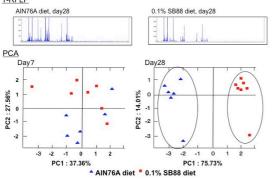
④ 関連分子発現変化の網羅的解析

SB88 死菌(ポリリン酸)混餌投与後の正常 SPF(IBS モデル)マウスの腸管上皮細胞の関連分子発現変化を RNA-seq によって網羅的 に解析する。網羅的解析には腸管上皮より total RNA を抽出し市販のキットを用いて精製した後に速やかに使用する。半導体チップを作成し次世代シーケンサを用い塩基配列を同定し、専用の解析ソフトウェアを用いて比較検討する。

4. 研究成果

①SB88死菌を28日間混餌投与することでマウス腸内細菌叢が変化することが確認できた。

Fig.1



SBB 死菌混餌投与後 28 日後の解析結果である PCA1(第一主成分: X 軸)で 2 群に分けられており腸内細菌叢の強い変化を示す結果となっている。またこの変化は短期間投与(28 日以下)では認められなかった。

変化した菌種については現在も解析を進めている。

②IBS モデルでは SB88 死菌投与による有効性は確認できなかったが、腸内細菌叢を変化させたマウスは慢性腸炎モデルの腸炎は改善した。

Fig.2



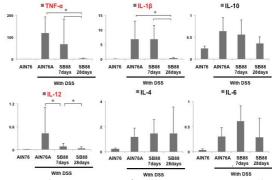


SB88 0.1% (7days) with DSS (H.E x100)





③腸管上皮における炎症性サイトカイン発現を抑制した。



以上の結果、IBS モデルにおける SB88 死菌 投与による有効性が確認できなかったが、炎症性サイトカイン発現を抑制していたこと から、SB88 死菌の有効成分であるポリリン酸が腸管に有効濃度で届いていない可能性 が考えられた。そのためより有効に SB88 死菌の活性成分であるポリリン酸を腸管内に 到達させるためにポリリン酸の有効発現のメカニズム解析へと移行した。

④ポリリン酸は腸管上皮細胞における TGF-b1 の発現を抑制し、線維化を抑制する ことが明らかとなった。

⑤ポリリン酸は、腸管上皮細胞に対しては IL-1b の発現抑制作用、マクロファージに対しては TNFa の発現抑制作用を発揮し、炎症を抑制することを明らかとした。

(Kashima S, <u>Ueno N</u> et al. Translational Research.2015.)

⑥ポリリン酸は、integrin 81 との結合によって腸管上皮に認識され、caveolin 依存性のエンドサイトーシスによって細胞内に取り込まれることが明らかになった。

⑦High-throughput sequencing 解析にてポリリン酸投与により有意に発現量が変化

する遺伝子を検討し、バリア機能増強作用 に関連する TNFAIP3、TMS84、DUSP2 を候補分子として同定した。

(Tanaka K, <u>Ueno N</u> et al. Biochem Bioph Res Co.2015)

本研究では、SB88 死菌による腸内細菌叢 の改善作用、IBSマウスモデルにおける治 療効果を明らかにすることで、IBSに対す る新規治療法開発の基盤的成果を得ること を目的とした。結果として SB88 死菌をマ ウスに投与することで腸内細菌叢を変化さ せることが明らかとなった、また腸内細菌 層が変化したマウスほど抗炎症効果を強く 発現することが明らかとなったか IBS モ デルマウスへの直接的な有効性は残念なが ら確認できなかった。原因として SB88 死 菌体そのものでは十分な有効量のポリリン 酸が腸管内へと到達していないことが考え られた。ポリリン酸には抗炎症作用、抗線 維化作用が確認でき、腸管上皮への取り込 みのメカニズムの一部も明らかとなったこ とから、今後はポリリン酸そのものを腸溶 剤カプセルとして投与することで IBS モ デルマウスへの有効性を見出していきたい と考えている。今後も研究は継続していく 予定である。

5. 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

〔雑誌論文〕(計4件)

- ① Tanaka K, Fujiya M, Konishi H, <u>Ueno</u>
 <u>N</u>, Sasajima J, Moriichi K, Ikuta K,
 Tanabe H, Kohgo Y. Probiotic-derived
 polyphosphate improves the
 intestinal barrier function through
 the caveolin-dependent endocytic
 pathway. Biochem Bioph Res Co.
 467(3),541-548, 2015
- Washima S, Fujiya M, Konishi H, <u>Ueno N</u>, Inaba Y, Moriichi K, Tanabe H, Ikuta K, Ohtake T, Kohgo Y. Polyphosphate, an active molecule derived from probiotic Lactobacillus brevis, improves the fibrosis in murine colitis. Translational Research.166(2):163-175, 2015.
- Ueno N, Hasebe T, Kaneko A, Yamamoto M, Wang Y, Fujiya M, Kohgo Y, Kono T, Musch MW, Chang TU-100 EB. (Daikenchuto) Ginger Ameliorate Anti-CD3 Antibody Induced T Cell-Mediated Murine Enteritis: Microbe-Independent Effects NF-kB Involving Akt and Suppression. PloSOne. 23;9(5):e97456,2014.

Fujiya M, Ueno N, Kohgo Y. Probiotic induction treatments for and remission maintenance of in bowel diseases: Α inflammatory meta-analysis of randomized controlled trials. Clin J Gastroenterol. 7(1):1–13, 2014.

〔学会発表〕(計4件)

- ① <u>上野 伸展</u>、Long-term oral dietary administration of a new probiotic, *Lactobacillus brevis* SBC8803, alters gut the microbiota and ameliorates DSS-induced colitis in mice、アメリカ 消化器病週間(DDW2014)、2014年5月5日、Chicago(USA)
- ② 上野 伸展、Oral dietary administration of heat-killed Lactobacillus brevis SBC8803 alters the gut microbiome and ameliorates experimental colitis in mice、CCFA、2014年12月5日、Orlando(USA)
- ③ 上野 伸展、新規麦芽乳酸菌 (Lactobacillus brevis SBC8803)死菌に よる腸内細菌叢の変化と抗炎症作用に 関する検討、第 100 回日本消化器病学 会総会、2015 年 4 月 24 日、東京
- ④ 上野 伸展、菌由来の活性物質である ポリリン酸を用いた新規炎症性腸疾患 治療薬の開発、第 102 回日本消化器病 学会総会、2016 年 4 月 23 日、東京

6. 研究組織

(1)研究代表者

上野 伸展 (UENO, NOBUHIRO) 旭川医科大学・医学部・助教 研究者番号:30436000